F FNT COOPERATION TREA

	From the INTERNATIONAL BUREAU			
PCT	To:			
NOTIFICATION OF ELECTION (PCT Rule 61.2)	Assistant Commissioner for Patents United States Patent and Trademark Office Box PCT			
	Washington, D.C.20231 ETATS-UNIS D'AMERIQUE			
Date of mailing: 25 May 2000 (25.05.00)	in its capacity as elected Office			
International application No.: PCT/JP99/06283	Applicant's or agent's file reference: 2568WO0P			
International filing date: 11 November 1999 (11.11.99)	Priority date: 13 November 1998 (13.11.98)			
Applicant: WATANABE, Takuya et al				
The designated Office is hereby notified of its election made: X in the demand filed with the International preliminary Examining Authority on: 06 January 2000 (06.01.00) in a notice effecting later election filed with the International Bureau on:				
2. The election X was was not was not made before the expiration of 19 months from the priority Rule 32.2(b).	date or, where Rule 32 applies, within the time limit under			
The International Bureau of WIDO	Authorized officer:			
The International Bureau of WIPO 34, ch min d s C lombettes				
1211 Geneva 20, Switzerland	J. Zahra			

Telephone No.: (41-22) 338.83.38

Form PCT/IB/331 (July 1992)

Facsimile No.: (41-22) 740.14.35



From the INTERNATIONAL BUREAU

PCT

NOTIFICATION OF RECEIPT OF **RECORD COPY**

(PCT Rule 24.2(a))

To:

TAKAHASHI, Shuichi Osaka Plant of Takeda Chemical Industries, Ltd. 17-85, Jusohonmachi 2-chome Yodogawa-ku Osaka-shi Osaka 532-0024 **JAPON**

Date of mailing (day/month/year) 01 December 1999 (01.12.99)	IMPORTANT NOTIFICATION	
Applicant's or agent's file reference 2568WO0P	International application No. PCT/JP99/06283	

The applicant is hereby notified that the International Bureau has received the record copy of the international application as detailed below.

Name(s) of the applicant(s) and State(s) for which they are applicants:

TAKEDA CHEMICAL INDUSTRIES, LTD. (for all designated States except US) WATANABE, Takuya et al (for US)

International filing date

11 November 1999 (11.11.99) 13 November 1998 (13.11.98)

Priority date(s) claimed

08 March 1999 (08.03.99) 14 April 1999 (14.04.99) 14 June 1999 (14.06.99) 04 August 1999 (04.08.99)

14 September 1999 (14.09.99)

Date of receipt of the record copy by the International Bureau

29 November 1999 (29.11.99)

List of designated Offices

AP:GH,GM,KE,LS,MW,SD,SL,SZ,TZ,UG,ZW

EA:AM,AZ,BY,KG,KZ,MD,RU,TJ,TM

EP:AT,BE,CH,CY,DE,DK,ES,FI,FR,GB,GR,IE,IT,LU,MC,NL,PT,SE

OA:BF,BJ,CF,CG,CI,CM,GA,GN,GW,ML,MR,NE,SN,TD,TG

National: AE,AL,AM,AU,AZ,BA,BB,BG,BR,BY,CA,CN,CR,CU,CZ,DM,EE,GD,GE,HR,HU,ID,IL,IN, IS,JP,KG,KR,KZ,LC,LK,LR,LT,LV,MA,MD,MG,MK,MN,MX,NO,NZ,PL,RO,RU,SG,SI,SK,SL,TJ,TM,

TR,TT,TZ,UA,US,UZ,VN,YU,ZA

The International Bureau of WIPO 34, chemin des Colombettes 1211 Geneva 20, Switzerland

Authorized officer:

Śhinji IGARASHI

Telephone No. (41-22) 338.83.38

Facsimile No. (41-22) 740.14.35

Continuation of Form PCT/IB/301

NOTIFICATION OF RECEIPT OF RECORD COPY

O1 December 1999 (01.12.99)	IMPORTANT NOTIFICATION	
Applicant's or agent's file reference	International application No.	
2568WO0P	PCT/JP99/06283	

ATTENTION

The applicant should carefully check the data appearing in this Notification. In case of any discrepancy between these data and the indications in the international application, the applicant should immediately inform the International Bureau.

In addition, the applicant's attention is drawn to the information contained in the Annex, relating to:

X time limits for entry into the national phase
X confirmation of precautionary designations

X requirements regarding priority documents

A copy of this Notification is being sent to the receiving Office and to the International Searching Authority.

ANNEX TO FORM PCT/IB/301

INFORMATION ON TIME LIMITS FOR ENTERING THE NATIONAL PHASE

The applicant is reminded that the "national phase" must be entered before each of the designated Offices indicated in the Notification of Receipt of Record Copy (Form PCT/IB/301) by paying national fees and furnishing translations, as prescribed by the applicable national laws.

The time limit for performing these procedural acts is 20 MONTHS from the priority date or, for those designated States which the applicant elects in a demand for international preliminary examination or in a later election, 30 MONTHS from the priority date, provided that the election is made before the expiration of 19 months from the priority date. Some designated (or elected) Offices have fixed time limits which expire even later than 20 or 30 months from the priority date. In other Offices an extension of time or grace period, in some cases upon payment of an additional fee, is available.

In addition to these procedural acts, the applicant may also have to comply with other special requirements applicable in certain Offices. It is the applicant's responsibility to ensure that the necessary steps to enter the national phase are taken in a timely fashion. Most designated Offices do not issue reminders to applicants in connection with the entry into the national phase.

For detailed information about the procedural acts to be performed to enter the national phase before each designated Office, the applicable time limits and possible extensions of time or grace periods, and any other requirements, see the relevant Chapters of Volume II of the PCT Applicant's Guide. Information about the requirements for filing a demand for international preliminary examination is set out in Chapter IX of Volume I of the PCT Applicant's Guide.

GR and ES became bound by PCT Chapter II on 7 September 1996 and 6 September 1997, respectively, and may, therefore, be elected in a demand or a later election filed on or after 7 September 1996 and 6 September 1997, respectively, regardless of the filing date of the international application. (See second paragraph above.)

Note that only an applicant who is a national or resident of a PCT Contracting State which is bound by Chapter II has the right to file a demand for international preliminary examination.

CONFIRMATION OF PRECAUTIONARY DESIGNATIONS

This notification lists only specific designations made under Rule 4.9(a) in the request. It is important to check that these designations are correct. Errors in designations can be corrected where precautionary designations have been made under Rule 4.9(b). The applicant is hereby reminded that any precautionary designations may be confirmed according to Rule 4.9(c) before the expiration of 15 months from the priority date. If it is not confirmed, it will automatically be regarded as withdrawn by the applicant. There will be no reminder and no invitation. Confirmation of a designation consists of the filing of a notice specifying the designated State concerned (with an indication of the kind of protection or treatment desired) and the payment of the designation and confirmation fees. Confirmation must reach the receiving Office within the 15-month time limit.

REQUIREMENTS REGARDING PRIORITY DOCUMENTS

For applicants who have not yet complied with the requirements regarding priority documents, the following is recalled.

Where the priority of an earlier national, regional or international application is claimed, the applicant must submit a copy of the said earlier application, certified by the authority with which it was filed ("the priority document") to the receiving Office (which will transmit it to the International Bureau) or directly to the International Bureau, before the expiration of 16 months from the priority date, provided that any such priority document may still be submitted to the International Bureau before that date of international publication of the international application, in which case that document will be considered to have been received by the International Bureau on the last day of the 16-month time limit (Rule 17.1(a)).

Where the priority document is issued by the receiving Office, the applicant may, instead of submitting the priority document, request the receiving Office to prepare and transmit the priority document to the International Bureau. Such request must be made before the expiration of the 16-month time limit and may be subjected by the receiving Office to the payment of a fee (Rule 17.1(b)).

If the priority document concerned is not submitted to the International Bureau or if the request to the receiving Office to prepare and transmit the priority document has not been made (and the corresponding fee, if any, paid) within the applicable time limit indicated under the preceding paragraphs, any designated State may disregard the priority claim, provided that no designated Office may disregard the priority claim concerned before giving the applicant an opportunity to furnish the priority document within a time limit which is reasonable under the circumstances.

Where several priorities are claimed, the priority date to be considered for the purposes of computing the 16-month time limit is the filing date of the earliest application whose priority is claimed.

PATENT COOPERATION TREATY

PCT

INFORMATION CONCERNING ELECTED OFFICES NOTIFIED OF THEIR ELECTION

(PCT Rule 61.3)

From the INTERNATIONAL BUREAU

To:

TAKAHASHI, Shuichi
Osaka Plant of Takeda Chemical
Industries, Ltd.
17-85, Jusohonmachi 2-chome
Yodogawa-ku
Osaka-shi
Osaka 532-0024
JAPON

Date of mailing (day/month/year)

25 May 2000 (25.05.00)

Applicant's or agent's file reference

2568WO0P

IMPORTANT INFORMATION

International application No.

PCT/JP99/06283

International filing date (day/month/year)
11 November 1999 (11.11.99)

Priority date (day/month/year)

13 November 1998 (13.11.98)

Applicant

TAKEDA CHEMICAL INDUSTRIES, LTD. et al

1. The applicant is hereby informed that the International Bureau has, according to Article 31(7), notified each of the following Offices of its election:

AP:GH,GM,KE,LS,MW,SD,SL,SZ,TZ,UG,ZW

EP:AT,BE,CH,CY,DE,DK,ES,FI,FR,GB,GR,IE,IT,LU,MC,NL,PT,SE

National: AU, BG, BR, CA, CN, CZ, IL, JP, KR, MA, MN, NO, NZ, PL, RO, RU, SK, US

2. The following Offices have waived the requirement for the notification of their election; the notification will be sent to them by the International Bureau only upon their request:

EA: AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM

OA:BF,BJ,CF,CG,CI,CM,GA,GN,GW,ML,MR,NE,SN,TD,TG

National: AE,AL,AM,AZ,BA,BB,BY,CR,CU,DM,EE,GD,GE,HR,HU,ID,IN,IS,KG,KZ,LC,

LK,LR,LT,LV,MD,MG,MK,MX,SG,SI,SL,TJ,TM,TR,TT,TZ,UA,UZ,VN,YU,ZA

3. The applicant is reminded that he must enter the "national phase" before the expiration of 30 months from the priority date before each of the Offices listed above. This must be done by paying the national fee(s) and furnishing, if prescribed, a translation of the international application (Article 39(1)(a)), as well as, where applicable, by furnishing a translation of any annexes of the international preliminary examination report (Article 36(3)(b) and Rule 74.1).

Some offices have fixed time limits expiring later than the above-mentioned time limit. For detailed information about the applicable time limits and the acts to be performed upon entry into the national phase before a particular Office, see Volume II of the PCT Applicant's Guide.

The entry into the European regional phase is postponed until 31 months from the priority date for all States designated for the purposes of obtaining a European patent.

The International Bureau of WIPO 34, chemin des Colombettes 1211 Geneva 20, Switzerland Authorized officer:

J. Zahra

Facsimile No. (41-22) 740.14.35

Telephone No. (41-22) 338.83.38

//

From the INTERNATIONAL BUREAU

PCT

NOTIFICATION CONCERNING SUBMISSION OR TRANSMITTAL OF PRIORITY DOCUMENT

(PCT Administrative Instructions, Section 411)

To:

TAKAHASHI, Shuichi Osaka Plant of Takeda Chemical Industries, Ltd. 17-85, Jusohonmachi 2-chome Yodogawa-ku Osaka-shi Osaka 532-0024 JAPON



Date of mailing (day/month/year) 27 January 2000 (27.01.00)	JAPON
Applicant's or agent's file reference 2568WOOP	IMPORTANT NOTIFICATION
International application No. PCT/JP99/06283	International filing date (day/month/year) 11 November 1999 (11.11.99)
International publication date (day/month/year) Not yet published	Priority date (day/month/year) 13 November 1998 (13.11.98)

TAKEDA CHEMICAL INDUSTRIES, LTD. et al

- 1. The applicant is hereby notified of the date of receipt (except where the letters "NR" appear in the right-hand column) by the International Bureau of the priority document(s) relating to the earlier application(s) indicated below. Unless otherwise indicated by an asterisk appearing next to a date of receipt, or by the letters "NR", in the right-hand column, the priority document concerned was submitted or transmitted to the International Bureau in compliance with Rule 17.1(a) or (b).
- 2. This updates and replaces any previously issued notification concerning submission or transmittal of priority documents.
- 3. An asterisk(*) appearing next to a date of receipt, in the right-hand column, denotes a priority document submitted or transmitted to the International Bureau but not in compliance with Rule 17.1(a) or (b). In such a case, the attention of the applicant is directed to Rule 17.1(c) which provides that no designated Office may disregard the priority claim concerned before giving the applicant an opportunity, upon entry into the national phase, to furnish the priority document within a time limit which is reasonable under the circumstances.
- 4. The letters "NR" appearing in the right-hand column denote a priority document which was not received by the International Bureau or which the applicant did not request the receiving Office to prepare and transmit to the International Bureau, as provided by Rule 17.1(a) or (b), respectively. In such a case, the attention of the applicant is directed to Rule 17.1(c) which provides that no designated Office may disregard the priority claim concerned before giving the applicant an opportunity, upon entry into the national phase, to furnish the priority document within a time limit which is reasonable under the circumstances.

Priority date	Priority application No.	Country or regional Office or PCT receiving Office	Date of receipt of priority document
13 Nove 1998 (13.11.98)	10/323759	JP	06 Janu 2000 (06.01.00)
08 Marc 1999 (08.03.99)	11/60030	JP	06 Janu 2000 (06.01.00)
14 Apri 1999 (14.04.99)	11/106812	JP	06 Janu 2000 (06.01.00)
14 June 1999 (14.06.99)	11/166672	JP	06 Janu 2000 (06.01.00)
04 Augu 1999 (04.08.99)	11/221640	JP	06 Janu 2000 (06.01.00)
14 Sept 1999 (14.09.99)	11/259818 .	JP	06 Janu 2000 (06.01.00)
, ,	,		

The International Bureau of WIPO 34, chemin des Colombettes 1211 Geneva 20, Switzerland	Authorized officer Taïeb Akremi
Facsimile No. (41-22) 740.14.35	Telephone No. (41-22) 338.83.38

15

PCT

NOTICE INFORMING THE APPLICANT OF THE COMMUNICATION OF THE INTERNATIONAL APPLICATION TO THE DESIGNATED OFFICES

(PCT Rule 47.1(c), first sentence)

To:

TAKAHASHI, Shuichi Osaka Plant of Takeda Chemical Industries, Ltd.

17-85, Jusohonmachi 2-chome....

Yodogawa-ku Osaka-shi Osaka 532-0024

JAPON



Date of mailing (day/month/year)

25 May 2000 (25.05.00)

Applicant's or agent's file reference

2568WO0P

IMPORTANT NOTICE

International application No. PCT/JP99/06283

International filing date (day/month/year) 11 November 1999 (11.11.99) Priority date (day/month/year)

13 November 1998 (13.11.98)

Applicant

TAKEDA CHEMICAL INDUSTRIES, LTD. et al

Notice is hereby given that the International Bureau has communicated, as provided in Article 20, the international application
to the following designated Offices on the date indicated above as the date of mailing of this Notice:
AU.CN.JP.KR.MA.US

In accordance with Rule 47.1(c), third sentence, those Offices will accept the present Notice as conclusive evidence that the communication of the international application has duly taken place on the date of mailing indicated above and no copy of the international application is required to be furnished by the applicant to the designated Office(s).

2. The following designated Offices have waived the requirement for such a communication at this time:

AE,AL,AM,AP,AZ,BA,BB,BG,BR,BY,CA,CR,CU,CZ,DM,EA,EE,EP,GD,GE,HR,HU,ID,IL,IN,IS,KG,KZ,LC,LK,LR,LT,LV,MD,MG,MK,MN,MX,NO,NZ,OA,PL,RO,RU,SG,SI,SK,SL,TJ,TM,TR,TT,TZ,UA,

UZ,VN,YU,ZA
The communication will be made to those Offices only upon their request. Furthermore, those Offices do not require the applicant to furnish a copy of the international application (Rule 49.1(a-bis)).

 Enclosed with this Notice is a copy of the international application as published by the International Bureau on 25 May 2000 (25.05.00) under No. WO 00/29441

REMINDER REGARDING CHAPTER II (Article 31(2)(a) and Rule 54.2)

If the applicant wishes to postpone entry into the national phase until 30 months (or later in some Offices) from the priority date, a demand for international preliminary examination must be filed with the competent International Preliminary Examining Authority before the expiration of 19 months from the priority date.

It is the applicant's sole responsibility to monitor the 19-month time limit.

Note that only an applicant who is a national or resident of a PCT Contracting State which is bound by Chapter II has the right to file a demand for international preliminary examination.

REMINDER REGARDING ENTRY INTO THE NATIONAL PHASE (Article 22 or 39(1))

If the applicant wishes to proceed with the international application in the national phase, he must, within 20 months or 30 months, or later in some Offices, perform the acts referred to therein before each designated or elected Office.

For further important information on the time limits and acts to be performed for entering the national phase, see the Annex to Form PCT/IB/301 (Notification of Receipt of Record Copy) and Volume II of the PCT Applicant's Guide.

The Int rnational Bureau f WIPO 34, chemin des Colombettes 1211 Geneva 20, Switzerland Authorized officer

J. Zahra

Facsimile No. (41-22) 740.14.35

Telephone No. (41-22) 338.83.38

PATENT COOPERATION TREATY

PCT

INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPORT

(PTC Article 36 and Rule 70)

Applicant's or agent's file reference 2568WO0P	FOR FURTHER AC		ransmittal of International tion Raport (Form PCT/IPEA/416)			
International application No.	International filing date (day/month/year)		Priority date (day/month/year)			
PCT/JP99/06283	11/11/1999		13/11/1998			
	International Patent Classification (IPC) or national classfication and IPC Int.C1 ⁷ C07K14/705, C12N 15/12, C12P 21/02, C07K16/28, A61K39/395, G01N33/50, C07K2/00, A61K38/00					
Applicant						
TAKEDA CHEMICAL INDUSTRIES,	LTD					
This international preliminary exame and is transmitted to the applicant This REPORT consists of a total of	according to Article 36.		y Examining Authrity			
been amended and are the basis (see Rule 70.16and Section 607						
These annexes consist of a total o	f sheets.					
This report contains indications re I ⊠ Basis of the report	lating to the following items:		-			
II ☐ Priority III ☐ Non-establishment of opinion with regard to noveltyl, inventive step and industrial applicability IV ☐ Lack of unify of invention V ☒ Reasoned statement under Article 35(2) with regard to novelty, inventive step or industrial applicability; citations and explanations suporting such statement VI ☐ Certain documents cited VI ☐ Certain defects in the international application VII ☐ Certain observations on the international application						
Date of submission of the demand Date of completion of this report						
06/01/2000		28/11/2000				
Name and mailing address of the internatio preliminary examining authority: Japanese Patent Office (IPEA/JP) 4-3, Kasumigaseki 3-chome, Chiyoda 100-8915 JAPAN		Authorized officer OGURA Michiaki Telephon No. 03 3581 1101	3448			

INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPORT

International application N . PCT/JP99/06283

I.	Bas	is of the report				
1.	resp	is report has been drawn on the basis of (substitute sheets which have been furnished to the receiving Office in sponse to an invitation under Article 14 are referred to in this report as "originally filed" and are not annexed to e report since they do not contain amendments (Rules 70.16 and 70.17).):				
	\boxtimes	International Filing	Document as originally filed			
	_Des	scription, pages:				
			s originally filed as received on	with letter of		
	:			Will losses. Cr		
	□ □	ms, No:	as originally filed			
			as received on	with letter of		
	Dray	wings No:				
			as originally filed			
			as received on	with letter of		
	Sea	uence Listing				
	Зеці П		as originally filed			
			as received on	with letter of		
2.				ove were available or furnished to this Authority in the unless otherwise indicated under this item.		
	These	e elements were av	vailable or furnished to this Auth	ority in the following language: , which is:		
		the language of pu	ublication of the international ap	poses of the international search (under Rule 23.1(b)). plication (under Rule 48.3 (b)). poses of international preliminary examination (under Rule		
				nce disclosed in the international application, the the basis of the sequence listing:		
	 contained in the international application in written form. filed togther with the international application in computer readable form. furnished subsequently to this Authority in written form. furnished subsequently to this Authority in computer readable form. The statement that the subsequently furnished wrriten sequence listing does not go beyond the disclosure in the international application as filed has been furnished. The statement that the information recorded in computer readable form is identical to the written sequence listing has been furnished. 					
4. 7	4. The amendments have resulted in the cancellation of:					
		the description, the claims, the drawings,	pages: Nos.: sheets:			
5.			een estabished as if (some of) t eyond the disclosure as filed (F	he amendments had not been made, since they have been ule 70.2c):		
		(Any replacement	sheet containing such amendme	ents must be referred to under item 1 and annexed to this report.)		

THIS PAGE PI ANK (USPTO)

INTERNATIONAL PRELIMINARY

EXAMINATION REPOR	<u> </u>		International application N . PCT/JP99/06283		
V. Reasoned statement under Article 35(2) with regard to novelty, inventive step or industrial applicability; citations and explanations supporting such statement					
1. Statement					
Novelty (N)	Yes: No:	Claims Claims	1-44		
Inventive Step (IS)	Yes: No:	Claims Claims	1-44		
Industeial applicability (IA)	Yes: No:	Claims Claims	1-44		
Citations and explanations See attached					

TAGE BLANK (USPTO)

INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPORT V.2 Citations and explanations

In "JP, 9-238686, A (Takeda Chemical Industries, Ltd.), September 16, 1997 (16.09.97)" and "WO, 97/24436, A2 (TAKEDA CHEM IND LTD), July 10, 1997 (10.07.97)" listed in the international search report, a method for obtaining a novel G protein-coupled receptor protein or a novel ligand polypeptide is described.

The method for obtaining a novel G protein-coupled receptor protein or a novel ligand polypeptide described in the present specification is similar to, in particular, the method described in the latter literature.

However, the inventions directed to the novel G protein-coupled receptor protein, novel ligand polypeptide, etc., in other words, the inventions recited in claims 1 through 44 are neither similar to any of those described in the literature *supra*, nor obvious to one skilled in the art.

15

Moreover, the inventions described in claims 1 to 44 are neither described in nor obvious over "Daniela Marazziti et al.; 'Molecular cloning and chromosomal localization of the mouse Gpr37 gene encoding an orphan G-protein-coupled peptide receptor experssed in brain and testis', Genomics (1998), Vol. 53, No. 3, p. 315-324".

Claims 1 to 27:

10

15

20

30

35

Regarding the "polypeptide containing the amino acid sequence represented by SEQ ID NO:1" recited in claim 1, it is described in the specification that the polypeptide is "human type" "novel physiologically active polypeptide", which becomes a ligand to a novel receptor protein. However, the specification fails to give any concrete explanation, with what physiological activities the polypeptide is actually associated as a ligand. Also, in light of the technical common knowledge at the time when this application was filed, the physiological activities are unclear.

Thus, since it is unclear what functions the polypeptide actually exhibits for the "polypeptide containing the amino acid sequence represented by SEQ ID NO:1" claimed in claim 1, it should be said that how to use the polypeptide specifically is unclear as well.

Now an invention that is unclear to one skilled in the art in terms of how to use the invention even in light of the description in its specification and the technical common knowledge as of filing of this application is not recognized to be sufficiently supported in the specification.

In short, it is not recognized that the invention of claim 1 is sufficiently supported by the specification and drawings.

On the same ground, it is recognized that the inventions of claims 2 through 27 are not fully supported by the specification and drawings.

25 Claims 28 through 44:

Regarding the "protein containing the amino acid sequence represented by SEQ ID NO:37" recited in claim 28, it is described in the specification that the protein is "rat cerebellum-derived" "novel G protein-coupled receptor protein" and it reacts with a polypeptide comprising the amino acid sequence shown by SEQ ID NO:39 or SEQ ID NO:40. However, the specification fails to give any concrete explanation, with what physiological activities the receptor protein is actually associated. Also, in light of the technical common knowledge at the time when this application was filed, the physiological activities are unclear.

Thus, since it is unclear what functions the protein in the "protein containing the amino acid sequence represented by SEQ ID NO:37" recited in claim 28, it should be said that how to use the protein specifically is unclear as well.

Now, an invention that is unclear to one skilled in the art in terms of how to use the invention even in light of the description in its specification and the technical common knowledge as of filing of its application is not recognized to be sufficiently supported in the specification.

In short, it is not recognized that the invention of claim 28 is sufficiently supported by the specification and drawings.

On the same ground, it is recognized that the inventions of claims 29 through 44 are not fully supported by the specification and drawings.

15

10

5

10

15

20

(ii) Assuming that user X can open the door, the Door Concept object 10a constructs the message '<door id>, <open>' and sends it (2) to the DM 22.

The DM delivers the incoming message (2) to its version of the door entity, the Sliding Door Dynamic object 12a, using the unique identifier that heads the message. The Sliding Door Dynamic object 12a constructs a message for the Visual Representative Objects 14a of the form '<door id>, <ap >> <to position ..., over time ...>'...

of the relevant Visual Representative Object 14a. The Dynamic Representative Object 12a will, during a predefined time period, open the door whilst checking for collisions with the Approximative Objects. Each client 24 recollisions will also age (3) from the DM 22 will route it to its instance of the entity, the Sliding Door Visual object 14a.

The object 14a utilises the position and time data indicated in the message to animate the door opening with the appropriate visual effects.

Should the Dynamic Representative Object 12a detect a variation from the predicted situation, perhaps caused by collision or the destruction of the door, it will generate a new message for the clients 24 to update their Visual Representative Objects 14a of the form <door id>, <stop opening>, <at position>'.

It is to be noted that to provide an efficient implementation, the message format should be highly optimised rather than the ASCII strings indicated above. By way of example, if each of the concept/dynamic/visual representative objects has a defined, numbered set of requests, the message header becomes a pair of numbers. The first number, the entity id, allows incoming messages to be routed to the correct representative objective. The second number, the request, allows the relevant method on the representative object to be called. This can then unpack any additional data supplied in the message and implement the required request on a single server is unlikely to achieve the desired level of scalability. The vast majority of network traffic generated in a VE is related to the dynamics of the environment. Hence a single server could quickly form a communications

10

25

30

connections 23, whilst potentially low bandwidth, should offer consistent latency and bandwidth. Running IP (Internet Protocol) over a dial-in system over the PSTN (Public Switched Telecommunications Network) using PPP (Point-to-Point Protocol) should, for example, be suitable. The architecture is also highly suited to an 5 asynchronous client network 23 such as those provided by ADSL (Asymmetric Digital Subscriber Line) technology where the downstream capacity is higher than the upstream capacity.

Figure 3 shows an example of messaging interaction between respective clients and a Rule Manager 20 and a Dynamics Manager 22.

It will be assumed that the implemented embodiment uses a unique identifier to represent each entity within the system and that in particular a given door entity type may be represented as 'Door Concept, Sliding Door Dynamic, Sliding Door Visual'. The implemented embodiment further provides for sequenced, reliable message transfer between representatives objects of the same 15 entity with an example message format of the form '<destination entity>, <request>, <... optional data>'. A particular set of actions that the user can perform on each Visual Representative Object 14 will be defined.

In the example of Figure 3, the Rule Manager 20 will have an instance of a Door Concept object 10a, the Dynamics Manager 22 will have an instance of a 20 Sliding Door Dynamic object 12a and the clients 24 will have instances of the respective Sliding Door Visual object 14a. Each will be assigned the same identity door id.

Referring to the illustrative steps in Figure 3.

Through a Graphical User Interface (GUI), a user of a first client 25 selects the action lopen' from a list of actions permitted in respect of the Sliding Door Visual object 14a shown at the client.

The Sliding Door Visual object 14a constructs a message '<docr id>, <client action> <open, from user X>' which is sent to the RM SC. The RM delivers the mounting message (1) to its ... was needs the message. The down Concept object 10a processes the request and, using internal game logic, decides if

user X can, in fact, open the door.

Translation



INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPORT

(PCT Article 36 and Rule 70)

Applicant's or agent's file reference 2568WO0P	FOR FURTHER ACTION	SeeNotificat Examination	ionofTransmittalofInternational Preliminary Report (Form PCT/IPEA/416)	
International application No. PCT/JP99/06283	International filing date (day/n 11 November 1999 (1	• •	Priority date (day/month/year) 13 November 1998 (13.11.98)	
International Patent Classification (IPC) or national classification and IPC C07K 14/705, C12N 15/12, C12P 21/02, C07K 16/28, A61K 39/395, G01N 33/50, C07K 2/00, A61K 38/00				
Applicant TAK	KEDA CHEMICAL INDU	STRIES, L	TD.	
 This international preliminary examination report has been prepared by this International Preliminary Examining Authority and is transmitted to the applicant according to Article 36. This REPORT consists of a total of 6 sheets, including this cover sheet. This report is also accompanied by ANNEXES, i.e., sheets of the description, claims and/or drawings which have be amended and are the basis for this report and/or sheets containing rectifications made before this Authority (see Report 20.16 and Section 607 of the Administrative Instructions under the PCT). 				
These annexes consist of a total		.		
IV Lack of unity of inver V Reasoned statement u citations and explanat VI Certain documents cit VII Certain defects in the	f opinion with regard to novelty, ntion under Article 35(2) with regard t tions supporting such statement		o and industrial applicability entive step or industrial applicability;	
Date of submission of the demand	Date of c	completion of	this report	
06 January 2000 (06.01.	.00)	28 Nov	ember 2000 (28.11.2000)	
Name and mailing address of the IPEA/JP	Authoriz	ed officer		
Facsimile No.	Telephor	ne No.		

Form PCT/IPEA/409 (cover sheet) (July 1998)

INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPORT

national application No.

PCT/JP99/06283

Ľ	Basis	asis of the report	
1.	With	/ith regard to the elements of the international application:*	
	\boxtimes	the international application as originally filed	
		the description:	
		pages	, as originally filed
		pages	, filed with the demand
		pages, filed with	
		the claims:	
ĺ		nages	, as originally filed
		pages, as am	
		pages	
		pages, filed with	
		the drawings:	
	ш		as originally filed
		pages	
		pages, filed with	
	\Box	, med with	the letter of
		the sequence listing part of the description:	
		pages	, as originally filed
		pages	
		pages, filed with	the letter of
2.	the in	Ith regard to the language, all the elements marked above were available or e international application was filed, unless otherwise indicated under this iten nese elements were available or furnished to this Authority in the following later the language of a translation furnished for the purposes of international seems.	n. nguage which is: earch (under Rule 23.1(b)).
	\square	the language of publication of the international application (under Rule 4	
		the language of the translation furnished for the purposes of internation or 55.3).	nal preliminary examination (under Rule 55.2 and/
3.	With	Tith regard to any nucleotide and/or amino acid sequence disclosed in the liminary examination was carried out on the basis of the sequence listing:	n the international application, the international
		contained in the international application in written form.	
	Ш	filed together with the international application in computer readable form	n.
	\square	furnished subsequently to this Authority in written form.	
	\bowtie	furnished subsequently to this Authority in computer readable form.	
		The statement that the subsequently furnished written sequence lis international application as filed has been furnished.	ting does not go beyond the disclosure in the
	\bowtie	The statement that the information recorded in computer readable for been furnished.	m is identical to the written sequence listing has
4.		The amendments have resulted in the cancellation of:	
		the description, pages	
		the claims, Nos.	
		the drawings, sheets/fig	
5.		This report has been established as if (some of) the amendments had not beyond the disclosure as filed, as indicated in the Supplemental Box (Rule	been made, since they have been considered to go 70.2(c)).**
	in thi and 7	placement sheets which have been furnished to the receiving Office in respon this report as "originally filed" and are not annexed to this report sind 170.17).	se to an invitation under Article 14 are referred to ce they do not contain amendments (Rule 70.16
##.	Any re	y replacement sheet containing such amendments must be referred to under ite	em 1 and annexed to this report.

YES

NO

1 - 44

V.	Reasoned statement under Article 35(2) with regard to novelty, inventive step or industrial applicability; citations and explanations supporting such statement				
1.	Statement				
	Novelty (N)	Claims	1-44	YES	
		Claims		NO	
	Inventive step (IS)	Claims	1-44	YES	
		Claims		NO	

2. Citations and explanations

Industrial applicability (IA)

JP, 9-238686, A (Takeda Chemical Industries, Ltd.), 16 September 1997 (16.09.97) and WO, 97/24436, A2 (Takeda Chemical Industries, Ltd.), 10 July 1997 (10.07.97) cited in the international search report disclose processes for obtaining novel G-protein-coupled receptor proteins and novel ligand polypeptides.

Claims

Claims

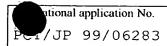
Moreover, the processes for obtaining novel G-protein-coupled receptor proteins and novel ligand polypeptides described in the description of the present application resemble especially the methods disclosed in the second document cited above.

However, the novel G-protein-coupled receptor proteins and novel ligand polypeptides, etc., actually obtained in the invention of the present application, which constitute the invention described in Claims 1-44, do not resemble the inventions disclosed in the above documents, and would not be obvious to a person skilled in the art from the disclosures therein.

Moreover the invention described in Claims 1-44 is not disclosed in Daniela Marazziti et al., "Molecular cloning and chromosomal localization of the mouse Gpr37 gene encoding an orphan G-protein-coupled peptide receptor expressed in brain and testis", Genomics (1998), Vol. 53, No. 3, pp. 315-324, cited in the international search

INTERNATIONAL PREÈ

ARY EXAMINATION REPORT



		repo	ort;	nor	would	it	be	obvious	to	a	person	skilled	in	the	
İ		art	from	n dis	sclosu	res	the	erein.							
l															
l															
															•
															i
												,			
								•							
_	· · · · · ·											·			

VIII. Certain observations on the international application

The following observations on the clarity of the claims, description, and drawings or on the question whether the claims are fully supported by the description, are made:

Claims 1-27

The description of the invention describes the "polypeptide ... containing an amino acid sequence represented by SEQ ID NO: 1 ..." described in Claim 1 as a "human" "physiologically active polypeptide", and indicates that it is a novel receptor protein ligand. However, the description does not indicate any specific physiological activity actually linked with said polypeptide, and said physiological activity would not be clear from common general knowledge of the art at the time of filing the present application.

The actual function of the "polypeptide ... containing an amino acid sequence represented by SEQ ID NO: 1 ..." described in Claim 1 is thus unclear, and consequently its specific application is unclear.

An invention the applicability whereof would be unclear to a skilled man from reference to the description of the invention together with common general knowledge of the art at the time of filing cannot be considered to be fully supported by the description.

Therefore, the invention as described in Claim 1 is not fully supported by the description and drawings.

For the same reason, the invention as described in Claims 2-27 is also not fully supported by the description and drawings.

Claims 28-44

The description states that the "protein ... containing an amino acid sequence represented by SEQ ID NO: 37 ..." described in Claim 28 is "a novel G-protein-coupled receptor protein" "from the region around the

VIII Certain observations on the international application

brainstem of the rat", and indicates that it reacts with a polypeptide comprising an amino acid sequence shown in SEQ ID NO: 39 or SEQ ID NO: 40. However, the description does not indicate any specific physiological activity actually linked with said receptor, and said physiological activity would not be clear from common general knowledge of the art at the time filing.

The actual function of the "protein ... containing an amino acid sequence represented by SEQ ID NO: 37 ..." described in Claim 28 is thus unclear, and consequently its specific application is unclear.

An invention the applicability whereof would be unclear to a skilled man from reference to the description of the invention together with common general knowledge of the art at the time of filing cannot be considered to be fully supported by the description.

Therefore, the invention as described in Claim 28 is not fully supported by the description and drawings.

For the same reason, the invention as described in Claims 29-44 is also not fully supported by the description and drawings.



特許協力条約



今後の手続きについては、国際予備審査報告の送付通知(様式PCT/

PCT

国際予備審査報告

(法第12条、法施行規則第56条) [PCT36条及びPCT規則70]

出願人又は代理人

国際出願番号 PCT/JP99/06283	の書類記号 2568WOOP IPEA/416)を参照すること。							
出願人 (氏名又は名称)	PCT/JP99/06283 (日.月.年) 11.11.99 (日.月.年) 13.11.98							
武田薬品工業株式会社 1. 国際予備審査機関が作成したこの国際予備審査報告を法施行規則第57条 (PCT36条) の規定に従い送付する。 2. この国際予備審査報告には、附属書類、つまり補正されて、この報告の基礎とされた及び/又はこの国際予備審査機関に対してした訂正を含む明細番、請求の範囲及び/又は図面も添付されている。 (PCT規則70.16及びPCT実施細則第607号を照)この附属書類は、全部で ページである。 3. この国際予備審査報告は、次の内容を含む。 I ※ 国際予備審査報告の基礎 II 「 仮先権 III 「 新規性、進歩性又は産業上の利用可能性についての国際予備審査報告の不作成 IV 「 発明の単一性の欠如 V ※ PCT35条(2)に規定する新規性、進歩性又は産業上の利用可能性についての見解、それを裏付けるための文献及び説明 VI	国際特許分類 (IPC) Int.Cl' C07K14/705, C12N15/12, C12P21/02, C07K16/28 A61K39/395, G01N33/50, C07K2/00, A61K38/00							
この国際予備審査報告は、この表紙を含めて全部で 4 ページからなる。 □ この国際予備審査報告には、附属書類、つまり補正されて、この報告の基礎とされた及び/又はこの国際予備審査機関に対してした訂正を含む明細書、請求の範囲及び/又は図面も添付されている。								
I	2. この国際予備審査報告は、この表紙を含めて全部で 4 ページからなる。 □ この国際予備審査報告には、附属書類、つまり補正されて、この報告の基礎とされた及び/又はこの国際予備審査機関に対してした訂正を含む明細書、請求の範囲及び/又は図面も添付されている。 (PCT規則70.16及びPCT実施細則第607号参照)							
l i	I							

国際予備審査の請求書を受理した日 06.01.00	国際予備審査報告を作成した日 28.11.00				
名称及びあて先 日本国特許庁(IPEA/JP) 郵便番号100-8915 東京都千代田区霞が関三丁目4番3号	特許庁審査官(権限のある職員) 4B 9358 小暮 道明 印 電話番号 03-3581-1101 内線 3448				







国際出願番号 PCT/JP99/06283

I. 国際予備審査報告の基礎						
1. この国際予備審査報告は下記の出願書類に基づいて作成された。 (法第6条 (PCT14条) の規定に基づく命令に 応答するために提出された差し替え用紙は、この報告書において「出願時」とし、本報告書には添付しない。 PCT規則70.16,70.17)						
※ 出願時の国際出願書類						
明細書 第 ^	ページ、 出願時に提出されたもの					
請求の範囲 第	出願時に提出されたものPCT19条の規定に基づき補正されたもの国際予備審査の請求書と共に提出されたもの付の書簡と共に提出されたもの					
図面 第	*ージ/図、 出願時に提出されたもの *ージ/図、 国際予備審査の請求書と共に提出されたもの *ージ/図、 付の審簡と共に提出されたもの					
明細書の配列表の部分 第	ページ、 出願時に提出されたもの ページ、 国際予備審査の請求書と共に提出されたもの ページ、					
2. 上記の出願書類の言語は、下記に示す場合を除 上記の書類は、下記の言語である						
□ 国際調査のために提出されたPCT規則2 □ PCT規則48.3(b)にいう国際公開の言語 □ 国際予備審査のために提出されたPCT規	3.1(b)にいう翻訳文の言語 見則55.2または55.3にいう翻訳文の言語					
□ この国際出願に含まれる書面による配列者□ この国際出願と共に提出されたフレキシラ□ 出願後に、この国際予備審査(または調査□ 出願後に、この国際予備審査(または調査□ 出願後に提出した書面による配列表が出願書の提出があった	□ この国際出願に含まれる書面による配列表 □ この国際出願と共に提出されたフレキシブルディスクによる配列表 □ 出願後に、この国際予備審査(または調査)機関に提出された書面による配列表 □ 出願後に、この国際予備審査(または調査)機関に提出されたフレキシブルディスクによる配列表 □ 出願後に提出した書面による配列表が出願時における国際出願の開示の範囲を超える事項を含まない旨の陳述書の提出があった □ 本面による配列表に記載した配列とフレキシブルディスクによる配列表に記録した配列が同一である旨の陳述					
4. 補正により、下記の書類が削除された。	ページ 頁 ページ/図					
5. □ この国際予備審査報告は、補充欄に示したように、補正が出願時における開示の範囲を越えてされたものと認められるので、その補正がされなかったものとして作成した。(PCT規則70.2(c) この補正を含む差し替え用紙は上記1.における判断の際に考慮しなければならず、本報告に添付する。)						

THIS PACE DI ANK MISPTO)





国際出願番号 PCT/JP99/06283

四次了拥在五秋日			
新規性、進歩性又は産業上の利用可能性 文献及び説明	についての法第12条(P C 	T35条(2)) に定める見解、そ	それを裏付り
見解			
	•		
新規性(N)		1-44	
•	請求の範囲		
進歩性(IS)	請求の範囲	1 – 4 4	
地グは(19)	請求の範囲		#
	最も少の統一	1 — 4 4	· #
産業上の利用可能性(IA)	請求の範囲	1 – 4 4	
•	· .		
 文献及び説明(PCT規則70.7)			
	fra a agococ A (=bt	ロボロナ業歴士合社)	1608 1
国際調査報告に列記された	AARG AR (TAKHI)A CHE	METIND LIDE TO CH. 13	997 (10.
国际調査報告に対応された。 97(16.09.97)」及び「W0,97/20 7.97)」には、新規G蛋白質共名	4430, AZ (IAKEDA CHE V型レセプター蛋白質	や新規リガンドポリペ	プチドの
毎 <i>担 七</i> 注 が 記 載 さ れ て い ろ			
取得が伝が記載されている。 そして、本願明細書に記載さい ンドポリペプチドの取得方法は	れた新規G蛋日質共行 - 特に後考の文献に	5型レセノター蛋日質や 記載された取得方法と類	「利規リン 質似して!
1.ヽス			
	際に取得された新規は	G蛋白質共役型レセプタ Bの符四1 44に記載	マー蛋白 ttthたを
しかし、本願発明において美質、新規リガンドポリペプチド明については、上記文献に記載	寺、揆言すれは、請ね された発明と類似し、	スツ軋曲ュー44に記りておらず、かつ、それら	この記載が
ちゃ 黄孝に とって 自明なものに	4) / £ V ' _		_
さらに、請求の範囲1-44	に記載された発明は、	chromosomai	
niela Marazziti et al., Moi localization of the mouse G	pr37 gene encoding	an orphan G-protein-	coupled
localization of the mouse G eptide receptor expressed in 53, No. 3, p. 315-324]	brain and testis"	, Genomics (1998) ,	Vol. って白服
53, No. 3, p. 315-324」にも言なものでもない。	己載されておりず、そ	この記載からヨ果有にこ	つ (B b)
'* O'\ C O'* ' o			
		•	
		•	
	•		
	•		
·			
•			
•			



VII. 国際出願に対する意見

請求の範囲、明細書及び図面の明瞭性又は請求の範囲の明細書による十分な裏付についての意見を次に示す。

・請求の範囲1-27について

請求の範囲1に記載の「配列番号:1で表されるアミノ酸配列・・・を含有する・・・ポリペプチド」について、明細書には、「ヒト型」の「新規生理活性ポリペプチド」であり、新規受容体蛋白質のリガンドとなる旨記載されている。しかし、該ポリペプチドがリガンドとして実際にどのような生理活性と関連したものであるのがは具体的に明細書中に記載されておらず、また、本願出願時の技術常識を考慮しても、該生理活性については不明である。

してみると、請求の範囲1に記載の「配列番号:1で表されるアミノ酸配列・・・を含有する・・・ポリペプチド」について、該ポリペプチドが実際にいかなる機能を有するものかが不明であるといえるから、具体的にどの様に使用できるのかも不明で

あるといえる。

つまり、請求の範囲1に記載された発明について、明細書及び図面による十分な裏

付がないものと認められる。

同様の理由により、請求の範囲2-27に記載された発明についても、明細書及び図面による十分な裏付がないものと認められる。

・請求の範囲28-44について

請求の範囲28に記載の「配列番号:37で表されるアミノ酸配列・・・を含有する・・・蛋白質」について、明細書には、「ラット脳幹周辺部由来」の「新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質」であり、配列番号:39や配列番号:40に示されたアミノ酸配列からなるポリペプチドと反応する旨記載されている。しかし、該レセプター蛋白質が実際にどのような生理活性と関連したものであるのかは具体的に明細書中に記載されておらず、また、本願出願時の技術常識を考慮しても、該生理活性については不明である。

してみると、請求の範囲28に記載の「配列番号:37で表されるアミノ酸配列・・・を含有する・・・蛋白質」について、該蛋白質が実際にいかなる機能を有するものかが不明であるといえるから、具体的にどの様に使用できるのかも不明であるとい

える。

ここで、明細書の記載及び本願出願時の技術常識を参酌しても、当業者が具体的に どの様に使用したらよいのかが不明な発明は、明細書により十分裏付けられた発明と は認められない。

つまり、請求の範囲28に記載された発明について、明細書及び図面による十分な

裏付がないものと認められる。

同様の理由により、請求の範囲29-44に記載された発明についても、明細書及び図面による十分な裏付がないものと認められる。



ΕP

U.S.

国際調査報告

(法8条、法施行規則第40、41条) [PCT18条、PCT規則43、44]

出願人又は代理人 の書類記号 2568WO0P	今後の手続きについては、国 及	院嗣登報告の送り題 び下記5を参照する	こと。	JA/ 220/
国際出願番号 PCT/JP99/06283	国際出願日 (日.月.年) 11.11.	優先日 99 (日.月.年	E) 13.11.	98
出願人 (氏名又は名称) 武田薬品工	类株式会社			
	<u></u>			1-h-7
国際調査機関が作成したこの国際部 この写しは国際事務局にも送付され]査報告を法施行規則第41条(P ♪る。	CT18条) の規定	に従い出願人に支付	7 9 S.
この国際調査報告は、全部で	2ページである。	·		
□ この調査報告に引用された先行	f技術文献の写しも添付されてV	`る。 —————		
1. 国際調査報告の基礎 a. 言語は、下記に示す場合を関 し この国際調査機関に提出	された国際出願の翻訳又に基つ	さ国院嗣宜を11つた。		,
b. この国際出願は、ヌクレオラ □ この国際出願に含まれる	書面による配列表		づき国際調査を行	った。
この国際出願と共に提出	されたフレキシブルディスクに	よる配列表		
□□□□□□□□□□□□□□□□□□□□□□□□□□□□□□□□□□□□□	機関に提出された書面による配	列表		•
□□□■の日際調査	機関に提出されたフレキシブル	ディスクによる配列	表	
出願後に提出した書面に	よる配列表が出願時における国	際出願の開示の範囲	を超える事項を含ま	
▼ 書面による配列表に記載者の提出があった。	した配列とフレキシブルディス	クによる配列表に記	録した配列が同一で	ある旨の陳述
2. 請求の範囲の一部の調査	査ができない(第I欄参照)。	•		
3.	ている(第Ⅱ欄参照)。			· ,
4. 発明の名称は 🗵	出願人が提出したものを承認す	3.		
	火に示すように国際調査機関が	作成した。		
		4	· 	
		Z		
0. 5.310	出願人が提出したものを承認す		n c 不知即はo っ(b))	の相定により
	第Ⅲ欄に示されているように、 国際調査機関が作成した。出願 の国際調査機関に意見を提出す	人は、この国際調査す	R C T 焼焼136.2 (07) 報告の発送の日から	1カ月以内にこ
6. 要約書とともに公表される図 第 図とする。 □	は、 出願人が示したとおりである。		⊠ なし	-
	出願人は図を示さなかった。			
	木図け発明の特徴を一層よく表	している。		

発明の属する分野の分類(国際特許分類(IPC))

Int.Cl' C07K 14/705, C12N 15/12, C12P 21/02, C07K 16/28, A61K 39/395, G01N 33/50, C07K 2/00, A61K 37/00

調査を行った分野

調査を行った最小限資料(国際特許分類(IPC))

Int.Cl' C07K 14/705, C12N 15/12, C12P 21/02, C07K 16/28, A61K 39/395, G01N 33/50, C07K 2/00, A61K 37/00

最小限資料以外の資料で調査を行った分野に含まれるもの

国際調査で使用した電子データベース(データベースの名称、調査に使用した用語) SwissProt/PIR/GeneSeq, MEDLINE(STN),

Genbank/EMBL/DDBJ/GeneSeq, WPI(DIALOG), BIOSIS(DIALOG)

引用文献の	ると認められる文献 引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
カテゴリー* X	JP, 9-238686, A (武田薬品工業株式会社) 16.9月.1997 (16.09.97)	1 - 44
X	WO, 97/24436, A2 (TAKEDA CHEM IND LTD) 10.7月.1997 (10.07.97) & AU, 9712084, A & JP, 10-146192, A & EP, 870020, A2	1-44
X	Daniela Marazziti et al., "Molecular cloning and chromosomal localization of the mouse Gpr37 gene encoding an orphan G-protein-coupled peptide receptor expressed in brain and testis", Genomics (1998), Vol.53, No.3, p.315-324	1-44
		ı

□ C欄の続きにも文献が列挙されている。	□ パテントファミリーに関する別紙を参照。
* 引用文献のカテゴリー 「A」特に関連のある文献ではなく、一般的技術水準を示すもの 「E」国際出願日前の出願または特許であるが、国際出願日、以後に公表されたもの 「L」優先権主張に疑義を提起する文献又は他の文献の発行日若しくは他の特別な理由を確立するために引用する文献(理由を付す) 「O」口頭による開示、使用、展示等に言及する文献「P」国際出願日前で、かつ優先権の主張の基礎となる出願	の日の後に公表された文献 「T」国際出願日又は優先日後に公表された文献であって て出願と矛盾するものではなく、発明の原理又は理 論の理解のために引用するもの 「X」特に関連のある文献であって、当該文献のみで発明 の新規性又は進歩性がないと考えられるもの 「Y」特に関連のある文献であって、当該文献と他の1以 上の文献との、当業者にとって自明である組合せに よって進歩性がないと考えられるもの 「&」同一パテントファミリー文献
国際調査を完了した日 17.02.00	国際調査報告の発送日 29.02.00
国際調査機関の名称及びあて先 日本国特許庁(ISA/JP)	特許庁審査官 (権限のある職員) 小春 道明
日本国的田村 (1001)	

電話番号 03-3581-1101 内線 3448

郵便番号100-8915

東京都千代田区霞が関三丁目4番3号

特許協力条約に基づく国際出願

願

書

国際出願番号	受理官庁記入欄 ———
国際出願日	(1111.99)
(受付印)	(\$25°)

出願人は、この国際出願が特許協力条約に	(受付印)	多學
従って処理されることを請求する。	出願人又は代理人の 書類記号 (希望する場合、最大12字)	2568WO0P
第Ⅰ欄 発明の名称		
新規G蛋白質共役型レセプター	医白質、そのDNAおよびその	のリガンド
第 工 欄 出 照 人		
氏名 (名称) 及びあて名: (姓·名の順に記載;法人は公式の完全な名称を記	『載;あて名は郵便番号及び国名も記載)	この欄に記載した者は、 発明者でもある。
武田薬品工業株式会社 TAKEDA CHEMICAL INDUSTRIES, LTD. 〒541-0045 日本国大阪府大阪市中央区道位	多町四丁目1番1号 shi	電話番号: ファクシミリ番号:
1-1, Doshomachi 4-chome, Chuo-ku, Osaka- OSAKA 541-0045 JAPAN	3111,	加入電信番号:
国籍 (国名): 日本国 Japan	住所 (国名): 日本国	Japan
この欄に記載した者は、次の フォッチの特定国 マー米国	上除くすべての指定国 米国のみ	追記欄に記載した指定国
指定国についての出願人である: 」,へての指定国 」		
氏名 (名称) 及びあて名: (姓·名の順に記載;法人は公式の完全な名称を 渡辺 卓也 WATANABE Takuya 〒532-0033 日本国大阪府大阪市淀川区新高 14-9-B904, Niitaka 6-chome, Yodogawa-ku 532-0033 JAPAN	6丁目14番9-B904号	この欄に記載した者は、 次に該当する: 出願人のみである。 以出願人及び発明者である。 発明者のみである。 (ここにレ印を付したときは、 以下に記入しないこと)
国籍 (国名): 日本国 Japan	住所 (国名): 日本国	Japan
この欄に記載した者は、次の指定国についての出願人である: すべての指定国 米国	- L V 米国のみを除くすべての指定国 V 米国のみ	追記欄に記載した指定国
▼ その他の出願人又は発明者が続葉に記載されている。		
第IV欄 代理人又は共通の代表者、通知	ロのあて名	
次に記載された者は、国際機関において出願人のために行動する:	√ 代理人	共通の代表者
大に記載された者は、国際機関において田顕大のために打動する。 氏名(名称)及びあて名: (姓·名の順に記載; 法人は公式の完全な名称		電話番号:
11404 弁理士 高橋秀一 TAKAHASHI	Shuichi	03-3278-2235
〒532-0024 日本国大阪府大阪市淀川区十三 武田薬品工業株式会社大阪工場内		ファクシミリ番号: 03-3278-2222
c/o Osaka Plant of TAKEDA CHEMICAL IND 17-85, Jusohonmachi 2-chome, Yodogawa-ku, OSAKA 532-0024 JAPAN	OUSTRIES, LTD. Osaka-shi,	加入電信番号:
通知のためのあて名:代理人又は共通の代表者が避任されておらず、	上記枠内に特に通知が送付されるあて名を	記載している場合は、レ印を付す

第Ⅲ欄の続き その他の出願人又は発明者						
この従棄を使用しないときは、この用紙を願書に含めないこと。						
氏名 (名称) 及びあて名: (姓・名の順に記載:法人は公式の完全な名称を記載 菊地 久仁子 KIKUCHI Kuniko 〒302-0024 茨城県取手市新町五丁目8-18 Sanhaitsu 101, 8-18, Shinmachi 5-chome, Toride 302-0024 JAPAN	この欄に記載した者は、 次に該当する: □ 出願人のみである。 □ 出願人及び発明者である。 □ 発明者のみである。 (ここにレ印を付したときは、以下に記入しないこと)					
国籍 (国名): 日本国 Japan	住所 (国名): 日本国 Ja	pan				
この欄に記載した者は、次の指定国についての出願人である: すべての指定国 米国を除く	ママン マップ マップ マップ マック	追記欄に記載した指定国				
氏名 (名称) 及びあて名: (姓・名の順に記載:法人は公式の完全な名称を記載 寺尾 寧子 TERAO Yasuko 〒305-0034 日本国茨城県つくば市大字小野崎 ZOA中山307号 ROYAL ZOA Nakayama307, Oaza Onozaki 985, 7 305-0034 JAPAN	奇985番地ROYAL	この欄に記載した者は、 次に該当する: □ 出願人のみである。 □ 出願人及び発明者である。 □ 発明者のみである。 (ここにレ印を付したときは、以下に配入しないこと)				
国籍 (国名): 日本国 Japan	住所 (国名): 日本国 」	apan				
この欄に記載した者は、次の サウスの出題人である。 サウスの出題人である。	オベての指定国 V 米国のみ	追記欄に記載した指定国				
指定国についての出願人である: 氏名 (名称) 及びあて名: (姓・名の順に記載;法人は公式の完全な名称を記載;あて名は郵便番号及び国名も記載) 新合 靖 SHINTANI Yasushi 〒305-0821 日本国茨城県つくば市春日1丁目7番地9 武田春 日ハイツ703号 Takeda Kasuga Haitsu 703, 7-9, Kasuga 1-chome, Tsukuba-shi, IBARAKI 305-0821 JAPAN この欄に記載した者は、次に該当する: 出願人のみである。 ・ 出願人及び発明者である。 ・ 発明者のみである。 ・ にこにい印を付えたきは、						
新谷 靖 SHINTANI Yasushi 〒305-0821 日本国茨城県つくば市春日1丁目 日ハイツ703号 Takeda Kasuga Haitsu 703, 7-9, Kasuga 1-chome	目7番地9 武田春	次に該当する: 出願人のみである。 出願人及び発明者である。 発明者のみである。				
新谷 靖 SHINTANI Yasushi 〒305-0821 日本国茨城県つくば市春日1丁目 日ハイツ703号 Takeda Kasuga Haitsu 703, 7-9, Kasuga 1-chome	月7番地9 武田春 e, Tsukuba-shi,	次に該当する:				
新谷 靖 SHINTANI Yasushi 〒305-0821 日本国茨城県つくば市春日1丁目日ハイツ703号 日ハイツ703号 Takeda Kasuga Haitsu 703, 7-9, Kasuga 1-chome IBARAKI 305-0821 JAPAN 国籍 (国名): 日本国 Japan この欄に記載した者は、次の コマベエの指定国 コメニョを除く	目7番地9 武田春 e, Tsukuba-shi,	次に該当する:出願人のみである。✓ 出願人及び発明者である。発明者のみである。(こにレ印を付したときは、以下に記入しないこと)				
新谷 靖 SHINTANI Yasushi 〒305-0821 日本国茨城県つくば市春日1丁目 日ハイツ703号 Takeda Kasuga Haitsu 703, 7-9, Kasuga 1-chome IBARAKI 305-0821 JAPAN	日7番地9 武田春 a, Tsukuba-shi, de 所 (国名): 日本国 Ja de で で は で で 大国のみ はあて名は郵便番号及び国名も記載) 1 番地 9 武田春	次に該当する: 出願人のみである。 ・ 出願人及び発明者である。 ・ 発明者のみである。 ・ (ここにレ印を付したときは、以下に記入しないこと) apan				
新谷 靖 SHINTANI Yasushi 〒305-0821 日本国茨城県つくば市春日1丁目日ハイツ703号 日本国茨城県の大道市春日1丁目日ハイツ703号 Takeda Kasuga Haitsu 703, 7-9, Kasuga 1-chome IBARAKI 305-0821 JAPAN 国籍 (国名): 日本国 Japan この欄に記載した者は、次の指定国についての出願人である: すべての指定国 米国を除く氏名 (名称) 及びあて名: (姓・名の順に記載:法人は公式の完全な名称を記載日沼 州司 HINUMA Shuji 〒305-0821 日本国茨城県つくば市春日1丁日ハイツ1402号 Takeda Kasuga Haitsu 1402, 7-9, Kasuga 1-cho	日7番地9 武田春 c, Tsukuba-shi, 住所 (国名): 日本国 Ji すべての指定国 V 米国のみ おて名は郵便番号及び国名も記載) 1日7番地9 武田春 me, Tsukuba-shi,	 次に該当する: 出願人のみである。 ・ 出願人及び発明者である。 ・ 発明者のみである。 (ここにレ印を付したときは、以下に配入しないこと) 				
新谷 靖 SHINTANI Yasushi 〒305-0821 日本国茨城県つくば市春日1丁目 日ハイツ703号 Takeda Kasuga Haitsu 703, 7-9, Kasuga 1-chome IBARAKI 305-0821 JAPAN 国籍 (国名): 日本国 Japan この欄に記載した者は、次の	日7番地9 武田春 c, Tsukuba-shi, 住所 (固名): 日本国 Ji すべての指定国 V 米国のみ であて名は郵便番号及び国名も記載) 「日7番地9 武田春 me, Tsukuba-shi,	 次に該当する: 出願人のみである。 ・ 出願人及び発明者である。 ・ 発明者のみである。 (ここにレ印を付したときは、以下に配入しないこと) apan 追記欄に記載した指定国 この欄に記載した者は、次に該当する: 出願人のみである。 ・ 出願人及び発明者である。 ・ 必下に配入しないこと) ・ 発明者のみである。 (ここにレ印を付したときは、以下に配入しないこと) 				

第Ⅲ欄の続き その他の出願人又は発明者					
この続葉を使用しないときは、この用紙を願書に含めないこと。					
氏名(名称)及びあて名:(姓・名の順に記載;法人は公式の完全な名称を記載;あて名は郵便番号及び国名も記載)	この欄に記載した者は、 次に該当する:				
福住 昌司 FUKUSUMI Shoji	出願人のみである。				
〒305-0044 日本国茨城県つくば市並木3丁目17番地6 ロイヤル シティ並木302号	∨ 出願人及び発明者である。				
Royal City Namiki 302, 17-6, Namiki 3-chome, Tsukuba-shi, IBARAKI 305-0044 JAPAN	発明者のみである。 (ここにレ印を付したときは、 以下に配入しないこと)				
国籍 (国名): 日本国 Japan 住所 (国名): 日本国 Ja	pan				
この欄に記載した者は、次の すべての指定国 米国を除くすべての指定国 ∨ 米国のみ	追記欄に記載した指定国				
氏名 (名称) 及びあて名: (姓・名の順に記載;法人は公式の完全な名称を記載;あて名は郵便番号及び国名も記載)	この欄に記載した者は、 次に該当する:				
藤井 亮 FUJII Ryo 〒305-0821 日本国茨城県つくば市春日1丁目7番地9 武田春日	出願人のみである。				
ハイツ303号 Takeda Kasuga Haitsu 303, 7-9, Kasuga 1-chome, Tsukuba-shi,	▽ 出願人及び発明者である。				
IBARAKI 305-0821 JAPAN	発明者のみである。 (ここにレ印を付したときは、 以下に記入しないこと)				
国籍 (国名): 日本国 Japan (由所 (国名): 日本国 J	apan				
この欄に記載した者は、次の	追記欄に記載した指定国				
氏名 (名称) 及びあて名: (姓·名の順に記載;法人は公式の完全な名称を記載;あて名は郵便番号及び国名も記載)	この欄に記載した者は、 次に該当する:				
細谷 昌樹 HOSOYA Masaki	出願人のみである。				
〒300-0007 日本国茨城県土浦市板谷1丁目711番地の83 711-83, Itaya 1-chome, Tsuchiura-shi, IBARAKI	▼ 出願人及び発明者である。				
300-0007 JAPAN	発明者のみである。 <i>にこにレ印を付したときは、</i>				
	以下に記入しないこと)				
国籍 (固名): 日本国 Japan 住所 (固名): 日本国	Japan				
この欄に記載した者は、次の すべての指定国 米国を除くすべての指定国	追記欄に記載した指定国				
氏名(名称)及びあて名:(姓・名の順に記載;法人は公式の完全な名称を記載;あて名は郵便番号及び国名も記載)	この欄に記載した者は、 次に該当する:				
│	出願人のみである。				
2-8, Minamikoyocho 1-cho, Sakai-shi, OSAKA	✓ 出願人及び発明者である。				
590-0073 JAPAN	発明者のみである。 <i>にこにい印を付したときは、</i> <i>以下に記入しないこと</i>				
国籍 (国名): 日本国 Japan 住所 (国名): 日本国	Japan				
この欄に記載した者は、次の すべての指定国 米国を除くすべての指定国 V 米国のみ 指定国についての出願人である:	追記欄に記載した指定国				
その他の出願人又は発明者が他の続薬に記載されている。					

第V柑					
規則 4. 9(a)の規定に基づき次の指定を行う (該当する口にレ印を付すこと: 少なくとも1つの口にレ印を付すこと)。					
広域作	宇言午				
V AP	ARIPO特許 : GH ガーナ Ghana, GM ガンビア Ga SD スーダン Sudan, SZ スワジランド Swaziland, UG 特許協力条約の締約国である他の国	・ウカ	ゴンタ	ケニア Kenya, LS レソト Lesotho, MW マラウイ Malawi, Uganda, ZW ジンパブエ Zimbabwe, 及びハラレプロトコルと	
∨ EA	約国である他の国	an, N メニス	MD モ スタン	ルドヴァ Republic of Moldova, KU ロシア Kussian ・Turkmenistan, 及びユーラシア特許条約と特許協力条約の締・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・	
∨ EP	トー フィンランド Finland, トK フランス France, UD 1T イタリア Italy, LU ルクセンブルグ Luxembourg, Portugal, SEスウェーデン Sweden, 及びヨーロッパ特許	英国 MC F条約。	Unite モナニ と特許	-Belgium, CH and LI スイス及びリヒテンシュタイン Germany, DK デンマーク Denmark, ES スペイン Spain, d Kingdom, GR ギリシャ Greece, IE アイルランド Ireland, 」Monaco, NL オランダ Netherlands, PT ポルトガル F協力条約の締約国である他の国	
▼ 0A	GW ギニア・ビサオ Guinea-Bissau, ML マリ Mali, N Senegal, TD チャード Chad, TG トーゴー Togo, 及で の国(他の種類の保護又は取扱いを求める場合には点線上	e, UI MR も びアフ こに記り	M カ Eーリ 7リカ5 載する	メルーシ Cameroon, UK カボン Gabon, UN キュア Guilled, タニア Mauritania, NE ニジェール Niger, SN セネガル 知的所有権機構のメンバー国と特許協力条約の締約国である他	
	宇言午 (他の種類の保護又は取扱いを求める場合には点線上に				
AE AL AM AT	アルバニアAlbania アルメニアArmenia		MG	モルドヴァRepublic of Moldova ・・・・・・・・・・マダガスカルMadagascar マケドニア旧ユーゴスラヴィア共和国The former Yugoslav Republic of Macedonia	
V AU V AZ V BA V BB	オーストラリアAustralia アゼルバイジャンAzerbaijan ポスニア・ヘルツェゴヴィナBosnia and Herzegovina バルバドスBarbados		MW MX	モンコルMongolia マラウイMalawi	
BG BR BY	ブルガリアBulgaria		NZ PL	ノールウェーNorway ニュー・ジーランドNew Zealand ポーランドPoland ポルトガルPortugal	
	カナダCanada and LI スイス及びリヒテンシュタイン Switzerland and Liechtenstein 中国China			ルーマニアRomania ロシアRussian Federation	
□ CN □ CZ □ DE	キューバCuba		SE SG SI	スウェーデンSweden シンガポールSingapore スロヴェニアSlovenia	
DK EE ES	デンマークDenmarkエストニアEstoniaスペインSpain		SK SL TJ TM	シエラ・レオーネSierra Leone	
GB GD	フィンランドFinland 英国United Kingdom グレナダGrenada グルジアGeorgia		TR	トルコTurkeyトリニダッド・トバゴTrinidad and Tobago・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・	
GE GH GM	ガーナGhanaガンピアGambia	$\overline{igstyle}$	UG US UZ	ウガンダUganda 米国United States of America ウズベキスタンUzbekistan	
	クロアチアCroatia ハンガリーHungary インドネシアIndonesia イスラエルIsrael	Ŭ	VN YU ZA	ヴィエトナムViet Nam ユーゴースラヴィアYugoslavia 南アフリカ共和国South Africa ジンバブエZimbabwe	
V IN V IS V JP	イントIndia アイスランドiceland シー			ンノハノエ/Impabwe は、この様式の施行後に特許協力条約の締約国となった国を指定 のために) するためのものである	
	ケニア Kenya キルギス Kyrgyzstan 北朝鲜 Democratic People's Republic of Korea 韓国 Republic of Korea		DM TZ	コスタリカCosta Rica ドミニカDominica タンザニアTanzania	
V KR V KZ V LC V LK	類国Republic of RoleaカザフスタンKazakhstan		MA	モロッコMorocco	
LR LS	リベリアLiberia レソトLesotho リトアニアLithūanīā		-		
	ルクセンブルグLuxembourg ラトヴィアLaivia	•			

確認の指定の宣言: 出願人は、上記の指定に加えて、規則4.9(b)の規定に基づき、特許協力条約の下で認められる他の全ての国の指定を行う。ただし、この宣言から除く旨の表示を追記欄にした国は、指定から除かれる。出願人は、これらの追加される指定が確認を条件としていること、並びに優先日から15月が経過する前にその確認がなされない指定は、この期間の経過時に、出願人によって取り下げられたものとみなされることを宣言する。 (指定の確認は、指定を特定する通知の提出と指定手数料及び確認手数料の納付からなる。この確認は、優先日から15月以内に受理官庁へ提出しなければならない。)

i 自言己相関 この追記欄を使用しないときは、この用紙を願書に含めないこと。

1. 全ての情報を該当する欄の中に記載できないとき。

この場合は、「第何欄……の続き」(欄番号を表示する)と表示し、記載できない欄の指示と同じ方法で情報を記載する。; 特に、

- (i) 出願人又は発明者として3人以上いる場合で、「読葉」を使用できないとき。 この場合は、「第四欄の続き」と表示し、第四欄で求められている同じ情報を、それぞれの者について記載する。
- (ii) 第Ⅱ欄又は第Ⅲ欄の枠の中で、「追記欄に記載した指定国」にレ印を付しいるとき。 この場合は、「第Ⅱ欄の続き」、「第Ⅲ欄の続き」又は「第Ⅱ欄及び第Ⅲ欄の続き」と記載し、該当する出願人の氏名(名称)を表示し、それぞれの氏 名(名称)の次にその者が出願人となる指定国(広域特許の場合は、ARIPO特許・ユーラシア特許・ヨーロッパ特許・OAPI特許)を記載する。
- (iii) 第日欄又は第日欄の枠の中で、発明者又は発明者及び出願人である者が、すべての指定国のための又は米国のための発明者ではないとき。 この場合は、「第日欄の続き」、「第日欄の続き」又は「第日欄及び第田欄の続き」と記載し、該当する発明者の氏名を表示し、その者が発明者で ある指定国(広域特許の場合は、ARIPO特許・ユーランア特許・ヨーロッパ特許・OAPI特許)を記載する。
- (iv) 第IV欄に示す代理人以外に代理人がいるとき。 この場合は、「第IV欄の続き」と表示し、第IV欄で求められている同じ情報を、それぞれの代理人について記載する。
- (v) 第V欄において指定国又はOAP!特許が、「追加特許」又は「追加証」を伴うとき、又は、米国が「雑続」又は「一部雑続」を伴うとき。 この場合は、「第V欄の続き」及び該当するそれぞれの指定国又はOAP!特許を表示し、それぞれの指定国又はOAP!特許の後に、原特許又は原 出願の番号及び特許付与日又は原出願日を記載する。
- (vi) 第VI欄において優先権を主張する先の出願が4件以上あるとき。 この場合は、「第VI欄の続き」と表示し、第VI欄で求められている同じ情報を、それぞれの先の出願について記載する。
- (三) 第VI欄において先の出願がARIPOの特許出願であるとき。 この場合は、「第VI欄の続き」と表示し、その先の出願に対応する項目の番号を特定して、更に、その先の出願を行った工業所有権の保護のため のパリ条約同盟国の少なくとも1ヶ国を表示する。
- 2. 出願人が、第V欄における確認の指定の宣言に関し、その宣言からいずれかの国を除くことを希望するとき。 この場合は、「確認の指定の宣言から、以下の指定国を除く」と記載し、除かれる国名又は2文字の国コードを表示する。
- 3. 出願人が、指定官庁について不利にならない開示又は新規性の喪失についての例外に関する国内法の適用を請求するとき。 この場合は、「不利にならない開示又は新規性喪失の例外に関する陳述」と表示し、以下にその内容を記述する。

「第IV欄の続き」

11045 弁理士 内山 務 UCHIYAMA Tsutomu

〒532-0024 日本国大阪府大阪市淀川区十三本町2丁目17番85号 武田薬品工業株式会社大阪工場内

c/o Osaka Plant of TAKEDA CHEMICAL INDUSTRIES, LTD. 17-85, Jusohonmachi 2-chome, Yodogawa-ku, Osaka-shi, OSAKA 532-0024 JAPAN

「第VI欄の続き」

(4)

国名 日本国 Japan

先の出願日 14.06.99

先の出願番号 平成11年特許願第166672号

(5)

国名 日本国 Japan 先の出願日 04.08.99

先の出願番号 平成11年特許願第221640号

(6)

国名 日本国 Japan

先の出願日 14.09.99

先の出願番号 平成11年特許願第259818号

第VI欄 優先権	主張 🔻 他の	優先権の主張(先の出願)が追	記欄に記載されている		
	先の出願番号		先の出願		
先の出願日 <i>(日. 月. 年)</i>	元の山原田う	国内出願 : 国 名	広域出願: +広域官庁名	国際出願 : 受理官庁名	
13. 11. 98	平成10年特許願 第323759号	日本国 Japan			
08. 03. 99	平成11年特許願 第060030号	日本国 Japan			
14. 04. 99	平成11年特許願 第106812号	日本国 Japan			
── ものに限る) のうち、次の 際事務局へ送付すること	の出願(ただし、本国際出願が社 () の番号のものについ を、受理官庁(日本国特許庁の を、受理官庁(日本国特許庁の	いては、出願督類の認証謄本を 長官)に対して請求している。	出された 上作成し国 (1), (2), (3) : <u>(2)</u> : (3)	, (4), (5), (6) 	
なければならない(規則4.10(b,)(ii))。追記欄を参照。				
第VII欄 国際調			and mark to strate		
国際調査機関(I	SA)の選択	先の調査結果の	○利用請求; 当該間 <i>によって既に実施又は請求されて</i>	同金の飛会 いる場合)	
出願日 (日. 月. 年) 出願番号 国名(又は広域官庁) ISA/JP					
第Ⅷ欄 照合欄					
この国際出願の用紙の枚数は		出願には、以下にチェックし	た書類が添付されている。		
る。					
要約書とともに提示する [図面:	本国際出願の使用言語名:	日本語		
IX欄 提出者	か記名押印				
各人の氏名 (名称) を記載	し、その次に押印する。				
高橋秀一個高額 内山務 四部					
1. 国際出願として提出された	書 類の実際の受理の日	受理官庁記入欄		2. 図面	
3. 国際出願として提出された		受理された			
その後期間内に提出された					
4. 特許協力条約第11条(2)に基づく必要な補完の期間内の受理の日					
5. 出願人により特定された ISA/JP 6. 調査手数料未払いにつき、国際調査機関に 調査用写しを送付していない					
		国際事務局記入	.桐		
記録原本の受理の日					

発信人 日本国特許庁(国際予備審査機関) 出願人代理人 00.6.18 高橋 秀一 殿 あて名 PCT見解書 〒 532-0024 (法第13条) 大阪府大阪市淀川区十三本町2丁目17番85号 知的財産部 [PCT規則66] 武田薬品工業株式会社 知的財産部 発送日 18.04.0**0** (日.月.年) 応答期間 出願人又は代理人 上記発送日から 2 月子母以内 の書類記号 2568WO0P 国際出願日 優先日 国際出願番号 (日.月.年) 11.11.99 (日.月.年) PCT/JP99/06283 13.11.98 国際特許分類 (IPC) Int.Cl' CO7K 14/705, C12N 15/12, C12P 21/02, C07K 16/28, A61K 39/395, G01N 33/50, C07K 2/00, A61K 37/00 出願人(氏名又は名称) 武田薬品工業株式会社 これは、この国際予備審査機関が作成した 1 回目の見解書である。 2. この見解書は、次の内容を含む。 X 見解の基礎 I \mathbf{n} 優先権 Ш 新規性、進歩性又は産業上の利用可能性についての見解の不作成 IV ▲ 発明の単一性の欠如 [X] 法第13条 (PCT規則66.2(a)(ii)) に規定する新規性、進歩性又は産業上の利用可能性についての見解 、それを裏付けるための文献及び説明 vī ある種の引用文献 国際出願の不備 VII X 国際出願に対する意見 VШ 3. 出願人は、この見解書に応答することが求められる。 上記応答期間を参照すること。この応答期間に間に合わないときは、出願人は、法第13条(PCT規則 いつ? 66.2(d))に規定するとおり、その期間の経過前に国際予備審査機関に期間延長を請求することができる。 ただし、期間延長が認められるのは合理的な理由があり、かつスケジュールに余裕がある場合に限られる ことに注意されたい。 どのように? 法第13条(PCT規則66.3)の規定に従い、答弁魯及び必要な場合には、補正書を提出する。補正書の 様式及び言語については、法施行規則第62条(PCT規則66.8及び66.9)を参照すること。 補正書を提出する追加の機会については、法施行規則第61条の2(PCT規則66.4)を参照すること。 なお 補正費及び/又は答弁書の審査官による考慮については、PCT規則66.4の2を参照すること。審査官と

名称及	びあて先
-----	------

日本国特許庁 (IPEA/JP) 郵便番号100-8915 東京都千代田区霞が関三丁目4番3号 特許庁審査官(権限のある職員) 小幕 道明 4B 9358

である。

電話番号 03-3581-1101 内線 3448

の非公式の連絡については、PCT規則66.6を参照すること。

国際予備審査報告作成の最終期限は、PCT規則69.2の規定により 13.03.01

応答がないときは、国際予備審査報告は、この見解書に基づき作成される。

THIS PAGE RI ANK (USPTO)

1.	見	上解の基礎				
1.	1. この見解書は下記の出願書類に基づいて作成された。(法第6条(PCT14条)の規定に基づく命令に応答するために提出された差替え用紙は、この見解書において「出願時」とする。)					
	X	出願時の国際	奈出願書類			
	\Box	明細書	第	ページ、	出願時に提出されたもの	
		明細書	第	ーページ、	国際予備審査の請求書と共に提出されたもの	
•		明細書	第	ー ページ、 ー		
	\Box	請求の範囲	第	項、	出願時に提出されたもの	
	ш	請求の範囲		 項、	PCT19条の規定に基づき補正されたもの	
		請求の範囲		 項、	国際予備審査の請求書と共に提出されたもの	
		請求の範囲	第	項、	· 付の書簡と共に提出されたもの	
		図面	第	ページ/図、	出願時に提出されたもの	
	ш	図面	第	ページ/図、	国際予備審査の請求書と共に提出されたもの	
		図面	第	ページ/図、	付の書簡と共に提出されたもの	
	\Box	明細霉の配列	列表の部分 第	ページ、	出願時に提出されたもの	
		/ 4 // C	列表の部分 第	 ページ、	国際予備審査の請求審と共に提出されたもの	
		明細魯の配列	列表の部分 第	 ページ、	付の書簡と共に提出されたもの	
2.	ك	上記の出願審類	頃の言語は、下記に示す場合	を除くほか、この	の国際出願の言語である。	
	ل	上記の書類は、	下記の言語である	語であ	る。	
				= Duo	3 発見 大の長野	
	إ		のために提出されたPCT#		り倒武人の言語	
	□ PCT規則48.3(b)にいう国際公開の言語					
	□ 国際予備審査のために提出されたPCT規則55.2または55.3にいう翻訳文の言語					
3.	3. この国際出願は、ヌクレオチド又はアミノ酸配列を含んでおり、次の配列表に基づき見解暋を作成した。					
□ この国際出願に含まれる書面による配列表□ この国際出願と共に提出されたフレキシブルディスクによる配列表						
□ この国際出願と共に促出されたノレギンノルアイヘクによるEC71女 □ この国際出願と共に提出された。 □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □ □						
□ 出願後に、この国際予備審査(または調査)機関に提出された書面による配列表						
図 出願後に、この国際予備審査(または調査)機関に提出されたフレキシブルディスクによる配列表						
	─ 出願後に提出した書面による配列表が出願時における国際出願の開示の範囲を超える事項を含まない旨の陳述					
	響の提出があった ヌ 書面による配列表に記載した配列とフレキシブルディスクによる配列表に記録した配列が同一である旨の陳述					
図 書面による配列表に記載した配列とフレキシブルディスクによる配列表に記録した配列が同一である自の保証 書の提出があった。						
١.		LANCE 1 1 . 10	一言 の中郷 北郷山口 ナル た			
4.		簡止により、 明細書	下記の書類が削除された。 第	ページ		
	님		ii. —	 項		
	님	請求の範囲			ジ/図	
	Ш	図面	図面の第		· , –	
5. この見解書は、補充欄に示したように、補正が出願時における開示の範囲を越えてされたものと認められるので、 その補正がされなかったものとして作成した。(PCT規則70.2(c))						
Cas invariante de la company d						
1						

V.	新規性、進歩性又は産業上の利用可能 る文献及び説明	も性についての法第13条(P C	T規則66.2(a)(ii)に定める見 	上解、それを裏付
1.	見解		·	
	新規性(N)	請求の範囲	1-44	有 無
	進歩性(IS)	請求の範囲	1 – 4 4	有 無
	· 産業上の利用可能性(IA)	請求の範囲 請求の範囲	1-44	有 無

2. 文献及び説明

国際調査報告に列記された「JP,9-238686,A(武田薬品工業株式会社) 16.9月.1 997 (16.09.97)」及び「W0,97/24436,A2 (TAKEDA CHEM IND LTD) 10.7月.1997 (10.07.97)」には、新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質や新規リガンドポリペプチドの取得方法が記載されている。

ドの取得方法が記載されている。 そして、本願明細書に記載された新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質や新規リガンドポリペプチドの取得方法は、特に後者の文献に記載された取得方法と類似してはいる。

しかし、本願発明において実際に取得された新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質、新規リガンドポリペプチド等、換言すれば、請求の範囲1-44に記載された発明については、上記文献に記載された発明と類似しておらず、かつ、それらの記載から当業者にとって自明なものでもない。 さらに、請求の範囲1-44に記載された発明は、国際調査報告に列記された「Daniela Marazziti et al., "Molecular cloning and chromosomal leveling tion of the mouse Corr²⁷ gene encoding an orphan Corrotain coupled

さらに、請求の範囲1-44に記載された発明は、国際調査報告に列記された「Daniela Marazziti et al., "Molecular cloning and chromosomal localization of the mouse Gpr37 gene encoding an orphan G-protein-coupled peptide receptor expressed in brain and testis", Genomics (1998), Vol. 53, No. 3, p. 315-324」にも記載されておらず、その記載から当業者にとって自明なものでもない。

国際出願に対する意見

請求の範囲、明細書及び図面の明瞭性又は請求の範囲の明細書による十分な裏付についての意見を次に示す。

・請求の範囲1-27について 請求の範囲1に記載の「配列番号:1で表されるアミノ酸配列・・・を含有する・ ・・ポリペプチド」について、明細書には、「ヒト型」の「新規生理活性ポリペプチド」であり、新規受容体蛋白質のリガンドとなる旨記載されている。しかし、該ポリ ペプチドがリガンドとして実際にどのような生理活性と関連したものであるのかは具 体的に明細書中に記載されておらず、また、本願出願時の技術常識を考慮しても、該

生理活性については不明である。

してみると、請求の範囲1に記載の「配列番号:1で表されるアミノ酸配列・・・ を含有する・・・ポリペプチド」について、該ポリペプチドが実際にいかなる機能を有するものかが不明であるといえるから、具体的にどの様に使用できるのかも不明で あるといえる。

こで、明細書の記載及び本願出願時の技術常識を参酌しても、当業者が具体的に どの様に使用したらよいのかが不明な発明は、明細書により十分裏付けられた発明と は認められない。

つまり、請求の範囲1に記載された発明について、明細書及び図面による十分な裏

付がないものと認められる。

同様の理由により、請求の範囲2-27に記載された発明についても、明細書及び 図面による十分な裏付がないものと認められる。

・請求の範囲28-44について 請求の範囲28に記載の「配列番号:37で表されるアミノ酸配列・・・を含有する・・・蛋白質」について、明細書には、「ラット脳幹周辺部由来」の「新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質」であり、配列番号:39や配列番号:40に示されたア ミノ酸配列からなるポリペプチドと反応する盲記載されている。しかし、該レセプタ 蛋白質が実際にどのような生理活性と関連したものであるのかは具体的に明細書中 に記載されておらず、また、本願出願時の技術常識を考慮しても、該生理活性につい ては不明である。

してみると、請求の範囲28に記載の「配列番号:37で表されるアミノ酸配列・ ・・を含有する・・・蛋白質」について、該蛋白質が実際にいかなる機能を有するものかが不明であるといえるから、具体的にどの様に使用できるのかも不明であるとい

、明細書の記載及び本願出願時の技術常識を参酌しても、当業者が具体的に どの様に使用したらよいのかが不明な発明は、明細書により十分裏付けられた発明と は認められない。

つまり、請求の範囲28に記載された発明について、明細書及び図面による十分な

裏付がないものと認められる。 同様の理由により、請求の範囲29-44に記載された発明についても、明細書及 び図面による十分な裏付がないものと認められる。

THIS PAGE BLANK (USPTO)

特許協力条約

殿

受付 (2) (99.11.26 (知的財産部

発信人 日本国特許庁(受理官庁)

出願人代理人

髙橋 秀一

あて名

担当者 G·M Pat·M 部 長

〒532-0024

大阪府大阪市淀川区十三本町2-17-85 武田薬品工業株式会社知的財産部

PCT/JP99/06283

RO105

特章零

P C T 233回(2001./A中~7句) ~ (高統、

国際出願番号及び 国際出願日の通知書

(法施行規則第22条、第23条) [PCT規則20.5(c)]

 発送日(日. 月. 年)

 24. 11. 99

 出願人又は代理人の書類記号 2568WOOP
 重要な通知

 国際出願番号
 国際出願日(日. 月. 年)
 優先日(日. 月. 年)

 PCT/JP99/06283
 11. 11. 99
 13. 11. 98

 出願人(氏名又は名称)
 武田薬品工業株式会社

1. この国際出願は、上記の国際出願番号及び国際出願日が付与されたことを通知する。

記録原本は、 <u>24 日 11 月 99 年</u> に国際事務局に送付した。

注 意 :

- a. 国際出願番号は、特許協力条約を表示する「PCT」の文字、斜線、受理官庁を表示する 2文字コード(日本の場合JP)、西暦年の最後から2桁の数字、斜線、及び5桁の数字からなっています。
- b. 国際出願日は、「特許協力条約に基づく国際出願に関する法律」第4条第1項の要件を満 たした国際出願に付与されます。
- c. あて名等を変更したときは、速やかにあて名の変更届等を提出して下さい。
- d. 電子計算機による漢字処理のため、漢字の一部を当用漢字、又は、仮名に置き換えて表現してある場合もありますので御了承下さい。
- e. この通知に記載された出願人のあて名、氏名(名称)に誤りがあるときは申出により訂正 します。
- f. 国際事務局は、受理官庁から記録原本を受領した場合には、出願人にその旨を速やかに通知(様式PCT/IB/301)する。記録原本を優先日から14箇月が満了しても受領していないときは、国際事務局は出願人にその旨を通知する。【PCT規則22.1(c)】

名称及びあて名

日 本 国 特 許 庁 (RO/JP)

郵便番号 100-8915 TELO 3 - 3 5 9 2 - 1 3 0 8

日本国東京都千代田区霞が関三丁目4番3号

様式PCT/RO/105 (1998年7月)

権限のある職員

特許庁長管

THIS PAGE BLANK (USPTO)

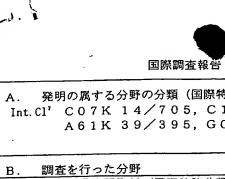
INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP99/06283

A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER Int.Cl ⁷ C07K 14/705, Cl2N 15/12, Cl2P 21/02, C07K 16/28,					
Int.	C1' C07K 14/705, C12N 15/12, C A61K 39/395, G01N 33/50, C	07K 2/00. A61K 38/00			
	MOIN 33/393, GOIN 33/30, C				
According to	According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC				
B FIELDS	SEARCHED				
Minimum de	ocumentation searched (classification system followed	by classification symbols)			
Int.	$C1^7$ C07K 14/705, C12N 15/12, C	12P 21/02, COVK 16/28,			
	A61K 39/395, G01N 33/50, C	U/R 2/00, AUIR 30/00			
	ion searched other than minimum documentation to the	extent that such documents are included	in the fields searched		
Documentat	ion searched other than minimum documentation to the	Orient till soon soommin are milded			
T 1	ata base consulted during the international search (nam	e of data base and, where practicable, sea	rch terms used)		
Swis	sprot/PTR/GeneSeg.MEDLINE(STN),				
Genh	pank/EMBL/DDBJ/GeneSeq, WPI (DIALO	G), BIOSIS (DIALOG)	,		
C DOCIT	MENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT				
		and of the relevant passages	Relevant to claim No.		
Category*	Citation of document, with indication, where ap		1-44		
X	JP, 9-238686, A (Takeda Chemica 16 September, 1997 (16.09.97)	(Family: none)	♣ 33		
х	WO, 97/24436, A2 (TAKEDA CHEM IND LTD),		1-44		
	10 July, 1997 (10.07.97) & AU, 9712084, A & JP, 10-146192, A				
	& AU, 9712084, A & 3P, 10-14 & EP, 870020, A2	10174, 13			
х	Daniela Marazziti et al., "Molecular cloning and		1-44		
	chromosomal localization of the mouse Gpr37 gene encoding an orphan G-protein-coupled peptide receptor expressed				
	in brain and testis", Genomics	(1998) , Vol.53 ,No.3 ,			
	p.315-324	·			
	•				
Furthe	r documents are listed in the continuation of Box C.	See patent family annex.			
	categories of cited documents:	"T" later document published after the inte	mational filing date or		
"A" docum	ent defining the general state of the art which is not	priority date and not in conflict with the	ne application but cited to		
considered to be of particular relevance understand the principle of theory underlying the inverse understand the principle of the principle			claimed invention cannot be		
date	date considered novel or cannot be considered to involve an inventive				
"Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be			claimed invention cannot be		
special reason (as specified) considered to involve an inventive step when the document is					
means	means combination being obvious to a person skilled in the art				
"P" document published prior to the international filing date but later "&" document member of the same patent family than the priority date claimed					
Date of the extral completion of the international search Date of mailing of the international search report					
17 February, 2000 (17.02.00) 29 February, 2000 (29.02.00)					
Name and mailing address of the ISA/ Au		Authorized officer			
Japanese Patent Office					
Faccimile No.		Telephone No.			

THIS PAGE BLANK (USPTO)



A. 発明の属する分野の分類(国際特許分類(IPC)) Int.Cl' C07K 14/705, C12N 15/12, C12P 21/02, C07K 16/28, A61K 39/395, G01N 33/50, C07K 2/00, A61K 38/00

調査を行った最小限資料(国際特許分類(IPC))

Int.Cl' C07K 14/705, C12N 15/12, C12P 21/02, C07K 16/28, A61K 39/395, G01N 33/50, C07K 2/00, A61K 38/00

最小限資料以外の資料で調査を行った分野に含まれるもの

国際調査で使用した電子データベース(データベースの名称、調査に使用した用語) SwissProt/PIR/GeneSeq, MEDLINE(STN), Genbank/EMBL/DDBJ/GeneSeq, WPI(DIALOG), BIOSIS(DIALOG)

C. 関連すると認められる文献				
引用文献の		関連する		
カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	請求の範囲の番号		
Х	JP, 9-238686, A(武田薬品工業株式会社) 16.9月.1997(16.09.97) ファミリーなし	1 – 4 4		
x	WO, 97/24436, A2 (TAKEDA CHEM IND LTD) 10.7月.1997 (10.07.97) & AU, 9712084, A & JP, 10-146192, A & EP, 870020, A2	$1 - 4 \ 4$		
х	Daniela Marazziti et al., "Molecular cloning and chromosomal localization of the mouse Gpr37 gene encoding an orphan G-protein-coupled peptide receptor expressed in brain and testis", Genomics (1998), Vol. 53, No. 3, p. 315-324	1 – 4 4		

!	□ C欄の続きにも文献が列挙されている。	パテントファミリーに関する別紙を参照。
	* 引用文献のカテゴリー 「A」特に関連のある文献ではなく、一般的技術水準を示すもの 「E」国際出願日前の出願または特許であるが、国際出願日以後に公表されたもの 「L」優先権主張に疑義を提起する文献又は他の文献の発行日若しくは他の特別な理由を確立するために引用する文献(理由を付す) 「O」口頭による開示、使用、展示等に言及する文献「P」国際出願日前で、かつ優先権の主張の基礎となる出願	て出願と矛盾するものではなく、発明の原理又は理論の理解のために引用するもの 「X」特に関連のある文献であって、当該文献のみで発明の新規性又は進歩性がないと考えられるもの 「Y」特に関連のある文献であって、当該文献と他の1以上の文献との、当業者にとって自明である組合せによって進歩性がないと考えられるもの
	国際調査を完了した日 17.02.00	国際調査報告の発送日 29.02.00
	国際調査機関の名称及びあて先 日本国特許庁(ISA/JP) 郵便番号100-8915	特許庁審査官(権限のある職員) 小暮 道明 印 年 1 1 0 1 内線 3 4 4 8
	郵便番号100-8915 東京都千代田区霞が関三丁目4番3号	電話番号 03-3581-1101 内線 344

THIS PAGE BLANK (USPTO)

PCT

世界知的所有権機関 際 事 務 特許協力条約に基づいて公開された国際出願



(51) 国際特許分類7

C07K 14/705, C12N 15/12, C12P 21/02, C07K 16/28, A61K 39/395, G01N 33/50, C07K 2/00, A61K 38/00

(11) 国際公開番号

WO00/29441

(43) 国際公開日

2000年5月25日(25.05.00)

(21) 国際出願番号

PCT/JP99/06283

JP

JP

IP

JP

A1

(22) 国際出願日

特願平11/259818

1999年11月11日(11.11.99)

(30) 優先権データ

特願平10/323759 特願平11/60030 特願平11/106812 特願平11/166672 特願平11/221640

1998年11月13日(13.11.98)

1999年3月8日(08.03.99) 1999年4月14日(14.04.99) 1999年6月14日(14.06.99) 1999年8月4日(04.08.99) 1999年9月14日(14.09.99)

(71) 出願人 (米国を除くすべての指定国について)

武田薬品工業株式会社 (TAKEDA CHEMICAL INDUSTRIES, LTD.)(JP/JPI 〒541-0045 大阪府大阪市中央区道修町四丁目1番1号 Osaka, (JP)

(72) 発明者;および

(75) 発明者/出願人(米国についてのみ)

渡辺卓也(WATANABE, Takuya)[JP/JP]

〒532-0033 大阪府大阪市淀川区新高6丁目14番9-B904号 Osaka, (JP)

菊地久仁子(KIKUCHI, Kuniko)[JP/JP]

〒302-0024 茨城県取手市新町五丁目8-18 サンハイツ101号 Ibaraki、(JP)

寺尾寧子(TERAO, Yasuko)[JP/JP]

〒305-0034 茨城県つくば市大字小野崎985番地

ROYAL ZOA中山307号 Ibaraki, (JP)

新谷 靖(SHINTANI, Yasushi)[JP/JP]

〒305-0821 茨城県つくば市春日1丁目7番地9 武田春日ハイツ703号 Ibaraki, (JP)

日沼州司(HINUMA, Shuji)[JP/JP]

〒305-0821 茨城県つくば市春日1丁目7番地9

武田春日ハイツ1402号 Ibaraki, (JP)

福住昌司(FUKUSUMI, Shoji)[JP/JP]

〒305-0044 茨城県つくば市並木3丁目17番地6

ロイヤルシティ並木302号 Ibaraki, (JP)

藤井 亮(FUJII, Ryo)[JP/JP]

〒305-0821 茨城県つくば市春日1丁目7番地9 武田春日ハイツ303号 Ibaraki, (JP)

細谷昌樹(HOSOYA, Masaki)[JP/JP]

〒300-0007 茨城県土浦市板谷1丁目711番地の83 Ibaraki, (JP)

北田千恵子(KITADA, Chieko)[JP/JP]

〒590-0073 大阪府堺市南向陽町1丁2番8号 Osaka, (JP)

(74) 代理人

弁理士 高橋秀一, 外(TAKAHASHI, Shuichi et al.) 〒532-0024 大阪府大阪市淀川区十三本町2丁目17番85号

武田薬品工業株式会社 大阪工場内 Osaka, (JP)

AE, AL, AM, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BY, CA, CN, CR, CU, CZ, DM, EE, GD, GE, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KG, KR, KZ, LC, LK, LR, LT, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MX, NO, NZ, PL, RO, RU, SG, SI, SK, SL, TJ, TM, TR, TT, TZ, UA, US, UZ, VN, YU, ZA, 欧州特許 (AT, BE, CH, CY, DE, DK, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE), OAPI特許 (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GW, ML,

MR, NE, SN, TD, TG), ARIPO特許 (GH, GM, KE, LS, MW, SD, SL, SZ, TZ, UG,

ZW), ユーラシア特許 (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM)

添付公開書類

国際調査報告書

(54) Title: NOVEL G PROTEIN-COUPLED RECEPTOR PROTEIN, ITS DNA AND LIGAND THEREOF

新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質、そのDNAおよびそのリガンド

(57) Abstract

A novel polypeptide, its peptide fragments or salts thereof; a process for producing this polypeptide; a receptor of the polypeptide; drugs containing the polypeptide, etc.; an antibody against the polypeptide; a method/kit for screening compounds promoting or inhibiting the activity of the polypeptide; the compounds obtained by the screening; and drugs, etc. containing these compounds. The above polypeptide or its peptide fragments are usable as, for example, remedies for nervous diseases and somatostatin excretion promoters. The above antibody is usable in, for example, quantitating the polypeptide in a liquid specimen. Further, the polypeptide is useful as a reagent for screening the compounds promoting or inhibiting the activity of the polypeptide.

(57)要約

本発明は、新規ポリペプチド、その部分ペプチドまたはそれらの塩、該ポリペプチドの製造法、該ポリペプチドの受容体、該ポリペプチド等を含有してなる医薬、該ポリペプチドに対する抗体、該ポリペプチドの活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法/スクリーニング用キット、該スクリーニングによって得られる化合物、該化合物を含有してなる医薬などに関する。

本発明のポリペプチドまたはその部分ペプチドなどは、例えば、神経疾患治療剤、ソマトスタチン分泌促進剤などとして使用することができる。また、本発明の抗体は、被検液中の本発明のポリペプチドの定量などに使用することができる。さらに、本発明のポリペプチドは、本発明のポリペプチドの活性を促進または阻害する化合物をスクリーニングするための試薬として有用である。

PCTに基づいて公開される国際出願のパンフレット第一頁に掲載されたPCT加盟国を同定するために使用されるコード(参考情報)

韓国

RSSSSSSSSSTTTTTTTTUUUUVYZZZ RSSSSSSSSSSTTTTTTTTTUUUVYZZZ アグェガヴヴラガシーウンロロエネワヤージンルルリクガ国ズイーアン アグェガヴヴラガジーゴキザクコニラン ベェゴフバ アグェガヴヴラガジーゴキザクコニラン ベェゴフバ デーニキレ ン タアニ ッナ タムラ共 デーニキレンルルリクガ国ズイーアン アンカサースナスカ共 アンカナーステン バーア国 アロススシススシセスチトタクトトトウク来ウヴュ南ジ コースファージンルルリクガ国ズイーアン アン ア国

明細書

新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質、そのDNAおよびそのリガンド

5 技術分野

本発明は新規ポリペプチド(本明細書においては、新規生理活性ポリペプチドと称する場合もある。)、その部分ペプチド、それらをコードするDNA、および該ポリペプチドをリガンドとして認識する受容体蛋白質、その部分ペプチド、それらをコードするDNAなどに関する。特に、RFamide様構造を有することを特徴とする新規ポリペプチドおよびその部分ペプチドなどに関する。

背景技術

10

15

ペプチドは代謝、成長、生殖、恒常性維持、精神活動、生体防御など生体の機能を調節するための分子として重要な役割を担っている。これらのペプチドは細胞膜上の特異的な受容体に結合することによりその情報を細胞に伝える。これまでこのような生理活性ペプチドの多くは、その生理活性に基づいて組織抽出物等から単離されその構造が決定されてきた。また最近では受容体を利用して組織抽出物等から生理活性ペプチドを単離することもなされるようになってきた。

一方、最近のゲノムや cDNA の配列解析の急速な進展により、膨大な DNA 情報が入手可能 になった。これらの DNA の中にはこれまで未知であった生理活性ペプチドをコードするもの が含まれているものと推定される。しかし生理活性ペプチドは非常に短いアミノ酸配列しか 持たないものが多く、ゲノム DNA 配列や Expressed Sequence Tag (EST)から、既知の生理活性ペプチドと一部類似した配列あるいは共通のモチーフを有する未知の生理活性ペプチドを 探そうとしても、類似した配列は生理活性ペプチドとは全く無関係な蛋白の遺伝子や非翻訳 25 領域の DNA 配列中にも頻繁に見出されるため、それらの中からどれが本当の生理活性ペプチドであるかを確定することは非常に困難であった。

15

生理活性ペプチドの1種である FMRFamide は二枚貝のビノスワスガレイの神経節 より初めて単離、構造決定されたペプチドである(Price D.A. & Greenberg. M.J., Science、197,670-671,1977)。その後、C末端に RFamide 構造を持つ ペプチドやそれに類似の構造を持つペプチドが無脊椎動物で多くの種に広く 分布することが分かってきた。特にセンチュウにおいては多くの RFamide 構造 を有するペプチドが存在していることが報告されており、しかもそれらの多く は一つの遺伝子上に複数個が連続して乗っていることが知られている(Nelson, L. S., et al., Molecular Brain Research 58, 103-111, 1998) .

一方、脊椎動物において RFamide 構造を有する FMRFamide 様のペプチドとし 10 ては、鶏の脳から LPLRFamide が単離同定されているが、その遺伝子構造は未 だに明らかにされていない (Dockray, G. J. et al., Nature, 305, 328-330, 1983)。また魚類では最近 RFamide 構造を有するペプチドとして C-RFa が報告され ている。哺乳動物における RFamide 構造を有するペプチドとしてはウシから精 製単離された2種のペプチド(Yang. H.-Y. T., et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 82, 7757-7761, 1985) とそれに対応すると考えられるヒト cDNA から同 定された neuropeptide SF(NSF)および neuropeptide AF(NAF)がある。また最 近我々は RFamide 構造を有するヒト、ウシ、ラット Prolactin-releasing peptide (PrRP) (Hinuma, S., et al., Nature, 393, 272-276, 1998) を同定 している。

- 20 FMRFamide ペプチドの生理活性に関してはさまざまな報告がある。例えば FMRFamide の作用としては、心臓拍動の促進や抑制、各種歯舌筋や内臓筋、各 種牽引筋の収縮や弛緩、さらには神経細胞の過分極や脱分極等が知られている 。また PrRP に関してはプロラクチン放出促進活性が、また LPLRFamide に関し ても神経細胞の刺激効果や、血圧上昇作用等が報告されている。
- 25 以上のように RFamide 構造を持つペプチドに関しては多くの重要な生理作用が報告されて いる。しかし NSF、NAF、PrRP 以外に哺乳動物で RFamide あるいはそれに類似する構造を有

15

20

するペプチドが存在するかどうかは全く知られていない。

一方、多くのホルモンや神経伝達物質などの生理活性物質は、細胞膜に存在する特異的なレセプター蛋白質を通じて生体の機能を調節している。これらのレセプター蛋白質のうち多くは共役している guanine nucleotide-binding protein (以下、G蛋白質と略称する場合がある)の活性化を通じて細胞内のシグナル伝達を行ない、また7個の膜貫通領域を有する共通した構造をもっていることから、G蛋白質共役型レセプター蛋白質あるいは7回膜貫通型レセプター蛋白質(7 TMR)と総称される。

G蛋白質共役型レセプター蛋白質は生体の細胞や臓器の各機能細胞表面に存在し、それら 細胞や臓器の機能を調節する分子、例えばホルモン、神経伝達物質および生理活性物質等の 標的として生理的に重要な役割を担っている。レセプターは生理活性物質との結合を介して シグナルを細胞内に伝達し、このシグナルにより細胞の賦活や抑制といった種々の反応が惹 起される。

各種生体の細胞や臓器の内の複雑な機能を調節する物質と、その特異的レセプター蛋白質、特にはG蛋白質共役型レセプター蛋白質との関係を明らかにすることは、各種生体の細胞や臓器の機能を解明し、それら機能と密接に関連した医薬品開発に非常に重要な手段を提供することとなる。

例えば、生体の種々の器官では、多くのホルモン、ホルモン様物質、神経伝達物質あるいは生理活性物質による調節のもとで生理的な機能の調節が行なわれている。特に、生理活性物質は生体内の様々な部位に存在し、それぞれに対応するレセプター蛋白質を通してその生理機能の調節を行っている。生体内には未だ未知のホルモンや神経伝達物質その他の生理活性物質も多く、それらのレセプター蛋白質の構造に関しても、これまで報告されていないものが多い。さらに、既知のレセプター蛋白質においてもサブタイプが存在するかどうかについても分かっていないものが多い。

生体における複雑な機能を調節する物質と、その特異的レセプター蛋白質との関係を明ら 25 かにすることは、医薬品開発に非常に重要な手段である。また、レセプター蛋白質に対する アゴニスト、アンタゴニストを効率よくスクリーニングし、医薬品を開発するためには、生

体内で発現しているレセプター蛋白質の遺伝子の機能を解明し、それらを適当な発現系で発現させることが必要であった。

近年、生体内で発現している遺伝子を解析する手段として、cDNAの配列をランダムに解析する研究が活発に行なわれており、このようにして得られたcDNAの断片配列がExpressed Sequence Tag (EST) としてデータベースに登録され、公開されている。しかし、多くのESTは配列情報のみであり、その機能を推定することは困難である。

そこで、未知の RFamide 様構造を持つポリペプチド(ペプチド)、または未知のG蛋白質 共役型レセプター蛋白質を見出し、それらを利用した新たな生理活性物質を含有してなる疾 患の予防・治療・診断剤の開発が望まれていた。

10

15

5

発明の開示

本発明者らは、上記の課題を解決するために鋭意研究を重ねた結果、EST等の配列情報を基にプライマーを作製し、ヒト胎児脳 poly(A)+RNAを鋳型とするRT-PCRにより、新規な塩基配列を有するcDNAをクローニングすることに成功した。そして、本発明者らは、得られたcDNAにコードされるポリペプチドが有用なC末端がLPL RF amide 様、LPL RS amide 様、LPQ RF amide 様またはLPLRL amide 様のペプチドであることを見出した。

また、本発明者らは、degenerated PCR 法によって作成したEST情報に基づいて、ラット脳幹周辺部およびヒト視床下部由来の新規なG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードする CDNAを単離し、その全塩基配列を解析することに成功した。そして、この塩基配列をアミノ酸配列に翻訳したところ、第1~第7膜貫通領域が疎水性プロット上で確認され、これらのcDNAにコードされる蛋白質が7回膜貫通型のG蛋白質共役型レセプター蛋白質であることを確認した。

さらに、本発明者らは、鋭意検討を重ね、上記RF amide 様ポリペプチド等が上記G蛋白 25 質共役型レセプター蛋白質に対してリガンド活性を有することを見出した。

これらの知見に基づいて、さらに検討を重ねた結果、本発明を完成するに至った。

1

すなわち、本発明は、

- (1) 配列番号:1で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有することを特徴とするポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、
- 5 (2) 実質的に同一のアミノ酸配列が配列番号:8、配列番号:14、配列番号:18、配列番号:33または配列番号:50で表されるアミノ酸配列である上記(1)記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、
 - (3) 上記 (1) 記載のポリペプチドの部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、
- 10 (4) 配列番号: 1の第81番目 (Met) ないし第92番目 (Phe) のアミノ酸残基を含有してなる上記(3) 記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、
 - (5) 配列番号:1の第101番目 (Ser) ないし第112番目 (Ser) のアミノ酸残基を含有してなる上記(3) 記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、
 - (6) 配列番号:1の第124番目 (Val) ないし第131番目 (Phe) のアミノ酸残基を含有してなる上記(3) 記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、
 - (7) 上記(1)記載のポリペプチドの部分ペプチドのアミドまたはその塩、
- 20 (8) 上記 (1) 記載のポリペプチドをコードする塩基配列を有するDNAを含有するDN A、
 - (9) 配列番号: 2、配列番号: 9、配列番号: 15、配列番号: 19、配列番号: 34または配列番号: 51で表される塩基配列を有する上記(8)記載のDNA、
 - (10)上記(3)記載の部分ペプチドをコードするDNAを含有するDNA、
- 25 (11)配列番号: 2で表される塩基配列の第241番目ないし第276番目の塩基を含有 してなる上記(10)記載のDNA、

- (12)配列番号: 2で表される塩基配列の第301番目ないし第336番目の塩基を含有してなる上記(10)記載のDNA、
- (13)配列番号:2で表される塩基配列の第370番目ないし第393番目の塩基を含有してなる上記(10)記載のDNA、
- 5 (14)上記(8)または上記(10)記載のDNAを含有する組換えベクター、
 - (15)上記(14)記載の組換えベクターで形質転換された形質転換体、
 - (16)上記(15)記載の形質転換体を培養し、上記(1)記載のポリペプチドまたは上記(3)記載の部分ペプチドを生成・蓄積せしめることを特徴とする上記(1)記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、または上記(3)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の製造法、
 - (17)上記(1)記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、または上記(3)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩に対する抗体、
- (18) 上記(8) もしくは上記(10) 記載のDNAまたは上記(17) 記載の抗体を含15 有してなる診断薬、
 - (19)上記(8)または上記(10)記載のDNAに相補的または実質的に相補的な塩基配列を有し、該DNAの発現を抑制し得る作用を有するアンチセンスDNA、
- (20) 上記(1) 記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、または上記(3) 記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまた はその塩を含有してなる剤、
 - (21)上記(1)記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、または上記(3)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩を含有してなる医薬、
- (22)上記(1)記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはそ 25 の塩、または上記(3)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまた はその塩を用いることを特徴とする上記(1)記載のポリペプチドもしくはそのアミドもし

25

1

くはそのエステルまたはその塩、または上記(3)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法、

- (23) 上記(1) 記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、または上記(3) 記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、および配列番号:37で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有する蛋白質またはその塩、またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩を用いることを特徴とする上記(22)記載のスクリーニング方法、
- (24) 上記(1) 記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、または上記(3) 記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩を含有してなる上記(1) 記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、または上記(3) 記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング用キット、
 - (25) 上記(1) 記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、または上記(3) 記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、および配列番号:37で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するする蛋白質またはその塩、またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩を含有してなる上記(24)記載のスクリーニング用キット、
 - (2-6)上記(2-2)記載のスクリーニング方法または上記(2-4)記載のスクリーニング 用キットを用いて得られる上記(1)記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはその エステルまたはその塩、上記(3)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の活性を促進または阻害する化合物またはその塩、
 - (27)上記(22)記載のスクリーニング方法または上記(24)記載のスクリーニング

用キットを用いて得られる上記(1)記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはその エステルまたはその塩、または上記(3)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくは そのエステルまたはその塩の活性を促進または阻害する化合物またはその塩を含有してなる 医薬、

- 5 (28)配列番号:37で表わされるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸 配列を含有することを特徴とする蛋白質またはその塩、
 - (29)配列番号:37で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列が配列番号:54で表されるアミノ酸配列である上記(28)記載の蛋白質またはその塩、
- (30)上記(28)記載の蛋白質の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステ 10 ルまたはその塩、
 - (31)上記(28)記載の蛋白質または上記(30)記載の部分ペプチドをコードする塩 基配列を有するDNAを含有するDNA、
 - (32) 配列番号:38、配列番号:55または配列番号:56で表される塩基配列を有する上記(31)記載のDNA、
- 15 (33)上記(31)記載のDNAを含有する組換えベクター、
 - (34)上記(33)記載の組換えベクターで形質転換させた形質転換体、
- (35)上記(34)記載の形質転換体を培養し、上記(28)記載の蛋白質または上記(30)記載の部分ペプチドを生成・蓄積せしめることを特徴とする上記(28)記載の蛋白質またはその塩、または上記(30)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の製造法、
 - (36)上記(28)記載の蛋白質またはその塩、または上記(30)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩に対する抗体、
 - (37) 上記 (31) 記載のDNAまたは上記 (36) 記載の抗体を含有してなる診断薬、
- (38)上記(28)記載の蛋白質またはその塩、または上記(30)記載の部分ペプチド むしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩を用いることにより得られる上記(28)記載の蛋白質またはその塩に対するリガンド、

- (39)上記(28)記載の蛋白質またはその塩、または上記(30)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩を用いることを特徴とする上記(28)記載の蛋白質またはその塩に対するリガンドの決定方法、
- (40)上記(28)記載の蛋白質またはその塩、または上記(30)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩を用いることを特徴とするリガンドと上記(28)記載の蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、
 - (41)上記(28)記載の蛋白質またはその塩、または上記(30)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩を含有することを特徴とするリガンドと上記(28)記載の蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング用キット、
 - (42)上記(40)記載のスクリーニング方法または上記(41)記載のスクリーニング 用キットを用いて得られる、リガンドと上記(28)記載の蛋白質またはその塩との結合性 を変化させる化合物またはその塩、
- 15 (43)上記(40)記載のスクリーニング方法または上記(41)記載のスクリーニング 用キットを用いて得られる、リガンドと上記(28)記載の蛋白質またはその塩との結合性 を変化させる化合物またはその塩を含有してなる医薬、および
 - (44)上記(36)記載の抗体を用いることを特徴とする上記(28)記載の蛋白質またはその塩の定量方法などに関する。
- 20 さらには、本発明は、

- (45)配列番号:1で表されるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列が、配列番号:1で表されるアミノ酸配列と約70%以上、好ましくは約80%以上、より好ましくは約90%以上、さらに好ましくは約95%以上の相同性を有するアミノ酸配列である上記(1)記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、
- 25 (46)配列番号:1で表されるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列が、①配列番号:1、配列番号:8、配列番号:14、配列番号:18、配列番号:33または配列番号

20

:50で表されるアミノ酸配列中の1~20個(好ましくは1~15個、さらに好ましくは1~5個、より好ましくは、1~3個)のアミノ酸が欠失したアミノ酸配列、②配列番号:1、配列番号:8、配列番号:14、配列番号:18、配列番号:33または配列番号:50で表されるアミノ酸配列に1~20個(好ましくは1~15個、さらに好ましくは1~5個、より好ましくは、1~3個)のアミノ酸が付加したアミノ酸配列、③配列番号:1、配列番号:8、配列番号:14、配列番号:18、配列番号:33または配列番号:50で表されるアミノ酸配列に1~20個(好ましくは1~15個、さらに好ましくは1~5個、より好ましくは、1~3個)のアミノ酸が挿入されたアミノ酸配列、④配列番号:1、配列番号:8、配列番号:14、配列番号:18、配列番号:33または配列番号:50で表されるアミノ酸配列中の1~20個以上(好ましくは1~15個、さらに好ましくは1~5個以上、より好ましくは、1~3個以上)のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されたアミノ酸配列、または⑤それらを組み合わせたアミノ酸配列である上記(1)記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、

- (47) 上記(8) または(10) 記載のDNAをコードする塩基配列とハイストリンジェ 15 ントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有するDNAを含有するDNA、
 - (48) 上記(47) 記載のDNAを含有する組換えベクター、
 - (49)上記(48)記載の組換えベクターで形質転換された形質転換体、
 - (50)上記(49)記載の形質転換体を培養し、上記(47)記載のDNAにコードされるポリペプチドを生成・蓄積せしめ、これを採取することを特徴とする上記(47)記載のDNAでコードされるポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の製造法、
 - (51)上記(50)記載の製造法で製造される、上記(47)記載のDNAでコードされるポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、
- (52) 配列番号: 37で表されるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列が、配列番 25 号: 37で表されるアミノ酸配列と約50%以上、好ましくは約70%以上、より好ましく は約80%以上、さらに好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を

有するアミノ酸配列である上記(28)記載の蛋白質またはその塩、

5

10

25

- (53) 配列番号: 37で表されるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列が、①配列番号: 37で表されるアミノ酸配列中の $1\sim20$ 個(好ましくは $1\sim15$ 個、さらに好ましくは $1\sim5$ 個、より好ましくは、 $1\sim3$ 個)のアミノ酸が欠失したアミノ酸配列、②配列番号: 37で表されるアミノ酸配列に $1\sim20$ 個(好ましくは $1\sim15$ 個、さらに好ましくは $1\sim5$ 個、より好ましくは、 $1\sim3$ 個)のアミノ酸が付加したアミノ酸配列、③配列番号: 37で表されるアミノ酸配列中の $1\sim20$ 個以上(好ましくは $1\sim15$ 個、さらに好ましくは $1\sim5$ 0個以上、より好ましくは、 $1\sim3$ 0個以上(好ましくは $1\sim5$ 1の、さらに好ましくは $1\sim5$ 1の以上、より好ましくは、 $1\sim3$ 1のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されたアミノ酸配列、または $1\sim5$ 1のようを組み合わせたアミノ酸配列である上記(28)記載の蛋白質またはその塩、
- (54)上記(31)記載のDNAをコードする塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有するDNAを含有するDNA、
- (55)上記(54)記載のDNAを含有する組換えベクター、
- (56)上記(55)記載の組換えベクターで形質転換された形質転換体、
- (57)上記(56)記載の形質転換体を培養し、上記(54)記載のDNAにコードされるポリペプチドを生成し、蓄積せしめ、これを採取することを特徴とする上記(54)記載のDNAでコードされるポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の製造法、
- (58) 上記 (57) 記載の製造法で製造される、上記 (54) 記載のDNAでコードされ 20 るポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、
 - (59) (i) 上記(1) 記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、または上記(3) 記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩にその受容体を接触させた場合と、(ii) 上記(1) 記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、または上記(3) 記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩にその受容体および試験化合物を接触させた場合における、上記(1) 記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはその

エステルまたはその塩、または上記(3)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくは そのエステルまたはその塩の活性を測定し、比較することを特徴とする上記(22)記載の スクリーニング方法、

(60) 受容体が配列番号: 37で表されるアミノ酸配列と同一または実質的に同一のアミノ酸配列を含有してなる蛋白質またはその塩、またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩である上記(59)記載のスクリーニング方法、

5

10

- (61)上記(22)記載のスクリーニング方法または上記(24)記載のスクリーニング 用キットを用いて得られる、上記(1)記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそ のエステルまたはその塩、または上記(3)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしく はそのエステルまたはその塩の活性を促進する化合物またはその塩を含有してなる医薬、
- (62)上記(22)記載のスクリーニング方法または上記(24)記載のスクリーニング 用キットを用いて得られる、上記(1)記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそ のエステルまたはその塩、または上記(3)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしく はそのエステルまたはその塩の活性を阻害する化合物またはその塩を含有してなる医薬、
- (63)上記(17)記載の抗体と、被検液および標識化された上記(1)記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、または上記(3)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩とを競合的に反応させ、該抗体に結合した標識化された上記(1)記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、または上記(3)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の割合を測定することを特徴とする被検液中の上記(1)記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、または上記(3)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の定量法、
- (64)被検液と担体上に不溶化した上記(17)記載の抗体および標識化された上記(17)記載の抗体とを同時あるいは連続的に反応させたのち、不溶化担体上の標識剤の活性を 25 測定することを特徴とする被検液中の上記(1)記載のポリペプチドもしくはそのアミドも しくはそのエステルまたはその塩、または上記(3)記載の部分ペプチドもしくはそのアミ

ドもしくはそのエステルまたはその塩の定量法、

(65)上記(36)記載の抗体と、被検液および標識化された上記(28)記載の蛋白質またはその塩、または上記(30)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩とを競合的に反応させ、該抗体に結合した標識化された上記(28)記載の蛋白質またはその塩、または上記(30)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の割合を測定することを特徴とする被検液中の上記(28)記載の蛋白質またはその塩、上記(30)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、上記(30)記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の定量法、および

(66)被検液と担体上に不溶化した上記(36)記載の抗体および標識化された上記(3 6)記載の抗体とを同時あるいは連続的に反応させたのち、不溶化担体上の標識剤の活性を 測定することを特徴とする被検液中の上記(28)記載のポリペプチドもしくはそのアミド もしくはそのエステルまたはその塩、または上記(30)記載の部分ペプチドもしくはその アミドもしくはそのエステルまたはその塩の定量法などを提供する。

15 図面の簡単な説明

5

図1は実施例2で得られた本発明のポリペプチド(ヒト型)をコードするDNAの塩基配列および該塩基配列から推定されるアミノ酸配列を示す。

図2は本発明のポリペプチドの疎水性プロットを示す図を示す。

図3は実施例3で得られた本発明のポリペプチド(ヒト型)をコードするDNAの塩基配 20 列および該塩基配列から推定されるアミノ酸配列を示す。

図4は実施例4で得られた本発明のポリペプチド(ウシ型)をコードするDNAの塩基配列および該塩基配列から推定されるアミノ酸配列を示す。

図5は実施例5で得られた本発明のポリペプチド(ラット型)をコードするDNAの塩基 配列および該塩基配列から推定されるアミノ酸配列を示す。

25 図6は実施例3、4、5で得られた本発明のポリペプチドのアミノ酸配列の比較を示す。 図7は実施例6で得られた本発明のポリペプチド (マウス型) のアミノ酸配列および該ポ

15

20

25

リペプチドをコードするDNAの塩基配列を示す。

図8は実施例7で行われたサイトセンサーによる rOT7TO22 L 受容体発現CHO細胞に対するペプチドの反応性を示す図を示す。図中、●一●はMPHSFANLPLRFamid de (配列番号:39)、△ー△はVPNLPQRFamide (配列番号:40)を示す。図9は実施例10で行われた MPHSFANLPLRFamide (配列番号:39)、VPNLPQRFamide (配列番号:40)の rOT7TO22L 発現 CHO 細胞に対する cAMP 産生抑制活性を示す図を示す。図中、□ー□は MPHSFANLPLRFamide (配列番号:39)、●一●は VPNLPQRFamide (配列番号:40)を示す。

10 発明を実施するための最良の形態

本発明の配列番号:1で表わされるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸 配列を有するポリペプチド(以下、本発明のポリペプチドと称する)は、ヒトや温血動物(例えば、モルモット、ラット、マウス、ニワトリ、ウサギ、ブタ、ヒツジ、ウシ、サルなど)の細胞(例えば、網膜細胞、肝細胞、脾細胞、神経細胞、グリア細胞、膵臓β細胞、骨髄 細胞、メサンギウム細胞、ランゲルハンス細胞、表皮細胞、上皮細胞、内皮細胞、繊維芽細 胞、繊維細胞、筋細胞、脂肪細胞、免疫細胞(例、マクロファージ、T細胞、B細胞、ナチ ュラルキラー細胞、肥満細胞、好中球、好塩基球、好酸球、単球)、巨核球、滑膜細胞、軟 骨細胞、骨細胞、骨芽細胞、破骨細胞、乳腺細胞、肝細胞もしくは間質細胞、またはこれら 細胞の前駆細胞、幹細胞もしくは癌細胞など) もしくはそれらの細胞が存在するあらゆる組 織、例えば、脳、脳の各部位(例、網膜、嗅球、扁桃核、大脳基底球、海馬、視床、視床下 部、大脳皮質、延髄、小脳)、脊髄、下垂体、胃、膵臓、腎臓、肝臓、生殖腺、甲状腺、胆 のう、骨髄、副腎、皮膚、筋肉、肺、消化管(例、大腸、小腸)、血管、心臓、胸腺、脾臓 、顎下腺、末梢血、前立腺、睾丸、卵巣、胎盤、子宮、骨、関節、骨格筋など、または血球 系の細胞もしくはその培養細胞(例えば、MEL、M1、CTLL-2、HT-2、WEH I-3, HL-60, JOSK-1, K562, ML-1, MOLT-3, MOLT-4, MOLT-10, CCRF-CEM, TALL-1, Jurkat, CCRT-HSB-2

, KE-37, SKW-3, HUT-78, HUT-102, H9, U937, THP-1, HEL, JK-1, CMK, KO-812, MEG-01など) に由来するポリペプチドであってもよく、合成ポリペプチドであってもよい。

配列番号:1で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列としては、配列番号:1で表わされるアミノ酸配列と約70%以上、好ましくは約80%以上、より好ましくは約90%以上、さらに好ましくは約95%以上の相同性を有するアミノ酸配列などがあげられる。

5

10

15

20

特に、配列番号: 1 で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列としては、配列番号: 1 で表わされるアミノ酸配列の第2 $2\sim1$ 8 0 番目のアミノ酸配列を有するアミノ酸配列などがあげられる。

本発明の配列番号:1で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を有するポリペプチドとしては、例えば、前記の配列番号:1で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列(例えば、配列番号:8、配列番号:14、配列番号:18、配列番号:33または配列番号:50で表されるアミノ酸配列など)を有し、配列番号:1で表わされるアミノ酸配列を有するポリペプチドと実質的に同質の活性を有するポリペプチドなどが好ましい。

実質的に同質の活性としては、例えば、本発明のポリペプチドの受容体(具体的には、配列番号:37で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有することを特徴とする蛋白質またはその塩)を発現する細胞に添加することにより発現する細胞刺激活性((以下単に細胞刺激活性とする)、例えばアラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca²+遊離、細胞内 cAMP 生成、細胞内 cGMP 生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質の燐酸化、C-fos の活性化、細胞外 pH の変動など)またはソマトスタチン分泌調節活性などがあげられる。

実質的に同質とは、それらの活性が性質的に(例、生理化学的に、または薬理学的に)同 25 質であることを示す。従って、細胞刺激活性またはソマトスタチン分泌調節活性などの活性 が同等(例、約0.1~100倍、好ましくは約0.5~10倍、より好ましくは0.5~ 2倍)であることが好ましいが、これらの活性の程度、ポリペプチドの分子量などの量的要素は異なっていてもよい。

細胞刺激活性などの測定は、自体公知の方法に準じて行なうことができるが、例えば、後述するスクリーニング方法に従って測定することができる。

また、本発明のポリペプチドとしては、例えば、①配列番号:1、配列番号:8、配列番 5 号:14、配列番号:18、配列番号:33または配列番号:50で表わされるアミノ酸配 列中の $1\sim20$ 個(好ましくは、 $1\sim15$ 個、さらに好ましくは、 $1\sim5$ 個、より好ましく は、1~3個)のアミノ酸が欠失したアミノ酸配列、②配列番号:1、配列番号:8、配列 番号:14、配列番号:18、配列番号:33または配列番号:50で表わされるアミノ酸 配列に $1\sim20$ 個(好ましくは、 $1\sim15$ 個、さらに好ましくは、 $1\sim5$ 個、より好ましく 10 は、1~3個)のアミノ酸が付加したアミノ酸配列、③配列番号:1、配列番号:8、配列 番号:14、配列番号:18、配列番号:33または配列番号:50で表わされるアミノ酸 配列に1~20個(好ましくは、1~15個、さらに好ましくは、1~5個、より好ましく は、1~3個)のアミノ酸が挿入されたアミノ酸配列、④配列番号:1、配列番号:8、配 15 列番号:14、配列番号:18、配列番号:33または配列番号:50で表わされるアミノ 酸配列中の $1\sim20個$ (好ましくは、 $1\sim15個$ 、さらに好ましくは、 $1\sim5個$ 、より好ま しくは、1~3個)のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されたアミノ酸配列、または⑤それら を組み合わせたアミノ酸配列を含有するポリペプチドなどのいわゆるムテインも含まれる。

上記のようにアミノ酸配列が挿入、欠失または置換されている場合、その挿入、欠失また 20 は置換の位置としては、特に限定されない。

配列番号:1で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチドの具体例としては、例えば、配列番号:8で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチド、配列番号:14で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチド、配列番号:18で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチド、配列番号:33で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチド、配列番号:30で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチド、配列番号:50で表わ

25

されるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチドなどがあげられる。

本明細書におけるポリペプチドは、ペプチド標記の慣例に従って左端がN末端(Tミノ末端)、右端がC末端(カルボキシル末端)である。配列番号:1で表わされるTミノ酸配列を含有するポリペプチドをはじめとする、本発明のポリペプチドは、C末端が通常カルボキシル基(-COOH)またはカルボキシレート(-COO) であるが、C末端がTミド($-CONH_2$)またはエステル(-COOR)であってもよい。

5

10

15

ここでエステルにおけるRとしては、例えば、メチル、エチル、n-プロピル、イソプロピルもしくはn-ブチルなどの C_{1-6} アルキル基、例えば、シクロペンチル、シクロヘキシルなどの C_{3-8} シクロアルキル基、例えば、フェニル、 $\alpha-$ ナフチルなどの C_{6-12} アリール基、例えば、ベンジル、フェネチルなどのフェニルー C_{1-2} アルキル基もしくは $\alpha-$ ナフチルメチルなどの $\alpha-$ ナフチルー C_{1-2} アルキル基などの C_{7-14} アラルキル基のほか、経口用エステルとして汎用されるピバロイルオキシメチル基などが用いられる。

本発明のポリペプチドがC末端以外にカルボキシル基(またはカルボキシレート)を有している場合、カルボキシル基がアミド化またはエステル化されているものも本発明のポリペプチドに含まれる。この場合のエステルとしては、例えば上記したC末端のエステルなどが用いられる。

さらに、本発明のポリペプチドには、N末端のアミノ酸残基(例、メチオニン残基)のアミノ基が保護基(例えば、ホルミル基、アセチル基などのC₁₋₆アルカノイルなどのC₁₋₆アシル基など)で保護されているもの、生体内で切断されて生成するN末端のグルタミン残基がピログルタミン酸化したもの、分子内のアミノ酸の側鎖上の置換基(例えば-OH、-SH、アミノ基、イミダゾール基、インドール基、グアニジノ基など)が適当な保護基(例えば、ホルミル基、アセチル基などのC₁₋₆アルカノイル基などのC₁₋₆アシル基など)で保護されているもの、あるいは糖鎖が結合したいわゆる糖タンパク質などの複合タンパク質なども含まれる。

本発明のポリペプチドの具体例としては、例えば、配列番号:1で表わされるアミノ酸配

列を有するヒト由来のポリペプチド(図1)、配列番号:8で表わされるアミノ酸配列を有するヒト由来のポリペプチド(図3)、配列番号:14で表わされるアミノ酸配列を有するウシ由来のポリペプチド(図4)、配列番号:18で表わされるアミノ酸配列を有するラット由来のポリペプチド(図5)、配列番号:33で表わされるアミノ酸配列を有するマウス由来のポリペプチド(図7)、配列番号:50で表わされるアミノ酸配列を有するラット由来のポリペプチドなどが用いられる。

また、本発明のポリペプチドは下記の部分ペプチドの前駆体であってもよく、この場合には、必ずしも下記の部分ペプチドの有する活性(例、細胞刺激活性など)を有する必要はない。

10 本発明のポリペプチドの部分ペプチドとしては、前記した本発明のポリペプチドの部分ペプチドであって、好ましくは、本発明のポリペプチドの部分ペプチドの受容体(具体的には、配列番号:37で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有することを特徴とする蛋白質またはその塩)を発現する細胞に添加することにより発現する細胞刺激活性(以下単に細胞刺激活性とする)、例えばアラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca²⁺遊離、細胞内 cAMP 生成、細胞内 cGMP 生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質の燐酸化、C-fos の活性化、細胞外 pH の変動など)またはソマトスタチン分泌調節活性などを有するものであればいかなるものでもよい。

本発明のポリペプチドの部分ペプチドとして好ましくは、RF amide、RS amide または RL amide 構造を有するペプチドが好ましい。

- RF amide 構造とは、ペプチドの C 末端が Arginine(アルギニン)-Phenylalanine(フェニルアラニン)-NH。構造になっていることをいい、RS amide 構造とは、ペプチドの C 末端が Arginine(アルギニン)-Serine(セリン)-NH。構造になっていることをいい、RL amide 構造とは、ペプチドの C 末端が Arginine(アルギニン)-Leucine(ロイシン)-NH。構造になっていることを意味する。
- 25 これらペプチドの中でも、例えば、

5

① 配列番号:1で表わされるアミノ酸配列の第81番目(Met)〜第92番目(Phe)、第

101番目 (Ser) ~ 112 番目 (Ser)、第124番目 (Val) ~ 131 番目 (Phe)、第1番目 (Met) \sim 第92番目 (Phe)、第1番目 (Met) ~ 112 番目 (Ser) または第1番目 (Met) ~ 131 番目 (Phe) のアミノ酸配列を含有するペプチド、

- ② 配列番号:8で表わされるアミノ酸配列の第81番目 (Met) ~第92番目 (Phe)、第101番目 (Ser) ~112番目 (Ser)、第124番目 (Val) ~131番目 (Phe)、第1番目 (Met) ~第92番目 (Phe)、第1番目 (Met) ~112番目 (Ser) または第1番目 (Met) ~131番目 (Phe) のアミノ酸配列を含有するペプチド、
- ③ 配列番号:14で表わされるアミノ酸配列の第81番目 (Met) ~第92番目 (Phe)、第124番目 (Val) ~131番目 (Phe)、第1番目 (Met) ~第92番目 (Phe) または第
 10 1番目 (Met) ~131番目 (Phe) のアミノ酸配列を含有するペプチド、
 - ④ 配列番号:33で表わされるアミノ酸配列の第84番目 (Pro) ~第94番目 (Phe) のアミノ酸配列を含有するペプチド、
 - ⑤ 配列番号:50で表わされるアミノ酸配列の第84番目 (Pro) ~第94番目 (Phe) のアミノ酸配列を含有するペプチド、などが好ましい例としてあげられる。
- 15 特にこれらのペプチドのアミド体が好ましい。

5

具体的には配列番号: 1 で表わされるアミノ酸配列の第8 1番目 (Met) \sim 第9 2番目 (Phe) のアミノ酸配列で表されるペプチドのC末端がアミド化された $(-CONH_2)$ ペプチド (配列番号: 3 9)、配列番号: 1 で表わされるアミノ酸配列の第1 0 1番目 (Ser) \sim 1 1 2番目 (Ser) のアミノ酸配列で表されるペプチドのC末端がアミド化された $(-CONH_2)$

20)ペプチド(配列番号: 41)および配列番号: 1 で表わされるアミノ酸配列の第124番目 (Val) ~ 131 番目 (Phe) のアミノ酸配列で表されるペプチドのC末端がアミド化された $(-CONH_2)$ ペプチド(配列番号: 40)などがあげられる。

また、本発明の部分ペプチドは、そのアミノ酸配列中の1~5個(好ましくは、1~3個のアミノ酸が欠失し、または、そのアミノ酸配列に1~5個(好ましくは、1~3個)のアミノ酸が付加し、または、そのアミノ酸配列に1~5個(好ましくは、1~3個のアミノ酸が挿入され、または、そのアミノ酸配列中の1~5個(好ましくは、1~3個のアミノ酸が

他のアミノ酸で置換されたアミノ酸配列を含有していてもよく、それらを組み合わせたアミノ酸配列を含有していてもよい。

また、本発明の部分ペプチドはC末端が通常カルボキシル基(-COOH)またはカルボキシレート(-COOT)であるが、前記した本発明のポリペプチドのごとく、C末端がアミド($-CONH_2$)またはエステル(-COOR)(Rは上記と同意義を示す)であってもよい。なかでも、C末端がアミド($-CONH_2$)であるものが好ましい。

さらに、本発明の部分ペプチドには、前記した本発明のポリペプチドと同様に、N末端の アミノ酸残基(例、メチオニン残基)のアミノ基が保護基で保護されているもの、N端側が 生体内で切断され生成したグルタミン残基がピログルタミン酸化したもの、分子内のアミノ 酸の側鎖上の置換基が適当な保護基で保護されているもの、あるいは糖鎖が結合したいわゆ る糖ペプチドなどの複合ペプチドなども含まれる。

10

15

20

また、本発明の部分ペプチドは抗体作成のための抗原として用いることができるので、必ずしも細胞刺激活性またはソマトスタチン分泌調節活性などを有する必要はない。

本発明のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルの塩としては、生理学的に許容される酸(例、無機酸、有機酸)や塩基(例、アルカリ金属塩)などとの塩が用いられ、とりわけ生理学的に許容される酸付加塩が好ましい。このような塩としては、例えば、無機酸(例えば、塩酸、リン酸、臭化水素酸、硫酸)との塩、あるいは有機酸(例えば、酢酸、ギ酸、プロピオン酸、フマル酸、マレイン酸、コハク酸、酒石酸、クエン酸、リンゴ酸、蓚酸、安息香酸、メタンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸)との塩などが用いられる。

本発明のポリペプチドまたはその塩は、前述したヒトや温血動物の細胞または組織から自体公知のポリペプチドの精製方法によって製造することもできるし、後述するポリペプチドをコードするDNAを含有する形質転換体を培養することによっても製造することができる。また、後述のペプチド合成法に準じて製造することもできる。

25 ヒトや哺乳動物の組織または細胞から製造する場合、ヒトや哺乳動物の組織または細胞を ホモジナイズした後、酸などで抽出を行ない、該抽出液を逆相クロマトグラフィー、イオン 交換クロマトグラフィーなどのクロマトグラフィーを組み合わせることにより精製単離する ことができる。

本発明のポリペプチド、部分ペプチド、もしくはそれらの塩、またはそれらのアミド体の合成には、通常市販のポリペプチド合成用樹脂を用いることができる。そのような樹脂としては、例えば、クロロメチル樹脂、ヒドロキシメチル樹脂、ベンズヒドリルアミン樹脂、アミノメチル樹脂、4ーベンジルオキシベンジルアルコール樹脂、4ーメチルベンズヒドリルアミン樹脂、PAM樹脂、4ーヒドロキシメチルメチルフェニルアセトアミドメチル樹脂、ポリアクリルアミド樹脂、4ー(2',4'-ジメトキシフェニルーヒドロキシメチル)フェノキシ樹脂、4ー(2',4'-ジメトキシフェニルートFmoc アミノエチル)フェノキシ樹脂などをあげることができる。このような樹脂を用い、αーアミノ基と側鎖官能基を適当に保護したアミノ酸を、目的とするポリペプチドの配列通りに、自体公知の各種縮合方法に従い、樹脂上で縮合させる。反応の最後に樹脂からポリペプチドを切り出すと同時に各種保護基を除去し、さらに高希釈溶液中で分子内ジスルフィド結合形成反応を実施し、目的のポリペプチド、部分ペプチドまたはそれらのアミド体を取得する。

上記した保護アミノ酸の縮合に関しては、ポリペプチド合成に使用できる各種活性化試薬を用いることができるが、特に、カルボジイミド類がよい。カルボジイミド類としては、DCC 、N, N'ージイソプロピルカルボジイミド、N-エチル-N'ー(3-ジメチルアミノプロリル) カルボジイミドなどが用いられる。これらによる活性化にはラセミ化抑制添加剤(例えば、HOBt, HOOBt)とともに保護アミノ酸を直接樹脂に添加するかまたは、対称酸無水物または HOBt エステルあるいは HOOBt エステルとしてあらかじめ保護アミノ酸の活性化を行なった後に樹脂に添加することができる。

保護アミノ酸の活性化や樹脂との縮合に用いられる溶媒としては、ポリペプチド縮合反応 に使用しうることが知られている溶媒から適宜選択されうる。例えば、N, N-ジメチルホ ルムアミド, N, N-ジメチルアセトアミド, N-メチルピロリドンなどの酸アミド類、塩 化メチレン, クロロホルムなどのハロゲン化炭化水素類、トリフルオロエタノールなどのア ルコール類、ジメチルスルホキシドなどのスルホキシド類、ピリジン, ジオキサン, テトラ

ヒドロフランなどのエーテル類、アセトニトリル、プロピオニトリルなどのニトリル類、酢 酸メチル、酢酸エチルなどのエステル類あるいはこれらの適宜の混合物などが用いられる。 反応温度はポリペプチド結合形成反応に使用され得ることが知られている範囲から適宜選択 され、通常約-20℃~50℃の範囲から適宜選択される。活性化されたアミノ酸誘導体は 通常 $1.5 \sim 4$ 倍過剰で用いられる。ニンヒドリン反応を用いたテストの結果、縮合が不十分 な場合には保護基の脱離を行なうことなく縮合反応を繰り返すことにより十分な縮合を行な うことができる。反応を繰り返しても十分な縮合が得られないときには、無水酢酸またはア セチルイミダゾールを用いて未反応アミノ酸をアセチル化することによって、後の反応に影 響を与えないようにすることができる。

5

25

原料のアミノ基の保護基としては、例えば、Z、Boc、t-ペンチルオキシカルボニル、イ 10 ソボルニルオキシカルボニル、4-メトキシベンジルオキシカルボニル、C1-Z、Br-Z、アダ マンチルオキシカルボニル、トリフルオロアセチル、フタロイル、ホルミル、2-ニトロフ ェニルスルフェニル、ジフェニルホスフィノチオイル、Fmoc などが用いられる。

カルボキシル基は、例えば、アルキルエステル化(例えば、メチル、エチル、プロピル、 ブチル、t-ブチル、シクロペンチル、シクロヘキシル、シクロヘプチル、シクロオクチル 15 、2-アダマンチルなどの直鎖状、分枝状もしくは環状アルキルエステル化)、アラルキル エステル化(例えば、ベンジルエステル、4-ニトロベンジルエステル、4-メトキシベン ジルエステル、4-クロロベンジルエステル、ベンズヒドリルエステル化)、フェナシルエ ステル化、ベンジルオキシカルボニルヒドラジド化、 t ープトキシカルボニルヒドラジド化 20 、トリチルヒドラジド化などによって保護することができる。

セリンの水酸基は、例えば、エステル化またはエーテル化によって保護することができる 。このエステル化に適する基としては、例えば、アセチル基などの低級(C_{1-6} アルカノイ ル基、ベンゾイル基などのアロイル基、ベンジルオキシカルボニル基、エトキシカルボニル 基などの炭酸から誘導される基などが用いられる。また、エーテル化に適する基としては、

例えば、ベンジル基、テトラヒドロピラニル基、t-プチル基などである。

チロシンのフェノール性水酸基の保護基としては、例えば、Bzl、 Cl_z -Bzl、2-ニトロベ

ンジル、Br-Z、tーブチルなどが用いられる。

ヒスチジンのイミダゾールの保護基としては、例えば、Tos、4-メトキシ-2、3、6-トリメチルベンゼンスルホニル、DNP、ベンジルオキシメチル、Bum、Boc、Trt、Fmoc などが用いられる。

5 原料のカルボキシル基の活性化されたものとしては、例えば、対応する酸無水物、アジド、活性エステル〔アルコール(例えば、ペンタクロロフェノール、2,4,5-トリクロロフェノール、2,4-ジニトロフェノール、シアノメチルアルコール、パラニトロフェノール、HONB、N-ヒドロキシスクシミド、N-ヒドロキシフタルイミド、HOBt) とのエステル〕などが用いられる。原料のアミノ基の活性化されたものとしては、例えば、対応するリン酸アミドが用いられる。

保護基の除去(脱離) 方法としては、例えば、Pdー黒あるいはPdー炭素などの触媒の存在下での水素気流中での接触還元や、また、無水フッ化水素、メタンスルホン酸、トリフルオロ酢酸あるいはこれらの混合液などによる酸処理や、ジイソプロピルエチルアミン、トリエチルアミン、ピペリジン、ピペラジンなどによる塩基処理、また液体アンモニア中ナトリウムによる還元なども用いられる。上記酸処理による脱離反応は、一般に約−20℃~40℃の温度で行なわれるが、酸処理においては、例えば、アニソール、フェノール、チオアニソール、メタクレゾール、パラクレゾール、ジメチルスルフィド、1、4-ブタンジチオール、1、2-エタンジチオールなどのようなカチオン捕捉剤の添加が有効である。また、ヒスチジンのイミダゾール保護基として用いられる 2、4-ジニトロフェニル基はチオフェノール処理により除去され、トリプトファンのインドール保護基として用いられるホルミル基は上記の1、2-エタンジチオール、1、4-ブタンジチオールなどの存在下の酸処理による脱保護以外に、希水酸化ナトリウム溶液、希アンモニアなどによるアルカリ処理によっても除去される。

原料の反応に関与すべきでない官能基の保護ならびに保護基、およびその保護基の脱離、 反応に関与する官能基の活性化などは公知の基または公知の手段から適宜選択しうる。

25

本発明のポリペプチドもしくは部分ペプチドのアミド体を得る別の方法としては、例えば

、まず、カルボキシ末端アミノ酸のαーカルボキシル基をアミド化して保護した後、アミノ基側にペプチド(ポリペプチド)鎖を所望の鎖長まで延ばした後、該ペプチド鎖のN末端のαーアミノ基の保護基のみを除いたポリペプチドとC末端のカルボキシル基の保護基のみを除去したポリペプチドとを製造し、この両ポリペプチドを上記したような混合溶媒中で縮合させる。縮合反応の詳細については上記と同様である。縮合により得られた保護ポリペプチドを精製した後、上記方法によりすべての保護基を除去し、所望の粗ポリペプチドを得ることができる。この粗ポリペプチドは既知の各種精製手段を駆使して精製し、主要画分を凍結乾燥することで所望のポリペプチドもしくは部分ペプチドのアミド体を得ることができる。

5

本発明のポリペプチドもしくは部分ペプチドのエステル体を得るには、例えば、カルボキ 10 シ末端アミノ酸のαーカルボキシル基を所望のアルコール類と縮合しアミノ酸エステルとし た後、ポリペプチドのアミド体と同様にして、所望のポリペプチドもしくは部分ペプチドの エステル体を得ることができる。

本発明の部分ペプチドまたはその塩は、自体公知のペプチドの合成法に従って、あるいは本発明のポリペプチドを適当なペプチダーゼで切断することによって製造することができる。ペプチドの合成法としては、例えば、固相合成法、液相合成法のいずれによっても良い。すなわち、本発明の部分ペプチドを構成し得る部分ペプチドもしくはアミノ酸と残余部分とを縮合させ、生成物が保護基を有する場合は保護基を脱離することにより目的のペプチドを製造することができる。公知の縮合方法や保護基の脱離としては、例えば、以下の①~⑤に記載された方法があげられる。

- 20 ① M Bodanszky および M.A. Ondetti、ペプチド・シンセシス (Peptide Synthesis), Interscience Publishers, New York (1966年)
 - ② Schroeder および Luebke、ザ・ペプチド (The Peptide), Academic Press, New York (1965年)
 - ③泉屋信夫他、ペプチド合成の基礎と実験、丸善(株) (1975年)
- 25 ④矢島治明 および榊原俊平、生化学実験講座 1、 タンパク質の化学 IV、205、(1977年)
 - ⑤矢島治明監修、続医薬品の開発、第14巻、ペプチド合成、広川書店

また、反応後は通常の精製法、例えば、溶媒抽出・蒸留・カラムクロマトグラフィー・液体クロマトグラフィー・再結晶などを組み合わせて本発明の部分ペプチドを精製単離することができる。上記方法で得られる部分ペプチドが遊離体である場合は、公知の方法あるいはそれに準じる方法によって適当な塩に変換することができるし、逆に塩で得られた場合は、

5 公知の方法あるいはそれに準じる方法によって遊離体または他の塩に変換することができる

本発明のポリペプチドをコードするDNAとしては、前述した本発明のポリペプチドをコードする塩基配列を含有するものであればいかなるものであってもよい。また、ゲノムDNA、ゲノムDNAライブラリー、前記した細胞・組織由来のcDNA、前記した細胞・組織由来のcDNAライブラリー、合成DNAのいずれでもよい。

10

ライブラリーに使用するベクターは、バクテリオファージ、プラスミド、コスミド、ファージミドなどいずれであってもよい。また、前記した細胞・組織より total RNAまたはm RNA画分を調製したものを用いて直接 Reverse Transcript ase Polymerase Chain Reaction (以下、RT-PCR法と略称する) によって増幅することもできる。

15 本発明のポリペプチドをコードするDNAとしては、例えば、配列番号: 2、配列番号: 9、配列番号: 15、配列番号: 19、配列番号: 34または配列番号: 51で表わされる塩基配列を含有するDNA、または配列番号: 2、配列番号: 9、配列番号: 15、配列番号: 19、配列番号: 34または配列番号: 51で表わされる塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有し、本発明のポリペプチドと実質的に同質の活性(例、細胞刺激活性またはソマトスタチン分泌調節活性など)を有するポリペプチドをコードするDNAなどであれば何れのものでもよい。

配列番号: 2、配列番号: 9、配列番号: 15、配列番号: 19、配列番号: 34または 配列番号: 51で表わされる塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズで きるDNAとしては、例えば、それぞれ配列番号: 2で表わされる塩基配列と約70%以上 、好ましくは約80%以上、より好ましくは約90%以上、さらに好ましくは約95%以上 の相同性を有する塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。 ハイブリダイゼーションは、自体公知の方法あるいはそれに準じる方法、例えば、モレキュラー・クローニング(Molecular Cloning) 2 nd(J. Sambrook et al., Cold Spring Harbor Lab. Press, 1989)に記載の方法などに従って行なうことができる。また、市販のライブラリーを使用する場合、添付の使用説明書に記載の方法に従って行なうことができる。より好ましくは、ハイストリンジェントな条件に従って行なうことができる。

ハイストリンジェントな条件とは、例えば、ナトリウム濃度が約 $19~40\,\mathrm{mM}$ 、好ましくは約 $19~20\,\mathrm{mM}$ で、温度が約 $50~70\,\mathrm{C}$ 、好ましくは約 $60~65\,\mathrm{C}$ の条件を示す。特に、ナトリウム濃度が約 $19\,\mathrm{mM}$ で温度が約 $65\,\mathrm{C}$ の場合が最も好ましい。

10

15

20

より具体的には、配列番号:1で表わされるアミノ酸配列を有するポリペプチドをコードするDNAとしては、配列番号:2で表わされる塩基配列を有するDNAなどが用いられる。また、配列番号:8で表わされるアミノ酸配列を有するポリペプチドをコードするDNAとしては、配列番号:9で表わされる塩基配列を有するDNAなどが用いられ、配列番号:14で表わされるアミノ酸配列を有するポリペプチドをコードするDNAとしては、配列番号:15で表わされる塩基配列を有するDNAなどが用いられ、配列番号:18で表わされるアミノ酸配列を有するポリペプチドをコードするDNAとしては、配列番号:19で表わされる塩基配列を有するプリペプチドをコードするDNAとしては、配列番号:33で表わされるアミノ酸配列を有するポリペプチドをコードするDNAとしては、配列番号:34で表わされる塩基配列を有するポリペプチドをコードするDNAとしては、配列番号:34で表わされる塩基配列を有するポリペプチドをコードするDNAとしては、配列番号:50で表わされるアミノ酸配列を有するポリペプチドをコードするDNAとしては、配列番号:51で表わされる塩基配列を有するDNAなどが用いられ。配列番号:51で表わされる塩基配列を有するDNAなどが用いられる。

本発明の部分ペプチドをコードするDNAとしては、前述した本発明の部分ペプチドをコードする塩基配列を含有するものであればいかなるものであってもよい。また、ゲノムDNA、ゲノムDNAライブラリー、前記した細胞・組織由来のcDNA、前記した細胞・組織由来のcDNAライブラリー、合成DNAのいずれでもよい。

25 本発明の部分ペプチドをコードするDNAとしては、例えば、配列番号: 2、配列番号: 9、配列番号: 15、配列番号: 19、配列番号: 34または配列番号: 51で表わされる

塩基配列を有するDNAの部分塩基配列を有するDNA、または配列番号: 2、配列番号: 9、配列番号: 15、配列番号: 19、配列番号: 34または配列番号: 51で表わされる塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有し、本発明のポリペプチドと実質的に同質の活性を有するポリペプチドをコードするDNAの部分塩基配列を有するDNAなどが用いられる。

配列番号: 2、配列番号: 9、配列番号: 15、配列番号: 19、配列番号: 34または 配列番号: 51で表わされる塩基配列とハイブリダイズできるDNAは、前記と同意義を示す。

ハイブリダイゼーションの方法およびハイストリンジェントな条件は前記と同様のものが 10 用いられる。

5

15

20

配列番号: 2、配列番号: 9、配列番号: 15、配列番号: 19、配列番号: 34または 配列番号: 51で表わされる塩基配列とハイブリダイズできるDNAでコードされるポリペ プチドは後述の本発明のポリペプチドの製造法と同様にして製造することができ、該ポリペ プチドのアミド、エステル、塩は上述の本発明のポリペプチドのアミド、エステル、塩と同様のものなどがあげられる。

また、本発明の部分ペプチドをコードするDNAとしてより具体的には、

- ① 配列番号:1で表わされるアミノ酸配列の第81番目 (Met) ~第92番目 (Phe)、第101番目 (Ser) ~112番目 (Ser)、第124番目 (Val) ~131番目 (Phe)、第1番目 (Met) ~第92番目 (Phe)、第1番目 (Met) ~112番目 (Ser) または第1番目 (Met) ~131番目 (Phe) のアミノ酸配列を含有するペプチドをコードする塩基配列を有するDNAを含有するDNA、またはこれらとハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有するDNAを含有するDNA、
- ② 配列番号:8で表わされるアミノ酸配列の第81番目 (Met) ~第92番目 (Phe)、第101番目 (Ser) ~112番目 (Ser)、第124番目 (Val) ~131番目 (Phe)、第1 番目 (Met) ~第92番目 (Phe)、第1番目 (Met) ~112番目 (Ser) または第1番目 (Met) ~131番目 (Phe) のアミノ酸配列を含有するペプチドをコードする塩基配列を有す

るDNAを含有するDNA、またはこれらとハイストリンジェントな条件下でハイブリダイ ズする塩基配列を有するDNAを含有するDNA、

- ③ 配列番号: 14で表わされるアミノ酸配列の第81番目 (Met) ~第92番目 (Phe)、第124番目 (Val) ~131番目 (Phe)、第1番目 (Met) ~第92番目 (Phe) または第1番目 (Met) ~131番目 (Phe) のアミノ酸配列を含有するペプチドをコードする塩基配列を有するDNAを含有するDNA、またはこれらとハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有するDNAを含有するDNA、
- ④ 配列番号:33で表わされるアミノ酸配列の第84番目 (Pro) ~ 第94番目 (Phe) のアミノ酸配列を含有するペプチドをコードする塩基配列を有するDNAを含有するDNA、
- 10 またはこれらとハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有するDNA、 Aを含有するDNA、
 - ⑤ 配列番号:50で表わされるアミノ酸配列の第84番目 (Pro) ~第94番目 (Phe) のアミノ酸配列を含有するペプチドをコードする塩基配列を有するDNAを含有するDNA、またはこれらとハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有するDNA、Aを含有するDNA、

などがあげられる。

15

20

配列番号:1で表わされるアミノ酸配列の第81番目 (Met) ~第92番目 (Phe) のアミノ酸配列を含有するペプチドをコードする塩基配列を有するDNAを含有するDNAとしては、配列番号:42で表される塩基配列を有するDNA (配列番号:2で表される塩基配列の第241番目ないし第276番目の塩基を有するDNA) を含有するDNA、

配列番号:1で表わされるアミノ酸配列の第101番目(Ser)~112番目(Ser)のアミノ酸配列を含有するペプチドをコードする塩基配列を有するDNAを含有するDNAとしては、配列番号:43で表される塩基配列を有するDNA(配列番号:2で表される塩基配列の第301番目ないし第336番目の塩基を有するDNA)を含有するDNA、

25 配列番号:1で表わされるアミノ酸配列の第124番目(Val)~131番目(Phe)のア ミノ酸配列を含有するペプチドをコードする塩基配列を有するDNAを含有するDNAとし ては、配列番号:44で表される塩基配列を有するDNA(配列番号:2で表される塩基配列の第370番目ないし第393番目の塩基を有するDNA)を含有するDNA、

配列番号:1で表わされるアミノ酸配列の第1番目 (Met) ~第92番目 (Phe) のアミノ酸配列を含有するペプチドをコードする塩基配列を有するDNAを含有するDNAとしては、配列番号:45で表される塩基配列を有するDNA (配列番号:2で表される塩基配列の第1番目ないし第276番目の塩基を有するDNA)を含有するDNA、

5

10

15

20

25

配列番号: 1で表わされるアミノ酸配列の、第1番目(Met)~112番目(Ser)のアミノ酸配列を含有するペプチドをコードする塩基配列を有するDNAを含有するDNAとしては、配列番号: 46で表される塩基配列を有するDNA(配列番号: 2で表される塩基配列の第1番目ないし第336番目の塩基を有するDNA)を含有するDNA、および

配列番号: 1で表わされるアミノ酸配列の、第1番目(Met) \sim 131番目(Phe)のアミノ酸配列を含有するペプチドをコードする塩基配列を有するDNAを含有するDNAとしては、配列番号: 47で表される塩基配列を有するDNA(配列番号: 2で表される塩基配列の第1番目ないし第393番目の塩基を有するDNA)を含有するDNAなどがあげられる

本発明のポリペプチドもしくはその部分ペプチド、後述の本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドおよびこれらの蛋白質またはペプチドをコードするDNAは、自体公知の方法で標識化されていてもよく、具体的にはアイソトープラベル化されたもの、蛍光標識されたもの(例えば、フルオレセインなどによる蛍光標識)、ビオチン化されたものまたは酵素標識されたものなどがあげられる。

本発明のポリペプチドまたは部分ペプチド(以下、これらポリペプチド等をコードするDNAのクローニングおよび発現の説明においては、これらポリペプチド等を単に本発明のポリペプチドと略記する場合がある)を完全にコードするDNAのクローニングの手段としては、本発明のポリペプチドの部分塩基配列を有する合成DNAプライマーを用いて自体公知のPCR法によって増幅するか、または適当なベクターに組み込んだDNAを本発明のポリペプチドの一部あるいは全領域をコードするDNA断片もしくは合成DNAを用いて標識し

たものとのハイブリダイゼーションによって選別することができる。ハイブリダイゼーションの方法は、例えば、モレキュラー・クローニング (Molecular Cloning) 2 nd (J. Sambrook et al., Cold Spring Harbor Lab. Press, 1989) に記載の方法などに従って行なうことができる。また、市販のライブラリーを使用する場合、添付の使用説明書に記載の方法に従って行なうことができる。

5

10

15

20

DNAの塩基配列の変換は、公知のキット、例えば、MutanTM-G(宝酒造(株))、MutanTM-K(宝酒造(株))などを用いて、Gupped duplex 法や Kunkel 法などの自体公知の方法あるいはそれらに準じる方法に従って行なうことができる。

クローン化されたポリペプチドをコードするDNAは目的によりそのまま、または所望により制限酵素で消化したり、リンカーを付加したりして使用することができる。該DNAはその5、末端側に翻訳開始コドンとしてのATGを有し、また3、末端側には翻訳終止コドンとしてのTAA、TGAまたはTAGを有していてもよい。これらの翻訳開始コドンや翻訳終止コドンは、適当な合成DNAアダプターを用いて付加することもできる。

本発明のポリペプチドの発現ベクターは、例えば、(イ)本発明のポリペプチドをコード するDNAから目的とするDNA断片を切り出し、(ロ)該DNA断片を適当な発現ベクタ ー中のプロモーターの下流に連結することにより製造することができる。

ベクターとしては、大腸菌由来のプラスミド(例、pBR322, pBR325, pUC12, pUC13)、枯草菌由来のプラスミド(例、pUB110, pTP5, pC194)、酵母由来プラスミド(例、pSH19, pSH15)、 λ ファージなどのバクテリオファージ、レトロウイルス,ワクシニアウイルス,バキュロウイルスなどの動物ウイルスなどの他、pA1-11、pXT1、pRc/CMV、pRc/RSV、pcDNAI/Neoなどが用いられる。

本発明で用いられるプロモーターとしては、遺伝子の発現に用いる宿主に対応して適切な プロモーターであればいかなるものでもよい。例えば、動物細胞を宿主として用いる場合は 25 、SR αプロモーター、SV 4 0 プロモーター、HIV・LTRプロモーター、CMVプロ モーター、HSV-TKプロモーターなどがあげられる。 これらのうち、CMV(サイトメガロウイルス)プロモーター、SR α プロモーターなどを用いるのが好ましい。宿主がエシェリヒア属菌である場合は、trpプロモーター、la cプロモーター、recAプロモーター、 λ PLプロモーター、lppプロモーター、T7 プロモーターなどが、宿主がバチルス属菌である場合は、SPO1プロモーター、SPO2 プロモーター、penPプロモーターなど、宿主が酵母である場合は、PHO5プロモーター、PGKプロモーター、PGAPプロモーター、P10プロモーターなどが好ましい。宿主が昆虫細胞である場合は、ポリヘドリンプロモーター、P10プロモーターなどが好ましい

5

10

15

20

発現ベクターには、以上の他に、所望によりエンハンサー、スプライシングシグナル、ポリA付加シグナル、選択マーカー、SV40複製オリジン(以下、SV40oriと略称する場合がある)などを含有しているものを用いることができる。選択マーカーとしては、例えば、ジヒドロ葉酸還元酵素(以下、dhfrと略称する場合がある)遺伝子(メソトレキセート(MTX)耐性)、アンピシリン耐性遺伝子(以下、Amprと略称する場合がある)、ネオマイシン耐性遺伝子(以下、Neorと略称する場合がある、G418耐性)等があげられる。特に、dhfr遺伝子欠損チャイニーズハムスター細胞を用いてdhfr遺伝子を選択マーカーとして使用する場合、目的遺伝子をチミジンを含まない培地によっても選択できる。

また、必要に応じて、宿主に合ったシグナル配列を、本発明のポリペプチドのN端末側に付加する。宿主がエシェリヒア属菌である場合は、Pho A・シグナル配列、Omp A・シグナル配列などが、宿主がバチルス属菌である場合は、 α -アミラーゼ・シグナル配列、サブチリシン・シグナル配列などが、宿主が酵母である場合は、MF α ・シグナル配列、SUC 2・シグナル配列など、宿主が動物細胞である場合には、インシュリン・シグナル配列、 α -インターフェロン・シグナル配列、抗体分子・シグナル配列などがそれぞれ利用できる。

このようにして構築された本発明のポリペプチドをコードするDNAを含有するベクター 25 を用いて、形質転換体を製造することができる。

宿主としては、例えば、エシェリヒア属菌、バチルス属菌、酵母、昆虫細胞、昆虫、動物

細胞などが用いられる。

15

エシェリヒア属菌の具体例としては、例えば、エシェリヒア・コリ (Escherichia coli) K12・DH1 [プロシージングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシイズ・オブ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 60巻, 160(1968)], JM103 [ヌクイレック・アシッズ・リサーチ, (Nucleic Acids Research), 9巻, 309(1981)], JA221 [ジャーナル・オブ・モレキュラー・バイオロジー (Journal of Molecular Biology)], 120巻, 517(1978)], HB101 [ジャーナル・オブ・モレキュラー・バイオロジー, 41巻, 459(1969)], C600 [ジェネティックス (Genetics), 39巻, 440(1954)] などが用いられる。

10 バチルス属菌としては、例えば、バチルス・サブチルス (Bacillus subtilis) M I 1 1 4 [ジーン, 2 4巻, 2 5 5 (1 9 8 3)], 2 0 7 - 2 1 [ジャーナル・オブ・バイオケミストリー (Journal of Biochemistry), 9 5巻, 8 7 (1 9 8 4)] などが用いられる。

酵母としては、例えば、サッカロマイセス セレビシエ (Saccharomyces cerevisiae) A H22, AH22R⁻, NA87-11A, DKD-5D, 20B-12、シゾサッカロマイセス ポンベ (Schizosaccharomyces pombe) NCYC1913, NCYC2036、ピキア パストリス (Pichia pastoris) KM71などが用いられる。

昆虫細胞としては、例えば、ウイルスがAcNPVの場合は、夜盗蛾の幼虫由来株化細胞(Spodoptera frugiperda cell; S f 細胞)、Trichoplusia ni の中腸由来のMG 1細胞、Trichoplusia ni の卵由来の High Five™ 細胞、Mamestra brassicae 由来の細胞または 20 Estigmena acrea 由来の細胞などが用いられる。ウイルスがBmNPVの場合は、蚕由来株化細胞(Bombyx mori N 細胞; BmN細胞)などが用いられる。該S f 細胞としては、例えば、S f 9細胞(ATCC CRL1711)、S f 2 1細胞(以上、Vaughn、J. L. ら、イン・ヴィボ (In Vivo), 13, 213-217, (1977))などが用いられる。

昆虫としては、例えば、カイコの幼虫などが用いられる〔前田ら、ネイチャー (Nature) 25 , 315巻, 592(1985)]。

動物細胞としては、例えば、サル細胞COS-7,Vero,チャイニーズハムスター細胞C

HO(以下、CHO細胞と略記),dhfr<mark>遺伝子</mark>欠損チャイニーズハムスター細胞CHO(以下、CHO(dhfr⁻)細胞と略記),マウスL細胞,マウスAtT-20,マウスミエローマ細胞,ラットGH3,ヒトFL細胞などが用いられる。

エシェリヒア属菌を形質転換するには、例えば、プロシージングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンジイズ・オブ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 69巻, 2110(1972)やジーン (Gene), 17巻, 107(1982)などに記載の方法に従って行なうことができる。

5

10

15

20

バチルス属菌を形質転換するには、例えば、モレキュラー・アンド・ジェネラル・ジェネティックス (Molecular & General Genetics) , 168巻, 111(1979)などに記載の方法に従って行なうことができる。

酵母を形質転換するには、例えば、メソッズ・イン・エンザイモロジー(Methods in Enzymology), 194巻, 182-187 (1991)、プロシージングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシイズ・オブ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 75巻, 1929(1978) などに記載の方法に従って行なうことができる。

昆虫細胞または昆虫を形質転換するには、例えば、バイオ/テクノロジー (Bio/Technology, 6, 47-55(1988)) などに記載の方法に従って行なうことができる。

動物細胞を形質転換するには、例えば、細胞工学別冊8 新細胞工学実験プロトコール. 263-267(1995)(秀潤社発行)、ヴィロロジー(Virology), 52巻, 456(1973)に記載の方法に従って行なうことができる。

このようにして、ポリペプチドをコードするDNAを含有する発現ベクターで形質転換された形質転換体を得ることができる。

宿主がエシェリヒア属菌、バチルス属菌である形質転換体を培養する際、培養に使用される培地としては液体培地が適当であり、その中には該形質転換体の生育に必要な炭素源、窒素源、無機物その他が含有せしめられる。炭素源としては、例えば、グルコース、デキストリン、可溶性澱粉、ショ糖など、窒素源としては、例えば、アンモニウム塩類、硝酸塩類、

コーンスチープ・リカー、ペプトン、カゼイン、肉エキス、大豆粕、バレイショ抽出液などの無機または有機物質、無機物としては、例えば、塩化カルシウム、リン酸二水素ナトリウム、塩化マグネシウムなどがあげられる。また、酵母、ビタミン類、生長促進因子などを添加してもよい。培地のpHは約5~8が望ましい。

エシェリヒア属菌を培養する際の培地としては、例えば、グルコース、カザミノ酸を含む M9培地〔ミラー(Miller),ジャーナル・オブ・エクスペリメンツ・イン・モレキュラー・ジェネティックス(Journal of Experiments in Molecular Genetics),431-433,Cold Spring Harbor Laboratory,New York 1972〕が好ましい。ここに必要によりプロモーターを効率よく働かせるために、例えば、 3β -インドリルアクリル酸のような薬剤を加えることができる。

5

10

25

宿主がエシェリヒア属菌の場合、培養は通常約15~43℃で約3~24時間行ない、必要により、通気や撹拌を加えることもできる。

宿主がバチルス属菌の場合、培養は通常約30~40℃で約6~24時間行ない、必要により通気や撹拌を加えることもできる。

15 宿主が酵母である形質転換体を培養する際、培地としては、例えば、バークホールダー(Burkholder)最小培地 (Bostian, K. L. ら、プロシージングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシイズ・オブ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 77巻, 4505(1980)] や0.5%カザミノ酸を含有するSD培地 (Bitter, G. A. ら、プロシージングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシイズ・オフ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 81巻, 5330 (1984)] があげられる。培地のpHは約5~8に調整するのが好ましい。培養は通常約20℃~35℃で約24~72時間行ない、必要に応じて通気や撹拌を加える。

宿主が昆虫細胞または昆虫である形質転換体を培養する際、培地としては、Grace's Insect Medium (Grace, T. C. C., ネイチャー (Nature), 195, 788(1962)) に非動化した10%ウシ血清等の添加物を適宜加えたものなどが用いられる。培地のpHは約6.2~6.4に調整するのが好ましい。培養は通常約27℃で約3~5日間行ない、必要に応じて通気や撹拌を加

える。

5

10

宿主が動物細胞である形質転換体を培養する際、培地としては、例えば、約5~20%の胎児牛血清を含むMEM培地〔サイエンス(Science),122巻,501(1952)〕,DMEM培地〔ヴィロロジー(Virology),8巻,396(1959)〕,RPMI 1640培地〔ジャーナル・オブ・ザ・アメリカン・メディカル・アソシエーション(The Journal of the American Medical Association)199巻,519(1967)〕,199培地〔プロシージング・オブ・ザ・ソサイエティ・フォー・ザ・バイオロジカル・メディスン(Proceeding of the Society for the Biological Medicine),73巻,1(1950)〕などが用いられる。pHは約6~8であるのが好ましい。培養は通常約30~~40℃で約15~60時間行ない、必要に応じて通気や撹拌を加える。

以上のようにして、形質転換体の細胞膜などに本発明のポリペプチドを生成せしめることができる。

上記培養物から本発明のポリペプチドを分離精製するには、例えば、下記の方法により行なうことができる。

15 本発明のポリペプチドを培養菌体あるいは細胞から抽出するに際しては、培養後、公知の方法で菌体あるいは細胞を集め、これを適当な緩衝液に懸濁し、超音波、リゾチームおよび/または凍結融解などによって菌体あるいは細胞を破壊したのち、遠心分離やろ過によりポリペプチドの粗抽出液を得る方法などが適宜用いられる。緩衝液の中に尿素や塩酸グアニジンなどの蛋白質変性剤や、トリトンX-100TMなどの界面活性剤が含まれていてもよい。培養液中にポリペプチドが分泌される場合には、培養終了後、それ自体公知の方法で菌体あるいは細胞と上清とを分離し、上清を集める。

このようにして得られた培養上清、あるいは抽出液中に含まれるポリペプチドの精製は、 自体公知の分離・精製法を適宜組み合わせて行なうことができる。これらの公知の分離、精 製法としては、塩析や溶媒沈澱法などの溶解度を利用する方法、透析法、限外ろ過法、ゲル 25 ろ過法、およびSDS-ポリアクリルアミドゲル電気泳動法などの主として分子量の差を利 用する方法、イオン交換クロマトグラフィーなどの荷電の差を利用する方法、アフィニティ 一クロマトグラフィーなどの特異的親和性を利用する方法、逆相高速液体クロマトグラフィーなどの疎水性の差を利用する方法、等電点電気泳動法などの等電点の差を利用する方法などが用いられる。

かくして得られるポリペプチドが遊離体で得られた場合には、自体公知の方法あるいはそれに準じる方法によって塩に変換することができ、逆に塩で得られた場合には自体公知の方法あるいはそれに準じる方法により、遊離体または他の塩に変換することができる。

5

10

15

なお、組換え体が産生するポリペプチドを、精製前または精製後に適当な蛋白修飾酵素を作用させることにより、任意に修飾を加えたり、ポリペプチドを部分的に除去することもできる。蛋白修飾酵素としては、例えば、トリプシン、キモトリプシン、アルギニルエンドペプチダーゼ、プロテインキナーゼ、グリコシダーゼなどが用いられる。

かくして生成する本発明のポリペプチドまたはその塩の存在または活性は、標識したリガンドとの結合実験および特異抗体を用いたエンザイムイムノアッセイなどにより測定することができる。

本発明のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、その部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の受容体(以下、レセプター蛋白質と略記する場合がある)として具体的には、例えば、配列番号:37で表わされるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質などがあげられる。

本発明のレセプター蛋白質は、例えば、ヒトや哺乳動物(例えば、モルモット、ラット、マウス、ウサギ、ブタ、ヒツジ、ウシ、サルなど)のあらゆる細胞(例えば、脾細胞、神経細胞、グリア細胞、膵臓β細胞、骨髄細胞、メサンギウム細胞、ランゲルハンス細胞、表皮細胞、上皮細胞、内皮細胞、繊維芽細胞、繊維細胞、筋細胞、脂肪細胞、免疫細胞(例、マクロファージ、T細胞、B細胞、ナチュラルキラー細胞、肥満細胞、好中球、好塩基球、好酸球、単球)、巨核球、滑膜細胞、軟骨細胞、骨細胞、骨芽細胞、破骨細胞、乳腺細胞、肝25 細胞もしくは間質細胞、またはこれら細胞の前駆細胞、幹細胞もしくはガン細胞など)や血球系の細胞、またはそれらの細胞が存在するあらゆる組織、例えば、脳、脳の各部位(例、

嗅球、扁頭核、大脳基底球、海馬、視床、視床下部、視床下核、大脳皮質、延髄、小脳、後頭葉、前頭葉、側頭葉、被殼、尾状核、脳染、黒質)、脊髄、下垂体、胃、膵臓、腎臓、肝臓、生殖腺、甲状腺、胆のう、骨髄、副腎、皮膚、筋肉、肺、消化管(例、大腸、小腸)、血管、心臓、胸腺、脾臓、顎下腺、末梢血、末梢血球、前立腺、睾丸、精巣、卵巣、胎盤、子宮、骨、関節、骨格筋など(特に、脳や脳の各部位)に由来する蛋白質であってもよく、また合成蛋白質であってもよい。

配列番号:37で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列としては、例えば、配列番号:37で表わされるアミノ酸配列と約50%以上、好ましくは約70%以上、より好ましくは約80%以上、さらに好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有するアミノ酸配列などが挙げられる。

10

15

20

本発明の配列番号:37で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有する蛋白質としては、例えば、配列番号:37で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を有し、配列番号:37で表わされるアミノ酸配列と実質的に同質の活性を有する蛋白質などが好ましく、具体的には、配列番号:54で表されるアミノ酸配列を含有する蛋白質などがあげられる。

実質的に同質の活性としては、例えば、リガンド結合活性、シグナル情報伝達作用またはソマトスタチン分泌調節活性などが挙げられる。実質的に同質とは、それらの活性が性質的に同質であることを示す。したがって、リガンド結合活性、シグナル情報伝達作用またはソマトスタチン分泌調節活性などの活性が同等(例、約0.01~100倍、好ましくは約0.5~20倍、より好ましくは約0.5~2倍)であることが好ましいが、これらの活性の程度や蛋白質の分子量などの量的要素は異なっていてもよい。

リガンド結合活性、シグナル情報伝達作用またはソマトスタチン分泌調節活性などの活性 の測定は、自体公知の方法に準じて行なうことができるが、例えば、後述するリガンドの決 定方法やスクリーニング方法に従って測定することができる。

25 また、本発明のレセプター蛋白質としては、①配列番号:37または配列番号:54で表わされるアミノ酸配列中の1または2個以上(好ましくは、1~30個程度、より好ましく

は1~10個程度、さらに好ましくは数個(1または2個))のアミノ酸が欠失したアミノ酸配列、②配列番号:37または配列番号:54で表わされるアミノ酸配列に1または2個以上(好ましくは、1~30個程度、より好ましくは1~10個程度、さらに好ましくは数個(1または2個))のアミノ酸が付加したアミノ酸配列、③配列番号:37または配列番号:54で表わされるアミノ酸配列中の1または2個以上(好ましくは、1~30個程度、より好ましくは1~10個程度、さらに好ましくは数個(1または2個))のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されたアミノ酸配列、または④それらを組み合わせたアミノ酸配列を含有する蛋白質なども用いられる。

本明細書におけるレセプター蛋白質は、ペプチド標記の慣例に従って左端がN末端(アミノ末端)、右端がC末端(カルボキシル末端)である。配列番号:37で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質をはじめとする、本発明のレセプター蛋白質は、C末端が通常カルボキシル基(-COOH)またはカルボキシレート(-COO⁻)であるが、C末端がアミド(-CONH₂)またはエステル(-COOR)であってもよい。

10

15

ここでエステルにおけるRとしては、例えば、メチル、エチル、n-プロピル、イソプロピルもしくはn-プチルなどの C_{1-6} アルキル基、例えば、シクロペンチル、シクロヘキシルなどの C_{3-8} シクロアルキル基、例えば、フェニル、 $\alpha-$ ナフチルなどの C_{6-12} アリール基、例えば、ベンジル、フェネチルなどのフェニルー C_{1-2} アルキル基もしくは $\alpha-$ ナフチルメチルなどの $\alpha-$ ナフチルー C_{1-2} アルキル基などの C_{7-14} アラルキル基のほか、経口用エステルとして汎用されるピバロイルオキシメチル基などが用いられる。

20 本発明のレセプター蛋白質がC末端以外にカルボキシル基(またはカルボキシレート)を 有している場合、カルボキシル基がアミド化またはエステル化されているものも本発明のレ セプター蛋白質に含まれる。この場合のエステルとしては、例えば上記したC末端のエステ ルなどが用いられる。

さらに、本発明のレセプター蛋白質には、上記したポリペプチドにおいて、N末端のメチ オニン残基のアミノ基が保護基(例えば、ホルミル基、アセチルなどのC₂₋₆アルカノイル 基などのC₁₋₆アシル基など)で保護されているもの、N端側が生体内で切断され生成した

5

15

20

グルタミル基がピログルタミン酸化したもの、分子内のアミノ酸の側鎖上の置換基(例えば、-OH、-COOH、アミノ基、イミダゾール基、インドール基、グアニジノ基など)が適当な保護基(例えば、ホルミル基、アセチルなどの C_{2-6} アルカノイル基などの C_{1-6} アシル基など)で保護されているもの、あるいは糖鎖が結合したいわゆる糖蛋白質などの複合蛋白質なども含まれる。

本発明のレセプター蛋白質の具体例としては、例えば、配列番号:37で表わされるアミノ酸配列を含有するラット由来のレセプター蛋白質、配列番号:54で表されるヒト由来のレセプター蛋白質などが用いられる。

本発明のレセプター蛋白質の部分ペプチドとしては、前記した本発明のレセプター蛋白質 の部分ペプチドであれば何れのものであってもよいが、例えば、本発明のレセプター蛋白質 分子のうち、細胞膜の外に露出している部位であって、レセプター結合活性を有するものなどが用いられる。

具体的には、配列番号:37または配列番号:54で表わされるアミノ酸配列を有するレセプター蛋白質の部分ペプチドとしては、疎水性プロット解析において細胞外領域(親水性(Hydrophilic)部位)であると分析された部分を含むペプチドである。また、疎水性(Hydrophobic)部位を一部に含むペプチドも同様に用いることができる。個々のドメインを個別に含むペプチドも用い得るが、複数のドメインを同時に含む部分のペプチドでも良い。

本発明のレセプター蛋白質の部分ペプチドのアミノ酸の数は、前記した本発明のレセプター蛋白質の構成アミノ酸配列のうち少なくとも20個以上、好ましくは50個以上、より好ましくは100個以上のアミノ酸配列を有するペプチドなどが好ましい。

実質的に同一のアミノ酸配列とは、これらアミノ酸配列と約50%以上、好ましくは約70%以上、より好ましくは約80%以上、さらに好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有するアミノ酸配列を示す。

ここで、「実質的に同質の活性」とは、前記と同意義を示す。「実質的に同質の活性」の 25 測定は前記と同様に行なうことができる。

また、本発明のレセプター蛋白質の部分ペプチドは、上記アミノ酸配列中の1または2個

以上(好ましくは、 $1\sim10$ 個程度、さらに好ましくは数個(1または2個))のアミノ酸が欠失し、または、そのアミノ酸配列に1または2個以上(好ましくは、 $1\sim20$ 個程度、より好ましくは $1\sim10$ 個程度、さらに好ましくは数個(1または2個))のアミノ酸が付加し、または、そのアミノ酸配列中の1または2個以上(好ましくは、 $1\sim10$ 0個程度、より好ましくは数個(1または20)、)のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されていてもよい

5

10

15

20

25

また、本発明のレセプター蛋白質の部分ペプチドはC未端が通常カルボキシル基(-COOOH)またはカルボキシレート(-COOOT)であるが、前記した本発明のポリペプチドのごとく、C未端がアミド($-CONH_2$)またはエステル(-COOR)(Rは上記と同意義を示す)であってもよい。

さらに、本発明のレセプター蛋白質の部分ペプチドには、前記した本発明のレセプター蛋白質と同様に、N末端のメチオニン残基のアミノ基が保護基で保護されているもの、N端側が生体内で切断され生成した Gln がピログルタミン酸化したもの、分子内のアミノ酸の側鎖上の置換基が適当な保護基で保護されているもの、あるいは糖鎖が結合したいわゆる糖ペプチドなどの複合ペプチドなども含まれる。

本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの塩としては、とりわけ生理学的に許容される酸付加塩が好ましい。この様な塩としては、例えば無機酸(例えば、塩酸、リン酸、臭化水素酸、硫酸)との塩、あるいは有機酸(例えば、酢酸、ギ酸、プロピオン酸、フマル酸、マレイン酸、コハク酸、酒石酸、クエン酸、リンゴ酸、蓚酸、安息香酸、メタンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸)との塩などが用いられる。

本発明のレセプター蛋白質またはその塩は、前述したヒトや哺乳動物の細胞または組織から自体公知のレセプター蛋白質の精製方法によって製造することもできるし、後述する本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAを含有する形質転換体(宿主は前述の本発明のポリペプチドをコードするDNAを含有する形質転換体の宿主と同様のものなどが用いられる。)を前述の本発明のポリペプチドをコードするDNAを含有する形質転換体の作製方法に準じて作製し、前述の本発明のポリペプチドをコードするDNAを含有する形質転換体の培

養方法に準じて培養することによっても製造することができる。また、前述のポリペプチド 合成法またはこれに準じて製造することもできる。

ヒトや哺乳動物の組織または細胞から製造する場合、ヒトや哺乳動物の組織または細胞を ホモジナイズした後、酸などで抽出を行ない、該抽出液を逆相クロマトグラフィー、イオン 交換クロマトグラフィーなどのクロマトグラフィーを組み合わせることにより精製単離する ことができる。

5

15

本発明のレセプター蛋白質の部分ペプチドまたはその塩は、前述の自体公知のペプチドの 合成法に従って、あるいは本発明のレセプター蛋白質を適当なペプチダーゼで切断すること によって製造することができる。

10 本発明のレセプター蛋白質またはその塩、その部分ペプチドもしくはそのアミドもしくは そのエステルまたはその塩の合成は上述の本発明のポリペプチドもしくはそのアミドもしく はそのエステルまたはその塩における合成方法と同様の方法により合成することができる。

本発明のレセプター蛋白質をコードするポリヌクレオチドとしては、本発明のレセプター蛋白質をコードする塩基配列(DNAまたはRNA、好ましくはDNA)を含有するものであればいかなるものであってもよい。該ポリヌクレオチドとしては、本発明のレセプター蛋白質をコードするDNA、mRNA等のRNAであり、二本鎖であっても、一本鎖であってもよい。二本鎖の場合は、二本鎖DNA、二本鎖RNAまたはDNA:RNAのハイブリッドでもよい。一本鎖の場合は、センス鎖(即ち、コード鎖)であっても、アンチセンス鎖(即ち、非コード鎖)であってもよい。

20 本発明のレセプター蛋白質をコードするポリヌクレオチドを用いて、例えば、公知の実験 医学増刊「新PCRとその応用」15(7)、1997 記載の方法またはそれに準じた方法により、 本発明のレセプター蛋白質のmRNAを定量することができる。

本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAとしては、ゲノムDNA、ゲノムDNAライプラリー、前記した細胞・組織由来のcDNA、前記した細胞・組織由来のcDNAライプラリー、合成DNAのいずれでもよい。ライブラリーに使用するベクターは、バクテリオファージ、プラスミド、コスミド、ファージミドなどいずれであってもよい。また、前記し

た細胞・組織より total RNAまたはmRNA画分を調製したものを用いて直接 Reverse Transcriptase Polymerase Chain Reaction (以下、RT-PCR法と略称する) によって増幅することもできる。

具体的には、本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAとしては、例えば、配列番号:38、配列番号:55または配列番号:56で表わされる塩基配列を含有するDNA、または配列番号:38、配列番号:55または配列番号:56で表わされる塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有し、本発明のレセプター蛋白質と実質的に同質の活性(例、リガンド結合活性、シグナル情報伝達作用またはソマトスタチン分泌調節活性など)を有するレセプター蛋白質をコードするDNAであれば何れのものでもよい。

5

10

15

20

配列番号:38、配列番号:55または配列番号:56で表わされる塩基配列とハイブリダイズできるDNAとしては、例えば、配列番号:38、配列番号:55または配列番号:56で表わされる塩基配列と約70%以上、好ましくは約80%以上、より好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有する塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。

ハイブリダイゼーションは、自体公知の方法あるいはそれに準じる方法、例えば、モレキュラー・クローニング (Molecular Cloning) 2 nd (J. Sambrook et al., Cold Spring Harbor Lab. Press, 1989) に記載の方法などに従って行なうことができる。また、市販のライブラリーを使用する場合、添付の使用説明書に記載の方法に従って行なうことができる。より好ましくは、ハイストリンジェントな条件に従って行なうことができる。

該ハイストリンジェントな条件とは、例えば、ナトリウム濃度が約 $19\sim40\,\mathrm{mM}$ 、好ましくは約 $19\sim20\,\mathrm{mM}$ で、温度が約 $50\sim70\,\mathrm{C}$ 、好ましくは約 $60\sim65\,\mathrm{C}$ の条件を示す。特に、ナトリウム濃度が約 $19\,\mathrm{mM}$ で温度が約 $65\,\mathrm{C}$ の場合が最も好ましい。

配列番号:38、配列番号:55または配列番号:56で表わされる塩基配列とハイブリ ダイズできるDNAでコードされるポリペプチドは上述の本発明のポリペプチドの製造法と 同様にして製造することができ、該ポリペプチドのアミド、エステル、塩は上述の本発明の ポリペプチドのアミド、エステル、塩と同様のものなどがあげられる。

より具体的には、配列番号:37で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質をコードするDNAとしては、配列番号:38で表わされる塩基配列を有するDNAなどが用いられ、配列番号:54で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質をコードするDNAとしては、配列番号:55または配列番号:56で表わされる塩基配列を有するDNAなどが用いられる。

本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAの塩基配列の一部、または該DNAと相補的な塩基配列の一部を含有してなるポリヌクレオチドとは、下記の本発明の部分ペプチドをコードするDNAを包含するだけではなく、RNAをも包含する意味で用いられる。

本発明に従えば、G蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝子の複製又は発現を阻害すること 10 のできるアンチセンス・ポリヌクレオチド(核酸)を、クローン化したあるいは決定された G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするDNAの塩基配列情報に基づき設計し、合成 しうる。そうしたポリヌクレオチド(核酸)は、G蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝子の RNAとハイブリダイズすることができ、該RNAの合成又は機能を阻害することができる か、あるいはG蛋白質共役型レセプター蛋白質関連RNAとの相互作用を介してG蛋白質共 15 役型レセプター蛋白質遺伝子の発現を調節・制御することができる。G蛋白質共役型レセプ ター蛋白質関連RNAの選択された配列に相補的なポリヌクレオチド、及びG蛋白質共役型 レセプター蛋白質関連RNAと特異的にハイブリダイズすることができるポリヌクレオチド は、生体内及び生体外でG蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝子の発現を調節・制御するの 20 に有用であり、また後述の疾患などの治療又は診断に有用である。用語「対応する」とは、 遺伝子を含めたヌクレオチド、塩基配列又は核酸の特定の配列に相同性を有するあるいは相 補的であることを意味する。ヌクレオチド、塩基配列又は核酸とペプチド(蛋白質)との間 で「対応する」とは、ヌクレオチド(核酸)の配列又はその相補体から誘導される指令にあ るペプチド(蛋白質)のアミノ酸を通常指している。G蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝 子の5、端へアピンループ、5、端6-ベースペア・リピート、5、端非翻訳領域、ポリペ 25 プチド翻訳開始コドン、蛋白質コード領域、〇RF翻訳開始コドン、3 端非翻訳領域、3

が、G蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝子内の如何なる領域も対象として選択しうる。

本発明のレセプター蛋白質の部分ペプチドをコードするDNAとしては、前述した本発明の部分ペプチドをコードする塩基配列を含有するものであればいかなるものであってもよい。また、ゲノムDNA、ゲノムDNAライブラリー、前記した細胞・組織由来のcDNA、前記した細胞・組織由来のcDNAライブラリー、合成DNAのいずれでもよい。ライブラリーに使用するベクターは、バクテリオファージ、プラスミド、コスミド、ファージミドなどいずれであってもよい。また、前記した細胞・組織よりmRNA画分を調製したものを用いて直接 Reverse Transcriptase Polymerase Chain Reaction (以下、RT-PCR法と略称する) によって増幅することもできる。

5

10

15

20

具体的には、本発明の部分ペプチドをコードするDNAとしては、例えば、(1)配列番号:38、配列番号:55または配列番号:56で表わされる塩基配列を有するDNAの部分塩基配列を有するDNA、または(2)配列番号:38、配列番号:55または配列番号:56で表わされる塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有し、本発明のレセプター蛋白質と実質的に同質の活性(例、リガンド結合活性、シグナル情報伝達作用またはソマトスタチン分泌調節活性など)を有するレセプター蛋白質をコードするDNAの部分塩基配列を有するDNAなどが用いられる。

本発明のポリペプチド、部分ペプチドまたはそれらのエステルもしくはそれらのアミドまたはそれらの塩に対する抗体または本発明のレセプター蛋白質もしくはその塩、またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルに対する抗体は、本発明のポリペプチド、部分ペプチドまたはそれらのエステルもしくはそれらのアミドまたはそれらの塩または本発明のレセプター蛋白質もしくはその塩、またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのアミドもしくはそのエステルに対する抗体を認識し得る抗体であれば、ポリクローナル抗体、モノクローナル抗体の何れであってもよい。

25 本発明のポリペプチド、部分ペプチドまたはそれらのエステルもしくはそれらのアミドま たはそれらの塩に対する抗体または本発明のレセプター蛋白質もしくはその塩、またはその 部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルに対する抗体(以下、抗体の説明に おいては、これらを単に本発明のレセプター蛋白質と略記する場合がある)は、本発明のポ リペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質を抗原として用い、自体公知の抗体または抗血 清の製造法に従って製造することができる。

5 〔モノクローナル抗体の作製〕

10

15

20

(a)モノクロナール抗体産生細胞の作製

本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質は、温血動物に対して投与により 抗体産生が可能な部位にそれ自体あるいは担体、希釈剤とともに投与される。投与に際して 抗体産生能を高めるため、完全フロイントアジュバントや不完全フロイントアジュバントを 投与してもよい。投与は通常2~6週毎に1回ずつ、計2~10回程度行われる。用いられ る温血動物としては、例えば、サル、ウサギ、イヌ、モルモット、マウス、ラット、ヒツジ 、ヤギ、ニワトリがあげられるが、マウスおよびラットが好ましく用いられる。

モノクローナル抗体産生細胞の作製に際しては、抗原で免疫された温血動物、例えばマウスから抗体価の認められた個体を選択し最終免疫の2~5日後に脾臓またはリンパ節を採取し、それらに含まれる抗体産生細胞を同種または異種動物の骨髄腫細胞と融合させることにより、モノクローナル抗体産生ハイブリドーマを調製することができる。抗血清中の抗体価の測定は、例えば、後記の標識化ポリペプチドと抗血清とを反応させたのち、抗体に結合した標識剤の活性を測定することにより行なうことができる。融合操作は既知の方法、例えば、ケーラーとミルスタインの方法〔ネイチャー(Nature)、256、495(1975)〕に従い実施することができる。融合促進剤としては、例えば、ポリエチレングリコール(PEG)やセンダイウィルスなどがあげられるが、好ましくはPEGが用いられる。

骨髄腫細胞としては、例えば、NS-1、P3U1、SP2/0、AP-1などの温血動物の骨髄腫細胞があげられるが、P3U1が好ましく用いられる。用いられる抗体産生細胞(脾臓細胞)数と骨髄腫細胞数との好ましい比率は1:1~20:1程度であり、PEG(5ましくはPEG1000~PEG6000)が10~80%程度の濃度で添加され、20~40℃、好ましくは30~37℃で1~10分間インキュベートすることにより効率よく

細胞融合を実施できる。

5

25

モノクローナル抗体産生ハイブリドーマのスクリーニングには種々の方法が使用できるが、例えば、ポリペプチド(蛋白質)抗原を直接あるいは担体とともに吸着させた固相(例、マイクロプレート)にハイブリドーマ培養上清を添加し、次に放射性物質や酵素などで標識した抗免疫グロブリン抗体(細胞融合に用いられる細胞がマウスの場合、抗マウス免疫グロブリン抗体が用いられる)またはプロテインAを加え、固相に結合したモノクローナル抗体を検出する方法、抗免疫グロブリン抗体またはプロテインAを吸着させた固相にハイブリドーマ培養上清を添加し、放射性物質や酵素などで標識したポリペプチドを加え、固相に結合したモノクローナル抗体を検出する方法などがあげられる。

10 モノクローナル抗体の選別は、自体公知あるいはそれに準じる方法に従って行なうことができる。通常HAT (ヒポキサンチン、アミノブテリン、チミジン)を添加した動物細胞用培地で行なうことができる。選別および育種用培地としては、ハイブリドーマが生育できるものならばどのような培地を用いても良い。例えば、1~20%、好ましくは10~20%の牛胎児血清を含むRPMI 1640培地、1~10%の牛胎児血清を含むGIT培地(和光純薬工業(株))あるいはハイブリドーマ培養用無血清培地(SFM-101、日水製薬(株))などを用いることができる。培養温度は、通常20~40℃、好ましくは約37℃である。培養時間は、通常5日~3週間、好ましくは1週間~2週間である。培養は、通常5%炭酸ガス下で行なうことができる。ハイブリドーマ培養上清の抗体価は、上記の抗血清中の抗体価の測定と同様にして測定できる。

20 (b) モノクロナール抗体の精製

モノクローナル抗体の分離精製は、自体公知の方法、例えば、免疫グロブリンの分離精製法 〔例、塩析法、アルコール沈殿法、等電点沈殿法、電気泳動法、イオン交換体(例、DE AE)による吸脱着法、超遠心法、ゲルろ過法、抗原結合固相あるいはプロテインAあるいはプロテインGなどの活性吸着剤により抗体のみを採取し、結合を解離させて抗体を得る特異的精製法〕に従って行なうことができる。

〔ポリクローナル抗体の作製〕

本発明のポリクローナル抗体は、それ自体公知あるいはそれに準じる方法に従って製造することができる。例えば、免疫抗原(ポリペプチド抗原)自体、あるいはそれとキャリアー蛋白質との複合体をつくり、上記のモノクローナル抗体の製造法と同様に温血動物に免疫を行ない、該免疫動物から本発明のポリペプチドに対する抗体含有物を採取して、抗体の分離精製を行なうことにより製造することができる。

温血動物を免疫するために用いられる免疫抗原とキャリア一蛋白質との複合体に関し、キャリア一蛋白質の種類およびキャリアーとハプテンとの混合比は、キャリアーに架橋させて免疫したハプテンに対して抗体が効率良くできれば、どの様なものをどの様な比率で架橋させてもよいが、例えば、ウシ血清アルブミンやウシサイログロブリン、ヘモシアニン等を重量比でハプテン1に対し、約0.1~20、好ましくは約1~5の割合でカプルさせる方法が用いられる。

10

また、ハプテンとキャリアーのカプリングには、種々の縮合剤を用いることができるが、 グルタルアルデヒドやカルボジイミド、マレイミド活性エステル、チオール基、ジチオビリ ジル基を含有する活性エステル試薬等が用いられる。

15 縮合生成物は、温血動物に対して、抗体産生が可能な部位にそれ自体あるいは担体、希釈 剤とともに投与される。投与に際して抗体産生能を高めるため、完全フロイントアジュバン トや不完全フロイントアジュバントを投与してもよい。投与は、通常約2~6週毎に1回ず つ、計約3~10回程度行なわれる。

ポリクローナル抗体は、上記の方法で免疫された温血動物の血液、腹水など、好ましくは 20 血液から採取することができる。

抗血清中のポリクローナル抗体価の測定は、上記の抗血清中の抗体価の測定と同様にして 測定できる。ポリクローナル抗体の分離精製は、上記のモノクローナル抗体の分離精製と同 様の免疫グロブリンの分離精製法に従って行なうことができる。

本発明のポリペプチドまたはその部分ペプチドをコードするDNAまたは本発明のレセプ 25 夕一蛋白質またはその部分ペプチドをコードするDNAに相補的な、または実質的に相補的 な塩基配列を有するアンチセンスDNA(以下、アンチセンスDNAの説明においては、こ

れらのDNAを本発明のDNAと略記する)としては、本発明のDNAに相補的な、または 実質的に相補的な塩基配列を有し、該DNAの発現を抑制し得る作用を有するものであれば 、いずれのアンチセンスDNAであってもよい。

本発明のDNAに実質的に相補的な塩基配列とは、例えば、本発明のDNAに相補的な塩基配列(すなわち、本発明のDNAの相補鎖)の全塩基配列あるいは部分塩基配列と約70%以上、好ましくは約80%以上、より好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有する塩基配列などがあげられる。特に、本発明のDNAの相補鎖の全塩基配列うち、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質のN末端部位をコードする部分の塩基配列(例えば、開始コドン付近の塩基配列など)の相補鎖と約70%以上、好ましくは約80%以上、より好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有するアンチセンスDNAが好適である。これらのアンチセンスDNAは、公知のDNA合成装置などを用いて製造することができる。

5

10

15

20

25

以下に、①本発明のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステル、またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはそれらの塩(以下、本発明のポリペプチドと略記する場合がある)、②本発明のレセプター蛋白質またはその塩、またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩(以下、本発明のレセプター蛋白質と略記する場合がある)、③本発明のポリペプチドもしくはその部分ペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドをコードするDNA(以下、本発明のDNAと略記する場合がある)、本発明のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステル、またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、または本発明のレセプター蛋白質もしくはその塩またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはそのアミドもしくはそのエステルに対する抗体(以下、本発明の抗体と略記する場合がある)、およびアンチセンスDNAの用途を説明する。

(1) 本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質が関与する各種疾病の治療・予防剤

本発明のポリペプチドは本発明のレセプター蛋白質の細胞刺激活性などを有しているので

、本発明のポリペプチドをコードするDNAに異常があったり、欠損している場合、または 本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAに異常があったり、欠損している場合、例え ば、高血圧、自己免疫疾患、心不全、白内障、緑内障、急性バクテリア髄膜炎、急性心筋梗 塞,急性膵炎,急性ウイルス脳炎,成人呼吸促迫症候群,アルコール性肝炎,アルツハイマ 5 一病、喘息、動脈硬化、アトピー性皮膚炎、バクテリア肺炎、膀胱がん、骨折、乳がん、渦 食症,多食症,火傷治癒,子宮頸部がん,慢性リンパ性白血病,慢性骨髄性白血病,慢性膵 炎,肝硬変,大腸がん(結腸/直腸がん),クローン病,痴呆,糖尿病性合併症,糖尿病性 腎症、糖尿病性神経障害、糖尿病性網膜症、胃炎、ヘリコバクター・ピロリ感染症、肝不全 , A型肝炎、B型肝炎、C型肝炎、肝炎、単純ヘルペスウイルス感染症、水痘帯状疱疹ウイ ルス感染症、ホジキン病、エイズ感染症、ヒトパピローマウイルス感染症、高カルシウム血 10 症、高コレステロール血症、高グリセリド血症、高脂血症、感染症、インフルエンザ感染症 ,インシュリン依存性糖尿病 (I型),侵襲性ブドウ状球菌感染症,悪性黒色腫,がん転移 ,多発性骨髄腫,アレルギー性鼻炎,腎炎,非ホジキン性リンパ腫,インシュリン非依存性 糖尿病(II型),非小細胞肺がん,臓器移植,骨関節炎,骨軟化症,骨減少症、骨粗鬆症、 15 卵巣がん,骨ペーチェット病,消化性潰瘍,末梢血管疾患,前立腺がん,逆流性食道炎,腎 不全、リウマチ関節炎、精神分裂症、敗血症、敗血症ショック、重症全身性真菌感染症、小 細胞肺がん、脊髄損傷、胃がん、全身性エリテマトーサス、一過性脳虚血発作、結核、心弁 膜症、血管性/多発梗塞痴呆、創傷治癒、不眠症、関節炎、下垂体ホルモン分泌不全、瀕尿 、尿毒症、または神経変成疾患等の種々の疾病が発症する可能性が高い。 従って、本発明 20 のポリペプチド、本発明のレセプター蛋白質および本発明のDNAは、例えば、上記の種々 の疾病の治療・予防剤などの医薬として使用することができる。

また、本発明のポリペプチド、本発明のレセプター蛋白質および本発明のDNAはMACULAR EDEMA CYSTOID (嚢胞状黄斑浮腫) の疾病の治療・予防剤などの医薬として使用することができる。

25 さらに、本発明のポリペプチド、本発明のレセプター蛋白質および本発明のDNAはソマトスタチンの分泌制御(分泌調節ともいう。以下同じ。)に関与しているため、例えば、(

1) 先端巨大症、TSH産生腫瘍、非分泌性(非機能性)下垂体腫瘍、異所性ACTH(ア ドレノコルチコトロピン) 産生腫瘍、髄様甲状腺癌、VIP産生腫瘍、グルカゴン産生腫瘍 、ガストリン産生腫瘍、インスリノーマ、カルチノイドなどの腫瘍の治療薬、(2)インス リン依存性または非依存性糖尿病、あるいはこれら糖尿病に関連した種々の疾患、すなわち 糖尿病合併症(例、糖尿病性網膜症、糖尿病性腎症、糖尿病性神経障害、ドーン症候群、起 立性低血圧症など)の治療薬、(3)高インスリン血症の改善または食欲の抑制などによる 肥満、過食症などの治療薬、(4)急性膵炎、慢性膵炎、膵臓・腸フィステル、出血性潰瘍 、消化性潰瘍、胃炎、胃酸過多症、逆流性食道炎などの治療薬、(5)へリコバクター・ピ ロリ菌感染に伴う様々な症状の改善剤(例、ガストリン分泌昂進の抑制剤など)、(6)内 視鏡胆道膵管造影に伴うアミラーゼの分泌抑制剤、さらには膵臓外科手術の予後治療薬、(7) 小腸の吸収能低下、分泌昂進または消化管の運動能異常に起因する下痢(例、Shor bowe l 症候群など)、癌化学療法などの薬物に起因する下痢、先天性小腸萎縮に起 因する下痢、VIP産生腫瘍などの神経内分泌腫瘍に起因する下痢、AIDSに起因する下 痢、骨髄移植などに伴う対宿主移植片反応に起因する下痢、糖尿病に起因する下痢、腹腔神 経叢遮断に起因する下痢、全身性硬化症に起因する下痢、好酸球増加症に起因する下痢など の治療薬、(8)ダンピング症候群、過敏性大腸炎、クローン病、炎症性腸疾患などの治療 薬、(9)腫瘍または癌(例、甲状腺癌、大腸癌、乳癌、前立腺癌、小細胞肺癌、非小細胞 肺癌、膵臓癌、胃癌、胆管癌、肝臓癌、膀胱癌、卵巣癌、メラノーマ、骨肉腫、軟骨肉腫、 悪性褐色細胞腫、神経芽細胞腫、脳腫瘍、胸腺腫、腎臓癌など)、白血病(例、好塩基性白 血球の白血病・慢性リンパ性白血病、慢性骨髄性白血病、ホジキン病、非ホジキン性リンパ 腫など)などの治療薬;該治療薬は、単独または他の制癌剤(例、タモキシフエン、LHR Hアゴニスト、LHRHアンタゴニスト、インターフェロン $-\alpha$ 、 β および γ 、インターロ イキン-2など)と併用して用いることができる、(10)肥大性心筋症、動脈硬化症、心 弁膜症、心筋梗塞(特に、経皮経管冠動脈形成術後の心解梗塞)、再血管形成の予防・治療 薬、(11)食道静脈癌出血、肝硬変、末梢血管疾患の治療薬、(12)免疫系に作用する 生理活性物質(例、サブスタンスP、タヒキニン、サイトカインなど)の分泌の調節作用に

5

10

15

20

25

基づき、例えば、全身性または局所性の炎症に伴う疾患(例、多発性動脈炎、リュウマチ性関節炎、乾せん、日焼け、湿疹、アレルギー(例、喘息、アトピー性皮膚炎、アレルギー性鼻炎など)など)の治療薬、(13)神経調節因子の産生・分泌に影響を及ぼすことから、例えば、痴呆症(例、アルツハイマー病、アルツハイマー型老年期痴呆、血管性・多発性痴呆など)、精神分裂症、てんかん、うつ病、一般不安障害、睡眠障害、多発性硬化症などの治療薬、(14)眼疾患(例、緑内障など)などの治療薬、(15)急性バクテリア髄膜炎、急性ウイルス脳炎、成人呼吸促迫症候群、バクテリア肺炎、重症全身性真菌感染症、結核、脊髄損傷、骨折、肝不全、肺炎、アルコール性肝炎、A型肝炎、B型肝炎、C型肝炎、AIDS感染症、ヒトパピローマウイルス感染症、インフルエンザ感染症、癌転移、多発性骨髄腫、骨軟化症、骨粗しょう症、骨ベーチェット症、腎炎、腎不全、敗血症、敗血症ショック、高カルシウム血症、高コレステロール血症、高グリセリド血症、高脂血症、全身性エリテマトーサス、一過性脳虚血発作、アルコール性肝炎などの予防・治療薬として有用であり、(16)臓器移植、火傷、創傷、脱毛症などの治癒などにも用いられ、(17)慢性あるいは急性疼痛(例、術後疼痛、炎症性疼痛、歯痛、骨疾患(例、関節炎、リウマチ、骨粗鬆症など))にともなう疼痛)の抑制・緩和など、鏡痛剤としても有用である。

5

10

15

本発明のDNAは、例えば、生体内において本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質が減少あるいは欠損している患者がいる場合に、(イ)本発明のDNAを該患者に投与し、生体内で本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質を発現させることによって、(ロ)細胞に本発明のDNAを挿入し、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質を発現させた後に、該細胞を患者に移植することによって、または(ハ)本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質を該患者に投与することなどによって、該患者における本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の役割を十分に、あるいは正常に発揮させることができる。

本発明のDNAを上記の治療・予防剤として使用する場合は、該DNAを単独あるいはレ 25 トロウイルスベクター、アデノウイルスベクター、アデノウイルスアソシエーテッドウイル スペクターなどの適当なベクターに挿入した後、常套手段に従って、ヒトまたは温血動物に 投与することができる。本発明のDNAは、そのままで、あるいは摂取促進のための補助剤などの生理学的に認められる担体とともに製剤化し、遺伝子銃やハイドロゲルカテーテルのようなカテーテルによって投与できる。

本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質を上記の治療・予防剤として使用する場合は、少なくとも90%、好ましくは95%以上、より好ましくは98%以上、さらに好ましくは99%以上に精製されたものを使用するのが好ましい。

5

10

本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質は、例えば、必要に応じて糖衣を施した錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤などとして経口的に、あるいは水もしくはそれ以外の薬学的に許容し得る液との無菌性溶液、または懸濁液剤などの注射剤の形で非経口的に使用できる。例えば、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質を生理学的に認められる担体、香味剤、賦形剤、ベヒクル、防腐剤、安定剤、結合剤などとともに一般に認められた製剤実施に要求される単位用量形態で混和することによって製造することができる。これら製剤における有効成分量は指示された範囲の適当な容量が得られるようにするものである。

錠剤、カプセル剤などに混和することができる添加剤としては、例えば、ゼラチン、コーンスターチ、トラガント、アラビアゴムのような結合剤、結晶性セルロースのような賦形剤、コーンスターチ、ゼラチン、アルギン酸などのような膨化剤、ステアリン酸マグネシウムのような潤滑剤、ショ糖、乳糖またはサッカリンのような甘味剤、ペパーミント、アカモノ油またはチェリーのような香味剤などが用いられる。調剤単位形態がカプセルである場合には、前記タイプの材料にさらに油脂のような液状担体を含有することができる。注射のための無菌組成物は注射用水のようなベヒクル中の活性物質、胡麻油、椰子油などのような天然産出植物油などを溶解または懸濁させるなどの通常の製剤実施に従って処方することができる。

注射用の水性液としては、例えば、生理食塩水、ブドウ糖やその他の補助薬を含む等張液 (例えば、D-ソルビトール、D-マンニトール、塩化ナトリウムなど) などがあげられ、 適当な溶解補助剤、例えば、アルコール (例えば、エタノールなど) 、ポリアルコール (例

えば、プロピレングリコール、ポリエチレングリコールなど)、非イオン性界面活性剤(例えば、ポリソルベート80 M、HCO-50など)などと併用してもよい。油性液としては、例えば、ゴマ油、大豆油などがあげられ、溶解補助剤として安息香酸ベンジル、ベンジルアルコールなどと併用してもよい。また、緩衝剤(例えば、リン酸塩緩衝液、酢酸ナトリウム緩衝液など)、無痛化剤(例えば、塩化ベンザルコニウム、塩酸プロカインなど)、安定剤(例えば、ヒト血清アルブミン、ポリエチレングリコールなど)、保存剤(例えば、ベンジルアルコール、フェノールなど)、酸化防止剤などと配合してもよい。調製された注射液は、通常、適当なアンプルに充填される。

5

本発明のDNAが挿入されたベクターも上記と同様に製剤化され、通常、非経口的に使用 10 される。

このようにして得られる製剤は、安全で低毒性であるので、例えば、ヒトまたは温血動物 (例えば、ラット、マウス、モルモット、ウサギ、トリ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ウマ、ネコ 、イヌ、サル、など) に対して投与することができる。

本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の投与量は、対象疾患、投与対象 、投与ルートなどにより差異はあるが、例えば、神経疾患の治療目的で本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質を経口投与する場合、一般的に成人(60kgとして)においては、一日につき該ポリペプチドまたは蛋白質を約0.1mg~100mg、好ましくは約1.0~50mg、より好ましくは約1.0~20mg投与する。非経口的に投与する場合は、該ポリペプチドまたは蛋白質の1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、神経疾患の治療目的で本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質を注射剤の形で成人(体重60kgとして)に投与する場合、一日につき該ポリペプチド等を約0.01~30mg程度、好ましくは約0.1~20mg程度、より好ましくは約0.1~10mg程度を患部に注射することにより投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

25 (2)疾病に対する医薬候補化合物のスクリーニング 本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質に対する細胞刺激活性などを有す

るため、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の機能(例、細胞刺激活性 など)を促進または阻害する化合物またはその塩(本発明のポリペプチドと本発明のレセプ ター蛋白質との結合性を変化させる化合物またはその塩ともいう。以下同じ。)は、例えば 、高血圧、自己免疫疾患、心不全、白内障、緑内障、急性バクテリア髄膜炎、急性心筋梗塞 5 ,急性膵炎,急性ウイルス脳炎,成人呼吸促迫症候群、アルコール性肝炎、アルツハイマー 病,喘息,動脈硬化,アトピー性皮膚炎,バクテリア肺炎,膀胱がん,骨折,乳がん、過食 症,多食症,火傷治癒,子宮頸部がん,慢性リンパ性白血病,慢性骨髄性白血病,慢性膵炎 ,肝硬変,大腸がん(結腸/直腸がん),クローン病、痴呆、糖尿病性合併症、糖尿病性腎 症,糖尿病性神経障害,糖尿病性網膜症,胃炎,ヘリコバクター・ピロリ感染症,肝不全, A型肝炎、B型肝炎、C型肝炎、肝炎、単純ヘルペスウイルス感染症、水痘帯状疱疹ウイル 10 ス感染症、ホジキン病、エイズ感染症、ヒトパピローマウイルス感染症、高カルシウム血症 ,高コレステロール血症,高グリセリド血症,高脂血症,感染症,インフルエンザ感染症, インシュリン依存性糖尿病(I型),侵襲性ブドウ状球菌感染症,悪性黒色腫,がん転移。 多発性骨髄腫,アレルギー性鼻炎,腎炎,非ホジキン性リンパ腫、インシュリン非依存性糖 尿病(II型)、非小細胞肺がん、臓器移植、骨関節炎、骨軟化症、骨減少症、骨粗鬆症、卵 15 巣がん,骨ペーチェット病,消化性潰瘍,末梢血管疾患,前立腺がん,逆流性食道炎,腎不 全,リウマチ関節炎,精神分裂症,敗血症,敗血症ショック,重症全身性真菌感染症,小細 胞肺がん、脊髄損傷、胃がん、全身性エリテマトーサス、一過性脳虚血発作、結核、心弁膜 症,血管性/多発梗塞痴呆,創傷治癒,不眠症,関節炎、下垂体ホルモン分泌不全、瀕尿、 20 尿毒症、または神経変成疾患等の疾病の治療・予防剤などの医薬として使用できる。

また、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の機能(例、細胞刺激活性など)を促進または阻害する化合物またはその塩(好ましくは、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の機能(例、細胞刺激活性など)を阻害する化合物またはその塩)は MACULAR EDEMA CYSTOID (嚢胞状黄斑浮腫)の疾病の治療・予防剤などの医薬として使用することができる。

25

さらに、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質はソマトスタチンの分泌

制御に関与しているため、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の機能(例、細胞刺激活性など)を促進または阻害する化合物またはその塩は、例えば、(1) 先端 巨大症、TSH産生腫瘍、非分泌性(非機能性)下垂体腫瘍、異所性ACTH(アドレノコ ルチコトロピン)産生腫瘍、髄様甲状腺癌、VIP産生腫瘍、グルカゴン産生腫瘍、ガスト リン産生腫瘍、インスリノーマ、カルチノイドなどの腫瘍の治療薬、(2)インスリン依存 5 性または非依存性糖尿病、あるいはこれら糖尿病に関連した種々の疾患、すなわち糖尿病合 併症(例、糖尿病性網膜症、糖尿病性腎症、糖尿病性神経障害、ドーン症候群、起立性低血 圧症など)の治療薬、(3)高インスリン血症の改善または食欲の抑制などによる肥満、過 食症などの治療薬、(4)急性膵炎、慢性膵炎、膵臓・腸フィステル、出血性潰瘍、消化性 潰瘍、胃炎、胃酸過多症、逆流性食道炎などの治療薬、(5) ヘリコバクター・ピロリ菌感 10 染に伴う様々な症状の改善剤(例、ガストリン分泌昂進の抑制剤など)、(6)内視鏡胆道 膵管造影に伴うアミラーゼの分泌抑制剤、さらには膵臓外科手術の予後治療薬、 (7) 小腸 の吸収能低下、分泌昂進または消化管の運動能異常に起因する下痢(例、Short bo wel症候群など)、癌化学療法などの薬物に起因する下痢、先天性小腸萎縮に起因する下 15 痢、VIP産生腫瘍などの神経内分泌腫瘍に起因する下痢、AIDSに起因する下痢、骨髄 移植などに伴う対宿主移植片反応に起因する下痢、糖尿病に起因する下痢、腹腔神経叢遮断 に起因する下痢、全身性硬化症に起因する下痢、好酸球増加症に起因する下痢などの治療薬 (8) ダンピング症候群、過敏性大腸炎、クローン病、炎症性腸疾患などの治療薬、(9)腫瘍または癌(例、甲状腺癌、大腸癌、乳癌、前立腺癌、小細胞肺癌、非小細胞肺癌、膵 臓癌、胃癌、胆管癌、肝臓癌、膀胱癌、卵巣癌、メラノーマ、骨肉腫、軟骨肉腫、悪性褐色 20 細胞腫、神経芽細胞腫、脳腫瘍、胸腺腫、腎臓癌など)、白血病(例、好塩基性白血球の白 血病・慢性リンパ性白血病、慢性骨髄性白血病、ホジキン病、非ホジキン性リンパ腫など) などの治療薬;該治療薬は、単独または他の制癌剤(例、タモキシフエン、LHRHアゴニ スト、LHRHアンタゴニスト、インターフェロンー α 、 β および γ 、インターロイキンー 2など)と併用して用いることができる、(10)肥大性心筋症、動脈硬化症、心弁膜症、 25 心筋梗塞(特に、経皮経管冠動脈形成術後の心解梗塞)、再血管形成の予防・治療薬、(1

1) 食道静脈癌出血、肝硬変、末梢血管疾患の治療薬、(12) 免疫系に作用する牛理活性 物質(例、サブスタンスP、タヒキニン、サイトカインなど)の分泌の調節作用に基づき、 例えば、全身性または局所性の炎症に伴う疾患(例、多発性動脈炎、リュウマチ性関節炎、 乾せん、日焼け、湿疹、アレルギー(例、喘息、アトピー性皮膚炎、アレルギー性鼻炎など 5) など) の治療薬、(13) 神経調節因子の産生・分泌に影響を及ぼすことから、例えば、 痴呆症(例、アルツハイマー病、アルツハイマー型老年期痴呆、血管性・多発性痴呆など) 、精神分裂症、てんかん、うつ病、一般不安障害、睡眠障害、多発性硬化症などの治療薬、 (14) 眼疾患(例、緑内障など)などの治療薬、(15) 急性バクテリア髄膜炎、急性ウ イルス脳炎、成人呼吸促迫症候群、バクテリア肺炎、重症全身性真菌感染症、結核、脊髄損 10 傷、骨折、肝不全、肺炎、アルコール性肝炎、A型肝炎、B型肝炎、C型肝炎、AIDS感 染症、ヒトパピローマウイルス感染症、インフルエンザ感染症、癌転移、多発性骨髄腫、骨 軟化症、骨粗しょう症、骨ベーチェット症、腎炎、腎不全、敗血症、敗血症ショック、高カ ルシウム血症、高コレステロール血症、高グリセリド血症、高脂血症、全身性エリテマトー サス、一過性脳虚血発作、アルコール性肝炎などの予防・治療薬として有用であり、(1.6)臓器移植、火傷、創傷、脱毛症などの治癒などにも用いられ、(17)慢性あるいは急性 15 疼痛(例、術後疼痛、炎症性疼痛、歯痛、骨疾患(例、関節炎、リウマチ、骨粗鬆症など) にともなう疼痛)の抑制・緩和など、鎮痛剤としても有用である。

従って、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質は、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の機能を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニングのための試薬として有用である。

すなわち、本発明は、

20

25

(1) 本発明のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、その部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩を用いることを特徴とする本発明のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、その部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の機能(例えば、細胞刺激活性またはソマトスタチン分泌調節活性など)を促進する化合物もしくはその塩(以下、

促進剤と略記する場合がある)、または本発明のポリペプチドもしくはそのアミドもしくは そのエステルまたはその塩、その部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルま たはその塩の機能を阻害する化合物(以下、阻害剤と略記する場合がある)のスクリーニン グ方法を提供し、また、

- 5 (2) 本発明のレセプター蛋白質もしくはその塩またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩を用いることを特徴とする本発明のレセプター蛋白質もしくはその塩またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の機能(例えば、細胞刺激活性またはソマトスタチン分泌調節活性など)を促進する化合物もしくはその塩(以下、促進剤と略記する場合がある)、または本発明のレセプター蛋白質もしくはその塩またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の機能を阻害する化合物(以下、阻害剤と略記する場合がある)のスクリーニング方法を提供し、より具体的には、例えば、
- (3) 本発明のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、その 部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩および本発明のレセプ ター蛋白質もしくはその塩またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステ 15 ルまたはその塩(具体的には、配列番号:37で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質 的に同一のアミノ酸配列を含有する蛋白質またはその塩、またはその部分ペプチドもしくは そのアミドもしくはそのエステルまたはその塩) を用いることを特徴とする本発明のポリベ プチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、その部分ペプチドもしくは そのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、または本発明のレセプター蛋白質もしくは 20 その塩またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の機 能(例えば、細胞刺激活性またはソマトスタチン分泌調節活性など)を促進する化合物もし くはその塩(以下、促進剤と略記する場合がある)、または本発明のポリペプチドもしくは そのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、その部分ペプチドもしくはそのアミドもし くはそのエステルまたはその塩、または本発明のレセプター蛋白質もしくはその塩またはそ 25 の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の機能(例えば、細

胞刺激活性またはソマトスタチン分泌調節活性など)を阻害する化合物(以下、阻害剤と略 記する場合がある)のスクリーニング方法を提供し、

5

10

15

20

25

(3)(i)本発明のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、 その部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩に本発明のレヤプ ター蛋白質もしくはその塩またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステ ルまたはその塩(具体的には、配列番号:37で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質 的に同一のアミノ酸配列を含有する蛋白質またはその塩、またはその部分ペプチドもしくは そのアミドもしくはそのエステルまたはその塩)を接触させた場合と、(ii) 本発明のポリ ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、その部分ペプチドもしく はそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩に本発明のレセプター蛋白質もしくはその 塩またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩(具体的 には、配列番号:37で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列 を含有する蛋白質またはその塩、またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはその エステルまたはその塩)および試験化合物を接触させた場合における、本発明のポリペプチ ドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、その部分ペプチドもしくはその アミドもしくはそのエステルまたはその塩の活性を測定し、比較することを特徴とする本発 明のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、その部分ペプチ ドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、または本発明のレセプター蛋白 質もしくはその塩またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたは その塩の機能(例えば、細胞刺激活性またはソマトスタチン分泌調節活性など)を促進する 化合物もしくはその塩(以下、促進剤と略記する場合がある)、または本発明のポリペプチ ドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、その部分ペプチドもしくはその アミドもしくはそのエステルまたはその塩、または本発明のレセプター蛋白質もしくはその 塩またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の機能(例えば、細胞刺激活性またはソマトスタチン分泌調節活性など)を阻害する化合物(以下、 阻害剤と略記する場合がある)のスクリーニング方法などを提供する。

具体的には、上記スクリーニング方法においては、例えば、(i)と(ii)の場合における、本発明のポリペプチドおよび試験化合物の細胞刺激活性または本発明のポリペプチドおよび試験化合物の本発明のレセプター蛋白質に対する結合量などを測定して、比較することを特徴とするものである。

- 本発明のポリペプチドの細胞刺激活性などは、自体公知の方法、例えば、Dockray, G. J. et al., Nature, 305, 328-330, 1983, Fukusumi, S., et al., Biochem. Biophys. Res. Commun., 232, 157-163, 1997, Hinuma, S., et al., Nature, 393, 272-276, 1998, Tatemoto, K., et al. Biochem. Biophys. Res. Commun., 251, 471-476, 1998. などに記載の方法あるいはそれに準じる方法などに従って測定することができる。
- 10 本発明のポリペプチドおよび試験化合物の本発明のレセプター蛋白質に対する結合量は、 後述の「本発明のレセプター蛋白質に対するリガンド(アゴニスト)の決定」に記載した方 法に準じて測定することができる。

試験化合物としては、例えば、ペプチド、タンパク、非ペプチド性化合物、合成化合物、 発酵生産物、細胞抽出液、植物抽出液、動物組織抽出液などがあげられ、これら化合物は新 規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

15

20

25

上記のスクリーニング方法を実施するには、本発明のポリペプチドを、スクリーニングに適したバッファーに懸濁することにより本発明のポリペプチドの標品を調製する。バッファーには、pH約4~10(望ましくは、pH約6~8)のリン酸バッファー、トリスー塩酸バッファーなどの、本発明のポリペプチドと本発明のレセプター蛋白質との反応を阻害しないバッファーであればいずれでもよい。

例えば、上記(ii) の場合における細胞刺激活性などが上記(i) の場合に比べて、約20%以上、好ましくは30%以上、より好ましくは約50%以上上昇させる試験化合物を本発明のポリペプチドの細胞刺激活性などを促進する化合物として、一方、上記(ii) の場合における細胞刺激活性などが上記(i) の場合に比べて、約20%以上、好ましくは30%以上、より好ましくは約50%以上阻害する試験化合物を本発明のポリペプチドの細胞刺激活性などを阻害する化合物として選択することができる。

また、これらの試験を行う前に、後述の「本発明のレセプター蛋白質に対するリガンド (アゴニスト)の決定」に記載した①~③の方法またはそれに準じた方法により試験を行い、 試験化合物が本発明のレセプター蛋白質に結合することを確認することが好ましい。

さらに、上記の試験化合物が本発明のポリペプチドの活性を促進または阻害する化合物またはその塩であることを判断する一つの指標としては、本発明のレセプター蛋白質と本発明のポリペプチドまたはその部分ペプチドの標識体との結合を阻害する活性があげられる。例えば Hosoya, M et al. Biochem Biophys. Res. Commun. 194(1), 133-143, 1993 に記載されているような結合試験系において、1×10⁻²M以下の濃度で標識体の結合を 10%以上阻害する試験化合物は本発明のポリペプチドの活性を促進または阻害する化合物またはその塩である可能性が高いと考えられる。但し、結合阻害活性は標識体の結合をもとに測定した相対的な値であるため、上記の試験化合物が本発明のポリペプチドの活性を促進または阻害する化合物またはその塩であることを判断する上で必須ではない。

本発明のスクリーニング用キットは、本発明のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩を含有するものである。本発明のスクリーニング用キットは本発明のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、その部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の受容体、即ち、本発明のレセプター蛋白質もしくはその塩またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩(具体的には、配列番号:37で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有する蛋白質またはその塩、またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩)をさらに含有するものが好ましい。

本発明のスクリーニング用キットの例としては、次のものが挙げられる。

1. スクリーニング用試薬

5

10

15

20

- ①測定用緩衝液および洗浄用緩衝液
- 25 Hanks' Balanced Salt Solution (ギブコ社製) に、0.05%のウシ血清アルブミン (シ グマ社製) を加えたもの。

孔径 $0.45\mu m$ のフィルターで濾過滅菌し、4 $\mathbb C$ で保存するか、あるいは用時調製しても良い。

②レセプター標品

本発明のレセプター蛋白質を発現させたCHO細胞を、12穴プレートに 5×10^5 個/穴で継代し、37℃、 $5%CO_2$ 、95%airで2日間培養したもの。

③標識リガンド

5

10

20

市販の〔 3 H〕、〔 125 I〕、〔 14 C〕、〔 35 S〕などで標識した本発明のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステル、またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルの水溶液の状態のものを 4 Cあるいは $^-$ 20 4 Cにて保存し、用時に測定用緩衝液にて 1 4 4 Mに希釈する。

④リガンド標準液

本発明のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステル、またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルを 0.1% ウシ血清アルブミン (シグマ社製) を含むPBSで1mMとなるように溶解し、-20℃で保存する。

15 2. 測定法

- ①12穴組織培養用プレートにて培養した本発明のレセプター蛋白質発現CHO細胞を、測定用緩衝液1mlで2回洗浄した後、490μlの測定用緩衝液を各穴に加える。
- ② 10^{-3} ~ 10^{-10} Mの試験化合物溶液を 5μ 1加えた後、標識リガンドを 5μ 1加え、室温にて1時間反応させる。非特異的結合量を知るためには試験化合物の代わりに 10^{-3} Mのリガンドを 5μ 1加えておく。
- ③反応液を除去し、1m1の洗浄用緩衝液で3回洗浄する。細胞に結合した標識リガンドを0.2N NaOH-1%SDSで溶解し、<math>4m1の液体シンチレーターA(和光純薬製)と混合する。
- ④液体シンチレーションカウンター(ベックマン社製)を用いて放射活性を測定し、Percent 25 Maximum Binding (PMB) を次の式〔数1〕で求める。

〔数1〕

 $PMB = [(B-NSB) / (B_0-NSB)] \times 100$

PMB: Percent Maximum Binding

B:検体を加えた時の値

NSB: Non-specific Binding (非特異的結合量)

5 B。:最大結合量

10

15

20

25

本発明のスクリーニング方法またはスクリーニング用キットを用いて得られる化合物またはその塩は、上記した試験化合物、例えば、ペプチド、タンパク、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物、細胞抽出液、植物抽出液、動物組織抽出液、血漿などから選ばれた化合物であり、本発明のポリペプチドの機能(例、細胞刺激活性またはソマトスタチン分泌調節活性など)を促進または阻害する化合物である。

該化合物の塩としては、前記した本発明のポリペプチドの塩と同様のものが用いられる。 本発明のスクリーニング方法またはスクリーニング用キットを用いて得られる化合物を上述の治療・予防剤として使用する場合、常套手段に従って実施することができる。例えば、前記した本発明のポリペプチドを含有する医薬と同様にして、錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤、無菌性溶液、懸濁液剤などとすることができる。

このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトまたは温血動物 (例えば、マウス、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ウマ、トリ、ネコ、イヌ、サル、など) に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、その作用、対象疾患、投与対象、投与ルートなどにより差異はあるが、例えば、本発明のポリペプチドの機能を促進する化合物を経口投与する場合、一般的に成人(体重60kgとして)においては、一日につき該化合物を約0.1~100mg、好ましくは約1.0~50mg、より好ましくは約1.0~20mg投与する。非経口的に投与する場合は、該化合物の1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、本発明のポリペプチドの機能を促進する化合物を注射剤の形で通常成人(60kgとして)に投与する場合、一日につき該化合物を約0.01~30mg程度、好ましくは約0.1~20mg程度、より好ましくは約0.1~10mg程度を静脈注射により投

与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

一方、本発明のポリペプチドの機能を阻害する化合物を経口投与する場合、一般的に成人(体重60 kgとして)においては、一日につき該化合物を約 $0.1 \sim 100 \text{ mg}$ 、好ましくは約 $1.0 \sim 50 \text{ mg}$ 、より好ましくは約 $1.0 \sim 20 \text{ mg}$ 投与する。非経口的に投与する場合は、該化合物の1 回投与量は投与对象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、本発明のポリペプチドの機能を阻害する化合物を注射剤の形で通常成人(60 kgとして)に投与する場合、一日につき該化合物を約 $0.01 \sim 30 \text{ mg}$ 程度、好ましくは約 $0.1 \sim 20 \text{ mg}$ 程度、より好ましくは約 $0.1 \sim 20 \text{ mg}$ 程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60 kg当たりに換算した量を投与することができる。

5

10

- (3) 本発明のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、その部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、および本発明のレセプター蛋白質もしくはその塩またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の定量
- 本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質に対する抗体(以下、本発明の抗体と略記する場合がある)は、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質を特異的に認識することができるので、被検液中の本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の定量、特にサンドイッチ免疫測定法による定量などに使用することができる。すなわち、本発明は、
- 20 (i)本発明の抗体と、被検液および標識化された本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質とを競合的に反応させ、該抗体に結合した標識化された本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の割合を測定することを特徴とする被検液中の本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の定量法、および
- (ii) 被検液と担体上に不溶化した本発明の抗体および標識化された本発明の別の抗体とを 同時あるいは連続的に反応させたのち、不溶化担体上の標識剤の活性を測定することを特徴 とする被検液中の本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の定量法を提供す

る。

20

25

上記(ii)の定量法においては、一方の抗体が本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質のN端部を認識する抗体で、他方の抗体が本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質のC端部に反応する抗体であることが望ましい。

5 また、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質に対するモノクローナル抗体を用いて本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の定量を行うことができるほか、組織染色等による検出を行なうこともできる。これらの目的には、抗体分子そのものを用いてもよく、また、抗体分子のF(ab')₂、Fab'、あるいはFab画分を用いてもよい。

10 本発明の抗体を用いる本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の定量法は、特に制限されるべきものではなく、被測定液中の抗原量(例えば、ポリペプチド量)に対応した抗体、抗原もしくは抗体-抗原複合体の量を化学的または物理的手段により検出し、これを既知量の抗原を含む標準液を用いて作製した標準曲線より算出する測定法であれば、いずれの測定法を用いてもよい。例えば、ネフロメトリー、競合法、イムノメトリック法およびサンドイッチ法が好適に用いられるが、感度、特異性の点で、後述するサンドイッチ法を用いるのが特に好ましい。

標識物質を用いる測定法に用いられる標識剤としては、例えば、放射性同位元素、酵素、 蛍光物質、発光物質などが用いられる。放射性同位元素としては、例えば、〔¹²⁵ I〕、〔¹³¹ I〕、〔¹⁴¹ I〕、〔¹⁴¹ C〕などが用いられる。上記酵素としては、安定で比活性の大きなもの が好ましく、例えば、βーガラクトシダーゼ、βーグルコシダーゼ、アルカリフォスファタ ーゼ、パーオキシダーゼ、リンゴ酸脱水素酵素などが用いられる。蛍光物質としては、例え ば、フルオレスカミン、フルオレッセンイソチオシアネートなどが用いられる。発光物質と しては、例えば、ルミノール、ルミノール誘導体、ルシフェリン、ルシゲニンなどが用いら れる。さらに、抗体あるいは抗原と標識剤との結合にビオチンーアビジン系を用いることも できる。

抗原あるいは抗体の不溶化に当っては、物理吸着を用いてもよく、また通常ポリペプチド

あるいは酵素等を不溶化、固定化するのに用いられる化学結合を用いる方法でもよい。担体 としては、アガロース、デキストラン、セルロースなどの不溶性多糖類、ポリスチレン、ポ リアクリルアミド、シリコン等の合成樹脂、あるいはガラス等があげられる。

サンドイッチ法においては不溶化した本発明のモノクローナル抗体に被検液を反応させ(1次反応)、さらに標識化した別の本発明のモノクローナル抗体を反応させ(2次反応)たのち、不溶化担体上の標識剤の活性を測定することにより被検液中の本発明のポリペプチド量または本発明のレセプター蛋白質量を定量することができる。1次反応と2次反応は逆の順序に行っても、また、同時に行なってもよいし時間をずらして行なってもよい。標識化剤および不溶化の方法は前記のそれらに準じることができる。また、サンドイッチ法による免疫測定法において、固相用抗体あるいは標識用抗体に用いられる抗体は必ずしも1種類である必要はなく、測定感度を向上させる等の目的で2種類以上の抗体の混合物を用いてもよい

5

10

15

25

本発明のサンドイッチ法による本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の 測定法においては、1次反応と2次反応に用いられる本発明のモノクローナル抗体は、本発 明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の結合する部位が相異なる抗体が好まし く用いられる。すなわち、1次反応および2次反応に用いられる抗体は、例えば、2次反応 で用いられる抗体が、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質のC端部を認 識する場合、1次反応で用いられる抗体は、好ましくはC端部以外、例えばN端部を認識す る抗体が用いられる。

20 本発明のモノクローナル抗体をサンドイッチ法以外の測定システム、例えば、競合法、イムノメトリック法あるいはネフロメトリーなどに用いることができる。

競合法では、被検液中の抗原と標識抗原とを抗体に対して競合的に反応させたのち、未反応の標識抗原(F)と、抗体と結合した標識抗原(B)とを分離し(B/F分離)、B,Fいずれかの標識量を測定し、被検液中の抗原量を定量する。本反応法には、抗体として可溶性抗体を用い、B/F分離をポリエチレングリコール、前記抗体に対する第2抗体などを用いる液相法、および、第1抗体として固相化抗体を用いるか、あるいは、第1抗体は可溶性の

5

10

15

20

ものを用い第2抗体として固相化抗体を用いる固相化法とが用いられる。

イムノメトリック法では、被検液中の抗原と固相化抗原とを一定量の標識化抗体に対して 競合反応させた後固相と液相を分離するか、あるいは、被検液中の抗原と過剰量の標識化抗 体とを反応させ、次に固相化抗原を加え未反応の標識化抗体を固相に結合させたのち、固相 と液相を分離する。次に、いずれかの相の標識量を測定し被検液中の抗原量を定量する。

また、ネフロメトリーでは、ゲル内あるいは溶液中で抗原抗体反応の結果生じた不溶性の 沈降物の量を測定する。被検液中の抗原量が僅かであり、少量の沈降物しか得られない場合 にもレーザーの散乱を利用するレーザーネフロメトリーなどが好適に用いられる。

これら個々の免疫学的測定法を本発明の定量方法に適用するにあたっては、特別の条件、 操作等の設定は必要とされない。それぞれの方法における通常の条件、操作法に当業者の通 常の技術的配慮を加えて本発明のポリペプチドの測定系を構築すればよい。これらの一般的 な技術手段の詳細については、総説、成書などを参照することができる。

例えば、入江 寛編「ラジオイムノアッセイ)(講談社、昭和49年発行)、入江 寛編「続ラジオイムノアッセイ)(講談社、昭和54年発行)、石川栄治ら編「酵素免疫測定法」(医学書院、昭和53年発行)、石川栄治ら編「酵素免疫測定法」(第2版)(医学書院、昭和57年発行)、石川栄治ら編「酵素免疫測定法」(第3版)(医学書院、昭和62年発行)、「Methods in ENZYMOLOGY」Vol. 70 (Immunochemical Techniques (Part A))、同書 Vol. 73 (Immunochemical Techniques (Part B))、同書 Vol. 74 (Immunochemical Techniques (Part C))、同書 Vol. 84 (Immunochemical Techniques (Part D:Selected Immunoassays))、同書 Vol. 92 (Immunochemical Techniques (Part E:Monoclonal Antibodies and General Immunoassay Methods))、同書 Vol. 121 (Immunochemical Techniques (Part I:Hybridoma Technology and Monoclonal Antibodies))(以上、アカデミックプレス社発行)などを参照することができる。

以上のようにして、本発明の抗体を用いることによって、本発明のポリペプチドまたは本 25 発明のレセプター蛋白質を感度良く定量することができる。

さらには、本発明の抗体を用いて本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質

の濃度を定量することによって、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の 濃度の減少または増加が検出された場合、例えば、高血圧、自己免疫疾患、心不全、白内障 、緑内障、急性バクテリア髄膜炎、急性心筋梗塞、急性膵炎、急性ウイルス脳炎、成人呼吸 促迫症候群、アルコール性肝炎、アルツハイマー病、喘息、動脈硬化、アトピー性皮膚炎、 5 バクテリア肺炎、膀胱がん、骨折、乳がん、過食症、多食症、火傷治癒、子宮頸部がん、慢 性リンパ性白血病、慢性骨髄性白血病、慢性膵炎、肝硬変、大腸がん(結腸/直腸がん)、 クローン病、痴呆、糖尿病性合併症、糖尿病性腎症、糖尿病性神経障害、糖尿病性網膜症、 胃炎,ヘリコバクター・ピロリ感染症,肝不全,A型肝炎,B型肝炎,C型肝炎,肝炎,単 純ヘルペスウイルス感染症、水痘帯状疱疹ウイルス感染症、ホジキン病、エイズ感染症、ヒ トパピローマウイルス感染症、高カルシウム血症、高コレステロール血症、高グリセリド血 10 症,高脂血症,感染症,インフルエンザ感染症,インシュリン依存性糖尿病 (I型),侵襲 性ブドウ状球菌感染症,悪性黒色腫,がん転移,多発性骨髄腫,アレルギー性鼻炎,腎炎, 非ホジキン性リンパ腫,インシュリン非依存性糖尿病(11型),非小細胞肺がん,臓器移植 ,骨関節炎,骨軟化症,骨減少症,骨粗鬆症,卵巣がん,骨ペーチェット病,消化性潰瘍, 末梢血管疾患、前立腺がん、逆流性食道炎、腎不全、リウマチ関節炎、精神分裂症、敗血症 ,敗血症ショック,重症全身性真菌感染症,小細胞肺がん,脊髄損傷,胃がん,全身性エリ テマトーサス、一過性脳虚血発作、結核、心弁膜症、血管性/多発梗塞痴呆、創傷治癒、不

20 また、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の濃度の減少または増加が 検出された場合、MACULAR EDEMA CYSTOID (嚢胞状黄斑浮腫)等の疾病である、または将来罹 患する可能性が高いと診断することができる。

る、または将来罹患する可能性が高いと診断することができる。

眠症、関節炎、下垂体ホルモン分泌不全、瀕尿、尿毒症、または神経変成疾患等の疾病であ

さらに、本発明のポリペプチド、本発明のレセプター蛋白質および本発明のDNAはソマトスタチンの分泌制御に関与しているため、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の濃度の減少または増加が検出された場合、例えば、(1)先端巨大症、TSH産生腫瘍、非分泌性(非機能性)下垂体腫瘍、異所性ACTH(アドレノコルチコトロピン)

産生腫瘍、髄様甲状腺癌、VIP産生腫瘍、グルカゴン産生腫瘍、ガストリン産生腫瘍、イ ンスリノーマ、カルチノイド、(2) インスリン依存性または非依存性糖尿病、あるいはこ れら糖尿病に関連した種々の疾患、すなわち糖尿病合併症(例、糖尿病性網膜症、糖尿病性 腎症、糖尿病性神経障害、ドーン症候群、起立性低血圧症など)、(3)高インスリン血症 5 の改善または食欲の抑制などによる肥満、過食症、(4)急性膵炎、慢性膵炎、膵臓・腸フ ィステル、出血性潰瘍、消化性潰瘍、胃炎、胃酸過多症、逆流性食道炎、(5) ヘリコバク ター・ピロリ菌感染に伴う様々な症状、(6)内視鏡胆道膵管造影に伴うアミラーゼの分泌 過剰、(7)小腸の吸収能低下、分泌昂進または消化管の運動能異常に起因する下痢(例、 Short bowel症候群など)、癌化学療法などの薬物に起因する下痢、先天性小腸 10 萎縮に起因する下痢、VIP産生腫瘍などの神経内分泌腫瘍に起因する下痢、AIDSに起 因する下痢、骨髄移植などに伴う対宿主移植片反応に起因する下痢、糖尿病に起因する下痢 、腹腔神経叢遮断に起因する下痢、全身性硬化症に起因する下痢、好酸球増加症に起因する 下痢、(8)ダンピング症候群、過敏性大腸炎、クローン病、炎症性腸疾患、(9)腫瘍ま たは癌(例、甲状腺癌、大腸癌、乳癌、前立腺癌、小細胞肺癌、非小細胞肺癌、膵臓癌、胃 15 癌、胆管癌、肝臓癌、膀胱癌、卵巣癌、メラノーマ、骨肉腫、軟骨肉腫、悪性褐色細胞腫、 神経芽細胞腫、脳腫瘍、胸腺腫、腎臓癌など)、白血病(例、好塩基性白血球の白血病・慢 性リンパ性白血病、慢性骨髄性白血病、ホジキン病、非ホジキン性リンパ腫など)、(10)肥大性心筋症、動脈硬化症、心弁膜症、心筋梗塞(特に、経皮経管冠動脈形成術後の心解 梗塞)、(11)食道静脈癌出血、肝硬変、末梢血管疾患、(12)全身性または局所性の 20 炎症に伴う疾患(例、多発性動脈炎、リュウマチ性関節炎、乾せん、日焼け、湿疹、アレル ギー (例、喘息、アトピー性皮膚炎、アレルギー性鼻炎など) など) 、(13) 痴呆症 (例 、アルツハイマー病、アルツハイマー型老年期痴呆、血管性・多発性痴呆など)、精神分裂 症、てんかん、うつ病、一般不安障害、睡眠障害、多発性硬化症、(14)眼疾患(例、緑 内障など)、(15)急性バクテリア髄膜炎、急性ウイルス脳炎、成人呼吸促迫症候群、バ クテリア肺炎、重症全身性真菌感染症、結核、脊髄損傷、骨折、肝不全、肺炎、アルコール 25 性肝炎、A型肝炎、B型肝炎、C型肝炎、AIDS感染症、ヒトパピローマウイルス感染症

、インフルエンザ感染症、癌転移、多発性骨髄腫、骨軟化症、骨粗しょう症、骨ベーチェット症、腎炎、腎不全、敗血症、敗血症ショック、高カルシウム血症、高コレステロール血症、高グリセリド血症、高脂血症、全身性エリテマトーサス、一過性脳虚血発作、アルコール性肝炎、(16)火傷、創傷、脱毛症、(17)慢性あるいは急性疼痛(例、術後疼痛、炎症性疼痛、歯痛、骨疾患(例、関節炎、リウマチ、骨粗鬆症など))にともなう疼痛)等の疾病である、または将来罹患する可能性が高いと診断することができる。

また、本発明の抗体は、体液や組織などの被検体中に存在する本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質を検出するために使用することができる。また、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質を精製するために使用する抗体カラムの作製、精製時の各分画中の本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の検出、被検細胞内における本発明のポリペプチドの挙動の分析などのために使用することができる。

(4)遺伝子診断剤

10

本発明のDNAは、例えば、プローブとして使用することにより、ヒトまたは温血動物(例えば、ラット、マウス、モルモット、ウサギ、トリ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ウマ、ネコ、イヌ、サル、など)における本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAまたはmRNAの異常(遺伝子異常)を検出することができるので、例えば、該DNAまたはmRNAの損傷、突然変異あるいは発現低下や、該DNAまたはmRNAの増加あるいは発現過多などの遺伝子診断剤として有用である。

本発明のDNAを用いる上記の遺伝子診断は、例えば、自体公知のノーザンハイブリダイ ゼーションやPCR-SSCP法(ゲノミックス(Genomics)、第5巻、874~879頁(1989年)、プロシージングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシイズ・オブ・ユーエスエー(Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America)、第86巻、2766~2770頁(1989年))などにより実施することができる。

25 例えば、ノーザンハイブリダイゼーションにより発現低下または過多が検出された場合は 、例えば、高血圧、自己免疫疾患、心不全、白内障、緑内障、急性バクテリア髄膜炎, 急性

心筋梗塞、急性膵炎、急性ウイルス脳炎、成人呼吸促迫症候群、アルコール性肝炎、アルツ ハイマー病、喘息、動脈硬化、アトピー性皮膚炎、バクテリア肺炎、膀胱がん、骨折、乳が ん、過食症、多食症、火傷治癒、子宮頸部がん、慢性リンパ性白血病、慢性骨髄性白血病、 慢性膵炎、肝硬変、大腸がん(結腸/直腸がん)、クローン病、痴呆、糖尿病性合併症、糖 尿病性腎症、糖尿病性神経障害、糖尿病性網膜症、胃炎、ヘリコバクター・ピロリ感染症、 肝不全、A型肝炎、B型肝炎、C型肝炎、肝炎、単純ヘルペスウイルス感染症、水痘帯状疱 疹ウイルス感染症,ホジキン病,エイズ感染症,ヒトパピローマウイルス感染症.高カルシ ウム血症、高コレステロール血症、高グリセリド血症、高脂血症、感染症、インフルエンザ 感染症、インシュリン依存性糖尿病 (I 型) 、侵襲性ブドウ状球菌感染症、悪性黒色腫、が ん転移、多発性骨髄腫、アレルギー性鼻炎、腎炎、非ホジキン性リンパ腫、インシュリン非 依存性糖尿病(II型),非小細胞肺がん,臓器移植,骨関節炎,骨軟化症,骨減少症,骨粗 鬆症,卵巣がん,骨ペーチェット病,消化性潰瘍,末梢血管疾患,前立腺がん,逆流性食道 炎,腎不全,リウマチ関節炎,精神分裂症,敗血症,敗血症ショック,重症全身性真菌感染 症,小細胞肺がん,脊髄損傷,胃がん,全身性エリテマトーサス,一過性脳虚血発作,結核 ,心弁膜症,血管性/多発梗塞痴呆,創傷治癒,不眠症,関節炎、下垂体ホルモン分泌不全 、瀕尿、尿毒症、または神経変成疾患等である可能性が高いまたは将来罹患する可能性が高 いと診断することができる。

10

15

20

25

また、ノーザンハイブリダイゼーションにより発現低下または過多が検出された場合、MACULAR EDEMA CYSTOID (嚢胞状黄斑浮腫) 等の疾病である、または将来罹患する可能性が高いと診断することができる。

さらに、本発明のポリペプチド、本発明のレセプター蛋白質および本発明のDNAはソマトスタチンの分泌制御に関与しているため、ノーザンハイブリダイゼーションにより発現低下または過多が検出された場合、例えば、(1) 先端巨大症、TSH産生腫瘍、非分泌性(非機能性)下垂体腫瘍、異所性ACTH(アドレノコルチコトロピン)産生腫瘍、髄様甲状腺癌、VIP産生腫瘍、グルカゴン産生腫瘍、ガストリン産生腫瘍、インスリノーマ、カルチノイド、(2) インスリン依存性または非依存性糖尿病、あるいはこれら糖尿病に関連し

た種々の疾患、すなわち糖尿病合併症(例、糖尿病性網膜症、糖尿病性腎症、糖尿病性神経 障害、ドーン症候群、起立性低血圧症など)、(3)高インスリン血症の改善または食欲の 抑制などによる肥満、過食症、(4)急性膵炎、慢性膵炎、膵臓・腸フィステル、出血性潰 瘍、消化性潰瘍、胃炎、胃酸過多症、逆流性食道炎、(5) ヘリコバクター・ピロリ菌感染 に伴う様々な症状、(6)内視鏡胆道膵管造影に伴うアミラーゼの分泌過剰、(7)小腸の 吸収能低下、分泌昂進または消化管の運動能異常に起因する下痢(例、Short bow e l 症候群など)、癌化学療法などの薬物に起因する下痢、先天性小腸萎縮に起因する下痢 、VIP産生腫瘍などの神経内分泌腫瘍に起因する下痢、AIDSに起因する下痢、骨髄移 植などに伴う対宿主移植片反応に起因する下痢、糖尿病に起因する下痢、腹腔神経叢遮断に 起因する下痢、全身性硬化症に起因する下痢、好酸球増加症に起因する下痢、(8)ダンピ ング症候群、過敏性大腸炎、クローン病、炎症性腸疾患、(9)腫瘍または癌(例、甲状腺 癌、大腸癌、乳癌、前立腺癌、小細胞肺癌、非小細胞肺癌、膵臓癌、胃癌、胆管癌、肝臓癌 、膀胱癌、卵巣癌、メラノーマ、骨肉腫、軟骨肉腫、悪性褐色細胞腫、神経芽細胞腫、脳腫 瘍、胸腺腫、腎臓癌など)、白血病(例、好塩基性白血球の白血病・慢性リンパ性白血病、 慢性骨髄性白血病、ホジキン病、非ホジキン性リンパ腫など)、(10)肥大性心筋症、動 脈硬化症、心弁膜症、心筋梗塞(特に、経皮経管冠動脈形成術後の心解梗塞)、(11)食 道静脈癌出血、肝硬変、末梢血管疾患、 (12)全身性または局所性の炎症に伴う疾患(例 、多発性動脈炎、リュウマチ性関節炎、乾せん、日焼け、湿疹、アレルギー(例、喘息、ア トピー性皮膚炎、アレルギー性鼻炎など)など)、(13)痴呆症(例、アルツハイマー病 、アルツハイマー型老年期痴呆、血管性・多発性痴呆など)、精神分裂症、てんかん、うつ 病、一般不安障害、睡眠障害、多発性硬化症、(14)眼疾患(例、緑内障など)、(15)急性バクテリア髄膜炎、急性ウイルス脳炎、成人呼吸促迫症候群、バクテリア肺炎、重症 全身性真菌感染症、結核、脊髄損傷、骨折、肝不全、肺炎、アルコール性肝炎、A型肝炎、 B型肝炎、C型肝炎、AIDS感染症、ヒトパピローマウイルス感染症、インフルエンザ感 染症、癌転移、多発性骨髄腫、骨軟化症、骨粗しょう症、骨ベーチェット症、腎炎、腎不全 、敗血症、敗血症ショック、高カルシウム血症、高コレステロール血症、高グリセリド血症

5

10

15

20

25

、高脂血症、全身性エリテマトーサス、一過性脳虚血発作、アルコール性肝炎、(16)火傷、創傷、脱毛症、(17)慢性あるいは急性疼痛(例、術後疼痛、炎症性疼痛、歯痛、骨疾患(例、関節炎、リウマチ、骨粗鬆症など)にともなう疼痛)等の疾病である、または将来罹患する可能性が高いと診断することができる。

5 (5) アンチセンスDNAを含有する医薬

10

15

20

本発明のDNAに相補的に結合し、該DNAの発現を抑制することができるアンチセンス DNAは、例えば、高血圧、自己免疫疾患、心不全、白内障、緑内障、急性バクテリア髄膜 炎、急性心筋梗塞、急性膵炎、急性ウイルス脳炎、成人呼吸促迫症候群、アルコール性肝炎 , アルツハイマー病, 喘息, 動脈硬化, アトピー性皮膚炎, バクテリア肺炎, 膀胱がん, 骨 折、乳がん、過食症、多食症、火傷治癒、子宮頸部がん、慢性リンパ性白血病、慢性骨髄性 白血病、慢性膵炎、肝硬変、大腸がん(結腸/直腸がん)、クローン病、痴呆、糖尿病性合 併症、糖尿病性腎症、糖尿病性神経障害、糖尿病性網膜症、胃炎、ヘリコバクター・ピロリ 感染症、肝不全、A型肝炎、B型肝炎、C型肝炎、肝炎、単純ヘルペスウイルス感染症、水 痘帯状疱疹ウイルス感染症、ホジキン病、エイズ感染症、ヒトパピローマウイルス感染症、 高カルシウム血症、高コレステロール血症、高グリセリド血症、高脂血症、感染症、インフ ルエンザ感染症, インシュリン依存性糖尿病 (I 型) , 侵襲性ブドウ状球菌感染症, 悪性黒 色腫、がん転移、多発性骨髄腫、アレルギー性鼻炎、腎炎、非ホジキン性リンパ腫、インシ ユリン非依存性糖尿病(II 型),非小細胞肺がん,臓器移植,骨関節炎,骨軟化症、骨減少 症、骨粗鬆症、卵巣がん、骨ペーチェット病、消化性潰瘍、末梢血管疾患、前立腺がん、逆 流性食道炎、腎不全、リウマチ関節炎、精神分裂症、敗血症、敗血症ショック、重症全身性 真菌感染症、小細胞肺がん、脊髄損傷、胃がん、全身性エリテマトーサス、一過性脳虚血発 作、結核、心弁膜症、血管性/多発梗塞痴呆、創傷治癒、不眠症、関節炎、下垂体ホルモン 分泌不全、瀕尿、尿毒症、または神経変成疾患等の疾病の治療・予防剤として使用すること ができる。

25 また、本発明のDNAに相補的に結合し、該DNAの発現を抑制することができるアンチ センスDNAはMACULAR EDEMA CYSTOID (嚢胞状黄斑浮腫)の疾病の治療・予防剤などの医 薬として使用することができる。

25

さらに、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質はソマトスタチンの分泌 制御に関与しているため、本発明のDNAに相補的に結合し、該DNAの発現を抑制するこ とができるアンチセンスDNAは、例えば、(1)先端巨大症、TSH産生腫瘍、非分泌性 5 (非機能性) 下垂体腫瘍、異所性ACTH (アドレノコルチコトロピン) 産生腫瘍、髄様甲 状腺癌、VIP産生腫瘍、グルカゴン産生腫瘍、ガストリン産生腫瘍、インスリノーマ、カ ルチノイドなどの腫瘍の治療薬、(2)インスリン依存性または非依存性糖尿病、あるいは これら糖尿病に関連した種々の疾患、すなわち糖尿病合併症(例、糖尿病性網膜症、糖尿病 性腎症、糖尿病性神経障害、ドーン症候群、起立性低血圧症など)の治療薬、(3)高イン 10 スリン血症の改善または食欲の抑制などによる肥満、過食症などの治療薬、(4)急性膵炎 、慢性膵炎、膵臓・腸フィステル、出血性潰瘍、消化性潰瘍、胃炎、胃酸過多症、逆流性食 道炎などの治療薬、(5)ヘリコバクター・ピロリ菌感染に伴う様々な症状の改善剤(例、 ガストリン分泌昂進の抑制剤など)、 (6) 内視鏡胆道膵管造影に伴うアミラーゼの分泌抑 制剤、さらには膵臓外科手術の予後治療薬、(7)小腸の吸収能低下、分泌昂進または消化 15 管の運動能異常に起因する下痢(例、Short bowel症候群など)、癌化学療法な どの薬物に起因する下痢、先天性小腸萎縮に起因する下痢、VIP産生腫瘍などの神経内分 泌腫瘍に起因する下痢、AIDSに起因する下痢、骨髄移植などに伴う対宿主移植片反応に 起因する下痢、糖尿病に起因する下痢、腹腔神経叢遮断に起因する下痢、全身性硬化症に起 因する下痢、好酸球増加症に起因する下痢などの治療薬、(8)ダンピング症候群、過敏性 20 大腸炎、クローン病、炎症性腸疾患などの治療薬、(9)腫瘍または癌(例、甲状腺癌、大 腸癌、乳癌、前立腺癌、小細胞肺癌、非小細胞肺癌、膵臓癌、胃癌、胆管癌、肝臓癌、膀胱 癌、卵巣癌、メラノーマ、骨肉腫、軟骨肉腫、悪性褐色細胞腫、神経芽細胞腫、脳腫瘍、胸 腺腫、腎臓癌など)、白血病(例、好塩基性白血球の白血病・慢性リンパ性白血病、慢性骨 髄性白血病、ホジキン病、非ホジキン性リンパ腫など)などの治療薬;該治療薬は、単独ま たは他の制癌剤(例、タモキシフエン、LHRHアゴニスト、LHRHアンタゴニスト、イ ンターフェロン $-\alpha$ 、 β および γ 、インターロイキン-2など)と併用して用いることがで

きる、(10)肥大性心筋症、動脈硬化症、心弁膜症、心筋梗塞(特に、経皮経管冠動脈形 成術後の心解梗塞)、再血管形成の予防・治療薬、(11)食道静脈癌出血、肝硬変、末梢 血管疾患の治療薬、(12)免疫系に作用する生理活性物質(例、サブスタンスP、 タヒキ ニン、サイトカインなど)の分泌の調節作用に基づき、例えば、全身性または局所性の炎症 に伴う疾患(例、多発性動脈炎、リュウマチ性関節炎、乾せん、日焼け、湿疹、アレルギー (例、喘息、アトピー性皮膚炎、アレルギー性鼻炎など) など) の治療薬、(13) 神経調 節因子の産生・分泌に影響を及ぼすことから、例えば、痴呆症(例、アルツハイマー病、ア ルツハイマー型老年期痴呆、血管性・多発性痴呆など)、精神分裂症、てんかん、うつ病、 一般不安障害、睡眠障害、多発性硬化症などの治療薬、(14)眼疾患(例、緑内障など) などの治療薬、(15)急性バクテリア髄膜炎、急性ウイルス脳炎、成人呼吸促迫症候群、 バクテリア肺炎、重症全身性真菌感染症、結核、脊髄損傷、骨折、肝不全、肺炎、アルコー ル性肝炎、A型肝炎、B型肝炎、C型肝炎、AIDS感染症、ヒトパピローマウイルス感染 症、インフルエンザ感染症、癌転移、多発性骨髄腫、骨軟化症、骨粗しょう症、骨ベーチェ ット症、腎炎、腎不全、敗血症、敗血症ショック、高カルシウム血症、高コレステロール血 症、高グリセリド血症、高脂血症、全身性エリテマトーサス、一過性脳虚血発作、アルコー ル性肝炎などの予防・治療薬として有用であり、(16)臓器移植、火傷、創傷、脱毛症な どの治癒などにも用いられ、(17)慢性あるいは急性疼痛(例、術後疼痛、炎症性疼痛、 歯痛、骨疾患(例、関節炎、リウマチ、骨粗鬆症など)にともなう疼痛)の抑制・緩和など 、鎮痛剤としても有用である。

5

10

15

25

20 上記アンチセンスDNAを上記の治療・予防剤として使用する場合、前記した本発明のD NAを含有する各種疾病の治療・予防剤と同様にして実施することができる。

例えば、該アンチセンスDNAを用いる場合、該アンチセンスDNAを単独あるいはレトロウイルスベクター、アデノウイルスベクター、アデノウイルスアソシエーテッドウイルスベクターなどの適当なベクターに挿入した後、常套手段に従って実施することができる。該アンチセンスDNAは、そのままで、あるいは摂取促進のために補助剤などの生理学的に認められる担体とともに製剤化し、遺伝子銃やハイドロゲルカテーテルのようなカテーテルに

よって投与できる。

さらに、該アンチセンスDNAは、組織や細胞における本発明のDNAの存在やその発現 状況を調べるための診断用オリゴヌクレオチドプローブとして使用することもできる。

(6) 本発明の抗体を含有する医薬

本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の活性を中和する作用を有する本 5 発明の抗体は、例えば、 高血圧、自己免疫疾患、心不全、白内障、緑内障、急性バクテリア 髄膜炎、急性心筋梗塞、急性膵炎、急性ウイルス脳炎、成人呼吸促迫症候群、アルコール性 肝炎,アルツハイマー病,喘息,動脈硬化,アトピー性皮膚炎,バクテリア肺炎,膀胱がん ,骨折,乳がん,過食症,多食症,火傷治癒,子宮頸部がん,慢性リンパ性白血病,慢性骨 髄性白血病、慢性膵炎、肝硬変、大腸がん(結腸/直腸がん)、クローン病、痴呆、糖尿病 10 性合併症、糖尿病性腎症、糖尿病性神経障害、糖尿病性網膜症、胃炎、ヘリコバクター・ピ ロリ感染症, 肝不全, A型肝炎, B型肝炎, C型肝炎, 肝炎, 単純ヘルペスウイルス感染症 ,水痘帯状疱疹ウイルス感染症,ホジキン病,エイズ感染症,ヒトパピローマウイルス感染 症、高カルシウム血症、高コレステロール血症、高グリセリド血症、高脂血症、感染症、イ ンフルエンザ感染症,インシュリン依存性糖尿病 (I 型) ,侵**襲**性ブドウ状球菌感染症,悪 15 性黒色腫、がん転移、多発性骨髄腫、アレルギー性鼻炎、腎炎、非ホジキン性リンパ腫、イ ンシュリン非依存性糖尿病(II型),非小細胞肺がん,臓器移植,骨関節炎,骨軟化症,骨 減少症、骨粗鬆症、卵巣がん、骨ペーチェット病、消化性潰瘍、末梢血管疾患、前立腺がん ,**逆流性食道炎,腎不全,**リウマチ関節炎,精神分裂症,敗血症,敗血症ショック,**重症全** 身性真菌感染症,小細胞肺がん,脊髄損傷,胃がん,全身性エリテマトーサス,一過性脳虚 20 血発作、結核、心弁膜症、血管性/多発梗塞痴呆、創傷治癒、不眠症、関節炎、下垂体ホル モン分泌不全、瀕尿、尿毒症、または神経変成疾患等の疾病の治療・予防剤などの医薬とし て使用することができる。

また、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の活性を中和する作用を有 25 する本発明の抗体は MACULAR EDEMA CYSTOID (嚢胞状黄斑浮腫)の疾病の治療・予防剤など の医薬として使用することができる。

さらに、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質はソマトスタチンの分泌 制御に関与しているため、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の活性を 中和する作用を有する本発明の抗体は、例えば、(1) 先端巨大症、TSH産生腫瘍、非分 泌性(非機能性)下垂体腫瘍、異所性ACTH(アドレノコルチコトロピン)産生腫瘍、髄 様甲状腺癌、VIP産生腫瘍、グルカゴン産生腫瘍、ガストリン産生腫瘍、インスリノーマ 、カルチノイドなどの腫瘍の治療薬、(2)インスリン依存性または非依存性糖尿病、ある いはこれら糖尿病に関連した種々の疾患、すなわち糖尿病合併症(例、糖尿病性網膜症、糖 尿病性腎症、糖尿病性神経障害、ドーン症候群、起立性低血圧症など)の治療薬、(3)高 インスリン血症の改善または食欲の抑制などによる肥満、過食症などの治療薬、(4)急性 膵炎、慢性膵炎、膵臓・腸フィステル、出血性潰瘍、消化性潰瘍、胃炎、胃酸過多症、逆流 性食道炎などの治療薬、(5)ヘリコバクター・ピロリ菌感染に伴う様々な症状の改善剤(例、ガストリン分泌昂進の抑制剤など)、(6)内視鏡胆道膵管造影に伴うアミラーゼの分 泌抑制剤、さらには膵臓外科手術の予後治療薬、(7)小腸の吸収能低下、分泌昂進または 消化管の運動能異常に起因する下痢(例、Short bowel症候群など)、癌化学療 法などの薬物に起因する下痢、先天性小腸萎縮に起因する下痢、VIP産生腫瘍などの神経 内分泌腫瘍に起因する下痢、AIDSに起因する下痢、骨髄移植などに伴う対宿主移植片反 応に起因する下痢、糖尿病に起因する下痢、腹腔神経叢遮断に起因する下痢、全身性硬化症 に起因する下痢、好酸球増加症に起因する下痢などの治療薬、 (8) ダンピング症候群、過 敏性大腸炎、クローン病、炎症性腸疾患などの治療薬、 (9) 腫瘍または癌(例、甲状腺癌 、大腸癌、乳癌、前立腺癌、小細胞肺癌、非小細胞肺癌、膵臓癌、胃癌、胆管癌、肝臓癌、 膀胱癌、卵巣癌、メラノーマ、骨肉腫、軟骨肉腫、悪性褐色細胞腫、神経芽細胞腫、脳腫瘍 、胸腺腫、腎臓癌など)、白血病(例、好塩基性白血球の白血病・慢性リンパ性白血病、慢 性骨髄性白血病、ホジキン病、非ホジキン性リンパ腫など)などの治療薬;該治療薬は、単 独または他の制癌剤(例、タモキシフエン、LHRHアゴニスト、LHRHアンタゴニスト 、インターフェロンー α 、 β および γ 、インターロイキンー2など)と併用して用いること ができる、(10)肥大性心筋症、動脈硬化症、心弁膜症、心筋梗塞(特に、経皮経管冠動

5

10

15

20

25

脈形成術後の心解梗塞)、再血管形成の予防・治療薬、(11)食道静脈癌出血、肝硬変、 末梢血管疾患の治療薬、(12)免疫系に作用する生理活性物質(例、サブスタンスP、タ ヒキニン、サイトカインなど)の分泌の調節作用に基づき、例えば、全身性または局所性の 炎症に伴う疾患(例、多発性動脈炎、リュウマチ性関節炎、乾せん、日焼け、湿疹、アレル ギー(例、喘息、アトピー性皮膚炎、アレルギー性鼻炎など)など)の治療薬、(13)神 経調節因子の産生・分泌に影響を及ぼすことから、例えば、痴呆症(例、アルツハイマー病 、アルツハイマー型老年期痴呆、血管性・多発性痴呆など)、精神分裂症、てんかん、うつ 病、一般不安障害、睡眠障害、多発性硬化症などの治療薬、(14)眼疾患(例、緑内障な ど)などの治療薬、(15)急性バクテリア髄膜炎、急性ウイルス脳炎、成人呼吸促迫症候 群、バクテリア肺炎、重症全身性真菌感染症、結核、脊髄損傷、骨折、肝不全、肺炎、アル コール性肝炎、A型肝炎、B型肝炎、C型肝炎、AIDS感染症、ヒトパピローマウイルス 感染症、インフルエンザ感染症、癌転移、多発性骨髄腫、骨軟化症、骨粗しょう症、骨ベー チェット症、腎炎、腎不全、敗血症、敗血症ショック、高カルシウム血症、高コレステロー ル血症、高グリセリド血症、高脂血症、全身性エリテマトーサス、一過性脳虚血発作、アル コール性肝炎などの予防・治療薬として有用であり、(16)臓器移植、火傷、創傷、脱毛 症などの治癒などにも用いられ、(17)慢性あるいは急性疼痛(例、術後疼痛、炎症性疼 痛、歯痛、骨疾患(例、関節炎、リウマチ、骨粗鬆症など)にともなう疼痛)の抑制・緩和 など、鎮痛剤としても有用である。

10

15

本発明の抗体を含有する上記疾患の治療・予防剤は、そのまま液剤として、または適当な 20 剤型の医薬組成物として、ヒトまたは哺乳動物(例、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど)に対して経口的または非経口的に投与することができる。投与量は、投与対象、対象疾患、症状、投与ルートなどによっても異なるが、例えば、成人の神経疾患患者の治療・予防のために使用する場合には、本発明の抗体を1回量として、通常0.01~20mg/kg体重程度、好ましくは0.1~10mg/kg体重程度、さらに好まし 25 くは0.1~5mg/kg体重程度を、1日1~5回程度、好ましくは1日1~3回程度、静脈注射により投与するのが好都合である。他の非経口投与および経口投与の場合もこれに準

ずる量を投与することができる。症状が特に重い場合には、その症状に応じて増量してもよい。

本発明の抗体は、それ自体または適当な医薬組成物として投与することができる。上記投与に用いられる医薬組成物は、上記またはその塩と薬理学的に許容され得る担体、希釈剤もしくは賦形剤とを含むものである。かかる組成物は、経口または非経口投与に適する剤形として提供される。

5

10

15

20

すなわち、例えば、経口投与のための組成物としては、固体または液体の剤形、具体的には錠剤(糖衣錠、フィルムコーティング錠を含む)、丸剤、顆粒剤、散剤、カプセル剤(ソフトカプセル剤を含む)、シロップ剤、乳剤、懸濁剤などがあげられる。かかる組成物は自体公知の方法によって製造され、製剤分野において通常用いられる担体、希釈剤もしくは賦形剤を含有するものである。例えば、錠剤用の担体、賦形剤としては、乳糖、でんぷん、蔗糖、ステアリン酸マグネシウムなどが用いられる。

非経口投与のための組成物としては、例えば、注射剤、坐剤などが用いられ、注射剤は静脈注射剤、皮下注射剤、皮内注射剤、筋肉注射剤、点滴注射剤などの剤形を包含する。かかる注射剤は、自体公知の方法に従って、例えば、上記抗体またはその塩を通常注射剤に用いられる無菌の水性もしくは油性液に溶解、懸濁または乳化することによって調製する。注射用の水性液としては、例えば、生理食塩水、ブドウ糖やその他の補助薬を含む等張液などが用いられ、適当な溶解補助剤、例えば、アルコール(例、エタノール)、ポリアルコール(例、プロピレングリコール、ポリエチレングリコール)、非イオン界面活性剤〔例、ポリソルベート80、HCO-50 (polyoxyethylene (50 mol) adduct of hydrogenated castor oil) 〕などと併用してもよい。油性液としては、例えば、ゴマ油、大豆油などが用いられ、溶解補助剤として安息香酸ベンジル、ベンジルアルコールなどを併用してもよい。調製された注射液は、通常、適当なアンプルに充填される。直腸投与に用いられる坐剤は、上記抗体またはその塩を通常の坐薬用基剤に混合することによって調製される。

25 上記の経口用または非経口用医薬組成物は、活性成分の投与量に適合するような投薬単位 の剤形に調製されることが好都合である。かかる投薬単位の剤形としては、錠剤、丸剤、カ プセル剤、注射剤(アンプル)、坐剤などが例示され、それぞれの投薬単位剤形当たり通常 $5\sim500\,\mathrm{mg}$ 、とりわけ注射剤では $5\sim100\,\mathrm{mg}$ 、その他の剤形では $10\sim250\,\mathrm{mg}$ の上記抗体が含有されていることが好ましい。

なお前記した各組成物は、上記抗体との配合により好ましくない相互作用を生じない限り 他の活性成分を含有してもよい。

(7) DNA転移動物

本発明は、外来性の本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質をコードする DNA (以下、本発明の外来性DNAと略記する) またはその変異DNA (本発明の外来性 変異DNAと略記する場合がある) を有する非ヒト哺乳動物を提供する。

10 すなわち、本発明は、

5

- (1) 本発明の外来性DNAまたはその変異DNAを有する非ヒト哺乳動物、
- (2) 非ヒト哺乳動物がゲッ歯動物である第(1)記載の動物
- (3) ゲッ歯動物がマウスまたはラットである第(2) 記載の動物、および
- (4) 本発明の外来性DNAまたはその変異DNAを含有し、哺乳動物において発現しうる 15 組換えベクターを提供するものである。

本発明の外来性DNAまたはその変異DNAを有する非ヒト哺乳動物(以下、本発明のDNA転移動物と略記する)は、未受精卵、受精卵、精子およびその始原細胞を含む胚芽細胞などに対して、好ましくは、非ヒト哺乳動物の発生における胚発生の段階(さらに好ましくは、単細胞または受精卵細胞の段階でかつ一般に8細胞期以前)に、リン酸カルシウム法、

- 20 電気パルス法、リポフェクション法、凝集法、マイクロインジェクション法、パーティクルガン法、DEAEーデキストラン法などにより目的とするDNAを転移することによって作出することができる。また、該DNA転移方法により、体細胞、生体の臓器、組織細胞などに目的とする本発明の外来性DNAを転移し、細胞培養、組織培養などに利用することもでき、さらに、これら細胞を上述の胚芽細胞と自体公知の細胞融合法により融合させることに
- 25 より本発明のDNA転移動物を作出することもできる。

非ヒト哺乳動物としては、例えば、ウシ、ブタ、ヒツジ、ヤギ、ウサギ、イヌ、ネコ、モ

ルモット、ハムスター、マウス、ラットなどが用いられる。なかでも、病体動物モデル系の作成の面から個体発生および生物サイクルが比較的短く、また、繁殖が容易なゲッ歯動物、とりわけマウス(例えば、純系として、C57BL/6系統,DBA2系統など、交雑系として、 $B6C3F_1$ 系統, BDF_1 系統, $B6D2F_1$ 系統,BALB/c系統,ICR系統など)またはラット(例えば、Wistar, SDなど)などが好ましい。

哺乳動物において発現しうる組換えベクターにおける「哺乳動物」としては、上記の非ヒト哺乳動物の他にヒトなどがあげられる。

5

15

20

本発明の外来性DNAとは、非ヒト哺乳動物が本来有している本発明のDNAではなく、いったん哺乳動物から単離・抽出された本発明のDNAをいう。

10 本発明の変異DNAとしては、元の本発明のDNAの塩基配列に変異(例えば、突然変異など)が生じたもの、具体的には、塩基の付加、欠損、他の塩基への置換などが生じたDNAなどが用いられ、また、異常DNAも含まれる。

該異常DNAとしては、異常な本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質を 発現させるDNAを意味し、例えば、正常な本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプタ 一蛋白質の機能を抑制するポリペプチドを発現させるDNAなどが用いられる。

本発明の外来性DNAは、対象とする動物と同種あるいは異種のどちらの哺乳動物由来のものであってもよい。本発明のDNAを対象動物に転移させるにあたっては、該DNAを動物細胞で発現させうるプロモーターの下流に結合したDNAコンストラクトとして用いるのが一般に有利である。例えば、本発明のヒトDNAを転移させる場合、これと相同性が高い本発明のDNAを有する各種哺乳動物(例えば、ウサギ、イヌ、ネコ、モルモット、ハムスター、ラット、マウスなど)由来のDNAを発現させうる各種プロモーターの下流に、本発明のヒトDNAを結合したDNAコンストラクト(例、ベクターなど)を対象哺乳動物の受精卵、例えば、マウス受精卵へマイクロインジェクションすることによって本発明のDNAを高発現するDNA転移哺乳動物を作出することができる。

25 本発明のポリペプチドの発現ベクターとしては、大腸菌由来のプラスミド、枯草菌由来のプラスミド、酵母由来のプラスミド、入ファージなどのバクテリオファージ、モロニー白血

病ウィルスなどのレトロウィルス、ワクシニアウィルスまたはバキュロウィルスなどの動物 ウイルスなどが用いられる。なかでも、大腸菌由来のプラスミド、枯草菌由来のプラスミド または酵母由来のプラスミドなどが好ましく用いられる。

上記のDNA発現調節を行なうプロモーターとしては、例えば、①ウイルス(例、シミア 5 ンウイルス、サイトメガロウイルス、モロニー白血病ウイルス、JCウイルス、乳癌ウイル ス、ポリオウイルスなど)に由来するDNAのプロモーター、②各種哺乳動物(ヒト、ウサ ギ、イヌ、ネコ、モルモット、ハムスター、ラット、マウスなど) 由来のプロモーター、例 えば、アルブミン、インスリンII、ウロプラキンII、エラスターゼ、エリスロポエチン 、エンドセリン、筋クレアチンキナーゼ、グリア線維性酸性タンパク質、グルタチオンS-トランスフェラーゼ、血小板由来成長因子eta、ケラチンK1, K10およびK14、コラー 10 ゲン I 型および I I 型、サイクリック AMP 依存タンパク質キナーゼ β I サブユニット、ジ ストロフィン、酒石酸抵抗性アルカリフォスファターゼ、心房ナトリウム利尿性因子、内皮 レセプターチロシンキナーゼ (一般にTie2と略される)、ナトリウムカリウムアデノシ ン3リン酸化酵素(Na, K-ATPase)、ニューロフィラメント軽鎖、メタロチオネ イン I および I I A、メタロプロティナーゼ1組織インヒビター、MHCクラス I 抗原(H 15 -2L)、H-ras、レニン、ドーパミン $\beta-$ 水酸化酵素、甲状腺ペルオキシダーゼ(TPO)、ポリペプチド鎖延長因子 $\mid \alpha$ (EF- $\mid \alpha$)、 β アクチン、 α および β ミオシン重 鎖、ミオシン軽鎖1および2、ミエリン基礎タンパク質、チログロブリン、Thy-1、免 疫グロブリン、H鎖可変部(VNP)、血清アミロイドPコンポーネント、ミオグロビン、 トロポニンC、平滑筋 α アクチン、プレプロエンケファリンA、バソプレシンなどのプロモ 20 ーターなどが用いられる。なかでも、全身で高発現することが可能なサイトメガロウイルス プロモーター、ヒトポリペプチド鎖延長因子 1α ($EF-1\alpha$)のプロモーター、ヒトおよ び二ワトリβアクチンプロモーターなどが好適である。

上記ベクターは、DNA転移哺乳動物において目的とするメッセンジャーRNAの転写を 25 終結する配列(一般にターミネターと呼ばれる)を有していることが好ましく、例えば、ウ イルス由来および各種哺乳動物由来の各DNAの配列を用いることができ、好ましくは、シ ミアンウイルスのSV40ターミネターなどが用いられる。

5

10

20

25

その他、目的とする外来性DNAをさらに高発現させる目的で各DNAのスプライシングシグナル、エンハンサー領域、真核DNAのイントロンの一部などをプロモーター領域の5 ・上流、プロモーター領域と翻訳領域間あるいは翻訳領域の3 下流 に連結することも目的により可能である。

正常な本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の翻訳領域は、ヒトまたは各種哺乳動物(例えば、ウサギ、イヌ、ネコ、モルモット、ハムスター、ラット、マウスなど)由来の肝臓、腎臓、甲状腺細胞、線維芽細胞由来DNAおよび市販の各種ゲノムDNAライブラリーよりゲノムDNAの全であるいは一部として、または肝臓、腎臓、甲状腺細胞、線維芽細胞由来RNAより公知の方法により調製された相補DNAを原料として取得することが出来る。また、外来性の異常DNAは、上記の細胞または組織より得られた正常なポリペプチドの翻訳領域を点突然変異誘発法により変異した翻訳領域を作製することができる

該翻訳領域は転移動物において発現しうるDNAコンストラクトとして、前記のプロモー 9-の下流および所望により転写終結部位の上流に連結させる通常のDNA工学的手法により作製することができる。

受精卵細胞段階における本発明の外来性DNAの転移は、対象哺乳動物の胚芽細胞および体細胞のすべてに存在するように確保される。DNA転移後の作出動物の胚芽細胞において、本発明の外来性DNAが存在することは、作出動物の後代がすべて、その胚芽細胞および体細胞のすべてに本発明の外来性DNAを保持することを意味する。本発明の外来性DNAを受け継いだこの種の動物の子孫はその胚芽細胞および体細胞のすべてに本発明の外来性DNAを有する。

本発明の外来性正常DNAを転移させた非ヒト哺乳動物は、交配により外来性DNAを安定に保持することを確認して、該DNA保有動物として通常の飼育環境で継代飼育することが出来る。

受精卵細胞段階における本発明の外来性DNAの転移は、対象哺乳動物の胚芽細胞および

体細胞の全てに過剰に存在するように確保される。DNA転移後の作出動物の胚芽細胞において本発明の外来性DNAが過剰に存在することは、作出動物の子孫が全てその胚芽細胞および体細胞の全てに本発明の外来性DNAを過剰に有することを意味する。本発明の外来性DNAを受け継いだこの種の動物の子孫はその胚芽細胞および体細胞の全てに本発明の外来性性DNAを過剰に有する。

導入DNAを相同染色体の両方に持つホモザイゴート動物を取得し、この雌雄の動物を交配することによりすべての子孫が該DNAを過剰に有するように繁殖継代することができる

5

本発明の正常DNAを有する非ヒト哺乳動物は、本発明の正常DNAが高発現させられて おり、内在性の正常DNAの機能を促進することにより最終的に本発明のポリペプチドまた は本発明のレセプター蛋白質の機能亢進症を発症することがあり、その病態モデル動物として利用することができる。例えば、本発明の正常DNA転移動物を用いて、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の機能亢進症や、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質が関連する疾患の病態機序の解明およびこれらの疾患の治療方法の検 討を行なうことが可能である。

また、本発明の外来性正常DNAを転移させた哺乳動物は、遊離した本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の増加症状を有することから、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質に関連する疾患に対する治療薬のスクリーニング試験にも利用可能である。

20 一方、本発明の外来性異常DNAを有する非ヒト哺乳動物は、交配により外来性DNAを 安定に保持することを確認して該DNA保有動物として通常の飼育環境で継代飼育すること が出来る。さらに、目的とする外来DNAを前述のプラスミドに組み込んで原科として用い ることができる。プロモーターとのDNAコンストラクトは、通常のDNA工学的手法によ って作製することができる。受精卵細胞段階における本発明の異常DNAの転移は、対象哺 25 乳動物の胚芽細胞および体細胞の全てに存在するように確保される。DNA転移後の作出動 物の胚芽細胞において本発明の異常DNAが存在することは、作出動物の子孫が全てその胚 芽細胞および体細胞の全てに本発明の異常DNAを有することを意味する。本発明の外来性 DNAを受け継いだこの種の動物の子孫は、その胚芽細胞および体細胞の全てに本発明の異 常DNAを有する。導入DNAを相同染色体の両方に持つホモザイゴート動物を取得し、この雌雄の動物を交配することによりすべての子孫が該DNAを有するように繁殖継代することができる。

5

10

15

25

本発明の異常DNAを有する非ヒト哺乳動物は、本発明の異常DNAが高発現させられており、内在性の正常DNAの機能を阻害することにより最終的に本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の機能不活性型不応症となることがあり、その病態モデル動物として利用することができる。例えば、本発明の異常DNA転移動物を用いて、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の機能不活性型不応症の病態機序の解明およびこの疾患を治療方法の検討を行なうことが可能である。

また、具体的な利用可能性としては、本発明の異常DNA高発現動物は、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の機能不活性型不応症における本発明の異常ポリペプチドによる正常ポリペプチドの機能阻害(dominant negative 作用)を解明するモデルとなる。

また、本発明の外来異常DNAを転移させた哺乳動物は、遊離した本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の増加症状を有することから、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の機能不活性型不応症に対する治療薬スクリーニング試験にも利用可能である。

- 20 また、上記2種類の本発明のDNA転移動物のその他の利用可能性として、例えば、 ①組織培養のための細胞源としての使用、
 - ②本発明のDNA転移動物の組織中のDNAもしくはRNAを直接分析するか、またはDNAにより発現されたポリペプチド組織を分析することによる、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質により特異的に発現あるいは活性化するポリペプチドとの関連性についての解析、
 - ③DNAを有する組織の細胞を標準組織培養技術により培養し、これらを使用して、一般に

培養困難な組織からの細胞の機能の研究、

- ④上記③記載の細胞を用いることによる細胞の機能を高めるような薬剤のスクリーニング、 および
- ⑤本発明の変異ポリペプチドを単離精製およびその抗体作製などが考えられる。
- 5 さらに、本発明のDNA転移動物を用いて、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の機能不活性型不応症などを含む、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質に関連する疾患の臨床症状を調べることができ、また、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質に関連する疾患モデルの各臓器におけるより詳細な病理学的所見が得られ、新しい治療方法の開発、さらには、該疾患による二次的疾患の研究および治療に貢献することができる。

また、本発明のDNA転移動物から各臓器を取り出し、細切後、トリプシンなどのタンパク質分解酵素により、遊離したDNA転移細胞の取得、その培養またはその培養細胞の系統化を行なうことが可能である。さらに、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質産生細胞の特定化、アポトーシス、分化あるいは増殖との関連性、またはそれらにおけるシグナル伝達機構を調べ、それらの異常を調べることなどができ、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質およびその作用解明のための有効な研究材料となる。

さらに、本発明のDNA転移動物を用いて、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の機能不活性型不応症を含む、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質に関連する疾患の治療薬の開発を行なうために、上述の検査法および定量法などを用いて、有効で迅速な該疾患治療薬のスクリーニング法を提供することが可能となる。また、本発明のDNA転移動物または本発明の外来性DNA発現ベクターを用いて、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質が関連する疾患のDNA治療法を検討、開発することが可能である。

(8) ノックアウト動物

15

20

25 本発明は、本発明のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞および本発明のDN A発現不全非ヒト哺乳動物を提供する。 すなわち、本発明は、

- (1) 本発明のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞、
- (2) 該DNAがレポーター遺伝子(例、大腸菌由来の β ガラクトシダーゼ遺伝子)を導入することにより不活性化された第(1)項記載の胚幹細胞、
- 5 (3)ネオマイシン耐性である第(1)項記載の胚幹細胞、
 - (4) 非ヒト哺乳動物がゲッ歯動物である第(1)項記載の胚幹細胞、
 - (5) ゲッ歯動物がマウスである第(4) 項記載の胚幹細胞、
 - (6) 本発明のDNAが不活性化された該DNA発現不全非ヒト哺乳動物、
- (7) 該DNAがレポーター遺伝子(例、大腸菌由来のβーガラクトシダーゼ遺伝子)を導
 10 入することにより不活性化され、該レポーター遺伝子が本発明のDNAに対するプロモータ
 ーの制御下で発現しうる第(6)項記載の非ヒト哺乳動物、
 - (8) 非ヒト哺乳動物がゲッ歯動物である第(6) 項記載の非ヒト哺乳動物、
 - (9) ゲッ歯動物がマウスである第(8) 項記載の非ヒト哺乳動物、および
- (10)第(7)項記載の動物に、試験化合物を投与し、レポーター遺伝子の発現を検出す 3ことを特徴とする本発明のDNAに対するプロモーター活性を促進または阻害する化合物 またはその塩のスクリーニング方法を提供する。

本発明のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞とは、該非ヒト哺乳動物が有する本発明のDNAに人為的に変異を加えることにより、DNAの発現能を抑制するか、もしくは該DNAがコードしている本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の活 性を実質的に喪失させることにより、DNAが実質的に本発明のポリペプチドのまたは本発明のレセプター蛋白質発現能を有さない(以下、本発明のノックアウトDNAと称することがある)非ヒト哺乳動物の胚幹細胞(以下、ES細胞と略記する)をいう。

非ヒト哺乳動物としては、前記と同様のものが用いられる。

本発明のDNAに人為的に変異を加える方法としては、例えば、遺伝子工学的手法により 該DNA配列の一部又は全部の削除、他DNAを挿入または置換させることによって行なう ことができる。これらの変異により、例えば、コドンの読み取り枠をずらしたり、プロモー

ターあるいはエキソンの機能を破壊することにより本発明のノックアウトDNAを作製すれ ばよい。

本発明のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞(以下、本発明のDNA不活性 化ES細胞または本発明のノックアウトES細胞と略記する)の具体例としては、例えば、 5 目的とする非ヒト哺乳動物が有する本発明のDNAを単離し、そのエキソン部分にネオマイ シン耐性遺伝子、ハイグロマイシン耐性遺伝子を代表とする薬剤耐性遺伝子、あるいは1a $cZ(\beta- j)$ ラクトシダーゼ遺伝子)、 $cat(\rho p)$ ラムフェニコールアセチルトランスフ エラーゼ遺伝子) を代表とするレポーター遺伝子等を挿入することによりエキソンの機能を 破壊するか、あるいはエキソン間のイントロン部分に遺伝子の転写を終結させるDNA配列 10 (例えば、poly A付加シグナルなど)を挿入し、完全なメッセンジャーRNAを合成できな くすることによって、結果的に遺伝子を破壊するように構築したDNA配列を有するDNA 鎖(以下、ターゲッティングベクターと略記する)を、例えば相同組換え法により該動物の 染色体に導入し、得られたES細胞について本発明のDNA上あるいはその近傍のDNA配 列をプローブとしたサザンハイブリダイゼーション解析あるいはターゲッティングベクター 15 上のDNA配列とターゲッティングベクター作製に使用した本発明のDNA以外の近傍領域 のDNA配列をプライマーとしたPCR法により解析し、本発明のノックアウトES細胞を 選別することにより得ることができる。

また、相同組換え法等により本発明のDNAを不活化させる元のES細胞としては、例え ば、前述のような既に樹立されたものを用いてもよく、また公知 Evans と Kaufma の方法に 20 準じて新しく樹立したものでもよい。例えば、マウスのES細胞の場合、現在、一般的には 129系のES細胞が使用されているが、免疫学的背景がはっきりしていないので、これに 代わる純系で免疫学的に遺伝的背景が明らかなES細胞を取得するなどの目的で例えば、C 57BL/6マウスやC57BL/6の採卵数の少なさをDBA/2との交雑により改善し たBDF1マウス(C57BL/6とDBA/2とのF1)を用いて樹立したものなども良 好に用いうる。BDF1マウスは、採卵数が多く、かつ、卵が丈夫であるという利点に加え て、C57BL/6マウスを背景に持つので、これを用いて得られたES細胞は病態モデル

25

マウスを作出したとき、C57BL/6マウスとバッククロスすることでその遺伝的背景をC57BL/6マウスに代えることが可能である点で有利に用い得る。

また、ES細胞を樹立する場合、一般には受精後3.5日目の胚盤胞を使用するが、これ以外に8細胞期胚を採卵し胚盤胞まで培養して用いることにより効率よく多数の初期胚を取得することができる。

5

また、雌雄いずれのES細胞を用いてもよいが、通常雄のES細胞の方が生殖系列キメラを作出するのに都合が良い。また、煩雑な培養の手間を削減するためにもできるだけ早く雌雄の判別を行なうことが望ましい。

ES細胞の雌雄の判定方法としては、例えば、PCR法によりY染色体上の性決定領域の 遺伝子を増幅、検出する方法が、その1例としてあげることができる。この方法を使用すれ ば、従来、核型分析をするのに約10⁶個の細胞数を要していたのに対して、1コロニー程 度のES細胞数(約50個)で済むので、培養初期におけるES細胞の第一次セレクション を雌雄の判別で行なうことが可能であり、早期に雄細胞の選定を可能にしたことにより培養 初期の手間は大幅に削減できる。

- 15 また、第二次セレクションとしては、例えば、G-バンディング法による染色体数の確認等により行うことができる。得られるES細胞の染色体数は正常数の100%が望ましいが、樹立の際の物理的操作等の関係上困難な場合は、ES細胞の遺伝子をノックアウトした後、正常細胞(例えば、マウスでは染色体数が2n=40である細胞)に再びクローニングすることが望ましい。
- 20 このようにして得られた胚幹細胞株は、通常その増殖性は大変良いが、個体発生できる能力を失いやすいので、注意深く継代培養することが必要である。例えば、STO繊維芽細胞のような適当なフィーダー細胞上でLIF(1-10000U/ml)存在下に炭酸ガス培養器内(好ましくは、5%炭酸ガス、95%空気または5%酸素、5%炭酸ガス、90%空気)で約37℃で培養するなどの方法で培養し、継代時には、例えば、トリプシン/EDTA溶液(通常0.001-0.5%トリプシン/0.1-5mM EDTA、好ましくは約0.1%トリプシン/1mM EDTA)処理により単細胞化し、新たに用意したフィーダー細胞上に播

種する方法などがとられる。このような継代は、通常1-3日毎に行なうが、この際に細胞 の観察を行い、形態的に異常な細胞が見受けられた場合はその培養細胞は放棄することが望 まれる。

ES細胞は、適当な条件により、高密度に至るまで単層培養するか、または細胞集塊を形 5 成するまで浮遊培養することにより、頭頂筋、内臓筋、心筋などの種々のタイプの細胞に分 化させることが可能であり (M. J. Evans 及び M. H. Kaufman, ネイチャー (Nature) 第292 巻、154 頁、1981 年; G. R. Martin プロシーディングス・オブ・ナショナル・アカデミー ・オブ・サイエンス・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A.) 第78巻、7634頁、 1981年; T. C. Doetschman ら、ジャーナル・オブ・エンブリオロジー・アンド・エクスペ リメンタル・モルフォロジー、第87巻、27頁、1985年〕、本発明のES細胞を分化させて 得られる本発明のDNA発現不全細胞は、インビトロにおける本発明のポリペプチドまたは 本発明のレセプター蛋白質の細胞生物学的検討において有用である。

本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物は、該動物のmRNA量を公知方法を用いて測定 して間接的にその発現量を比較することにより、正常動物と区別することが可能である。

15 該非ヒト哺乳動物としては、前記と同様のものが用いられる。

10

20

本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物は、例えば、前述のようにして作製したターゲッ ティングベクターをマウス胚幹細胞またはマウス卵細胞に導入し、導入によりターゲッティ ングベクターの本発明のDNAが不活性化されたDNA配列が遺伝子相同組換えにより、マ ウス胚幹細胞またはマウス卵細胞の染色体上の本発明のDNAと入れ換わる相同組換えをさ せることにより、本発明のDNAをノックアウトさせることができる。

本発明のDNAがノックアウトされた細胞は、本発明のDNA上またはその近傍のDNA 配列をプローブとしたサザンハイブリダイゼーション解析またはターゲッティングベクター 上のDNA配列と、ターゲッティングベクターに使用したマウス由来の本発明のDNA以外 の近傍領域のDNA配列とをプライマーとしたPCR法による解析で判定することができる 。非ヒト哺乳動物胚幹細胞を用いた場合は、遺伝子相同組換えにより、本発明のDNAが不 25 活性化された細胞株をクローニングし、その細胞を適当な時期、例えば、8細胞期の非ヒト

哺乳動物胚または胚盤胞に注入し、作製したキメラ胚を偽妊娠させた該非ヒト哺乳動物の子宮に移植する。作出された動物は正常な本発明のDNA座をもつ細胞と人為的に変異した本発明のDNA座をもつ細胞との両者から構成されるキメラ動物である。

該キメラ動物の生殖細胞の一部が変異した本発明のDNA座をもつ場合、このようなキメラ個体と正常個体を交配することにより得られた個体群より、全ての組織が人為的に変異を加えた本発明のDNA座をもつ細胞で構成された個体を、例えば、コートカラーの判定等により選別することにより得られる。このようにして得られた個体は、通常、本発明のポリペプチドのヘテロ発現不全個体であり、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質のヘテロ発現不全個体同志を交配し、それらの産仔から本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質のホモ発現不全個体を得ることができる。

5

10

15

卵細胞を使用する場合は、例えば、卵細胞核内にマイクロインジェクション法でDNA溶液を注入することによりターゲッティングベクターを染色体内に導入したトランスジェニック非ヒト哺乳動物を得ることができ、これらのトランスジェニック非ヒト哺乳動物に比べて、遺伝子相同組換えにより本発明のDNA座に変異のあるものを選択することにより得られる。

このようにして本発明のDNAがノックアウトされている個体は、交配により得られた動物個体も該DNAがノックアウトされていることを確認して通常の飼育環境で飼育継代を行なうことができる。

さらに、生殖系列の取得および保持についても常法に従えばよい。すなわち、該不活化D NAの保有する雌雄の動物を交配することにより、該不活化DNAを相同染色体の両方に持つホモザイゴート動物を取得しうる。得られたホモザイゴート動物は、母親動物に対して、正常個体1,ホモザイゴート複数になるような状態で飼育することにより効率的に得ることができる。ヘテロザイゴート動物の雌雄を交配することにより、該不活化DNAを有するホモザイゴートおよびヘテロザイゴート動物を繁殖継代する。

25 本発明のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞は、本発明のDNA発現不全非 ヒト哺乳動物を作出する上で、非常に有用である。 また、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物は、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質により誘導され得る種々の生物活性を欠失するため、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の生物活性の不活性化を原因とする疾病のモデルとなり得るので、これらの疾病の原因究明及び治療法の検討に有用である。

5 (8 a) 本発明のDNAの欠損や損傷などに起因する疾病に対して治療・予防効果を有する 化合物のスクリーニング方法

本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物は、本発明のDNAの欠損や損傷などに起因する 疾病に対して治療・予防効果を有する化合物のスクリーニングに用いることができる。

すなわち、本発明は、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物に試験化合物を投与し、該 10 動物の変化を観察・測定することを特徴とする、本発明のDNAの欠損や損傷などに起因す る疾病に対して治療・予防効果を有する化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供す る。

該スクリーニング方法において用いられる本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物として、 は、前記と同様のものがあげられる。

15 試験化合物としては、例えば、ペプチド、タンパク、非ペプチド性化合物、合成化合物、 発酵生産物、細胞抽出液、植物抽出液、動物組織抽出液、血漿などがあげられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

具体的には、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物を、試験化合物で処理し、無処理の 対照動物と比較し、該動物の各器官、組織、疾病の症状などの変化を指標として試験化合物 の治療・予防効果を試験することができる。

20

試験動物を試験化合物で処理する方法としては、例えば、経口投与、静脈注射などが用いられ、試験動物の症状、試験化合物の性質などにあわせて適宜選択す

ることができる。また、試験化合物の投与量は、投与方法、試験化合物の性質などにあわせ て適宜選択することができる。

25 **例えば、高血圧、自己免疫疾患、心不全、白内障、緑内障、急性**バクテリア髄膜炎,急性 心筋梗塞,急性膵炎、急性ウイルス脳炎、成人呼吸促迫症候群、アルコール性肝炎、アルツ

ハイマー病、喘息、動脈硬化、アトピー性皮膚炎、バクテリア肺炎、膀胱がん、骨折、乳が ん、過食症、多食症、火傷治癒、子宮頸部がん、慢性リンパ性白血病、慢性骨髄性白血病、 慢性膵炎,肝硬変,大腸がん(結腸/直腸がん),クローン病,痴呆,糖尿病性合併症,糖 尿病性腎症、糖尿病性神経障害、糖尿病性網膜症、胃炎、ヘリコバクター・ピロリ感染症、 肝不全、A型肝炎、B型肝炎、C型肝炎、肝炎、単純ヘルペスウイルス感染症、水痘帯状疱 5 疹ウイルス感染症、ホジキン病、エイズ感染症、ヒトパピローマウイルス感染症、高カルシ ウム血症、高コレステロール血症、高グリセリド血症、高脂血症、感染症、インフルエンザ 感染症, インシュリン依存性糖尿病 (I型), 侵襲性ブドウ状球菌感染症, 悪性黒色腫, が ん転移、多発性骨髄腫、アレルギー性鼻炎、腎炎、非ホジキン性リンパ腫、インシュリン非 依存性糖尿病 (II型), 非小細胞肺がん, 臓器移植, 骨関節炎, 骨軟化症, 骨減少症, 骨粗 10 鬆症、卵巣がん、骨ペーチェット病、消化性潰瘍、末梢血管疾患、前立腺がん、逆流性食道 炎、腎不全、リウマチ関節炎、精神分裂症、敗血症、敗血症ショック、重症全身性真菌感染 症、小細胞肺がん、脊髄損傷、胃がん、全身性エリテマトーサス、一過性脳虚血発作、結核 ,心弁膜症,血管性/多発梗塞痴呆,創傷治癒,不眠症,関節炎、下垂体ホルモン分泌不全 15 、瀕尿、尿毒症、または神経変成疾患等に対して治療・予防効果を有する化合物、または MACULAR EDEMA CYSTOID (嚢胞状黄斑浮腫) に対して治療・予防効果を有する化合物、さら には、

(1) 先端巨大症、TSH産生腫瘍、非分泌性(非機能性)下垂体腫瘍、異所性ACTH(アドレノコルチコトロピン)産生腫瘍、髄様甲状腺癌、VIP産生腫瘍、グルカゴン産生腫の場。ガストリン産生腫瘍、インスリノーマ、カルチノイドなどの腫瘍の治療薬、(2)インスリン依存性または非依存性糖尿病、あるいはこれら糖尿病に関連した種々の疾患、すなわち糖尿病合併症(例、糖尿病性網膜症、糖尿病性腎症、糖尿病性神経障害、ドーン症候群、起立性低血圧症など)の治療薬、(3)高インスリン血症の改善または食欲の抑制などによる肥満、過食症などの治療薬、(4)急性膵炎、慢性膵炎、膵臓・腸フィステル、出血性潰瘍、消化性潰瘍、胃炎、胃酸過多症、逆流性食道炎などの治療薬、(5)ヘリコバクター・ピロリ菌感染に伴う様々な症状の改善剤(例、ガストリン分泌昂進の抑制剤など)、(6)

内視鏡胆道膵管造影に伴うアミラーゼの分泌抑制剤、さらには膵臓外科手術の予後治療薬、 (7) 小腸の吸収能低下、分泌昂進または消化管の運動能異常に起因する下痢(例、Sho bowe l 症候群など)、癌化学療法などの薬物に起因する下痢、先天性小腸萎縮に 起因する下痢、VIP産生腫瘍などの神経内分泌腫瘍に起因する下痢、AIDSに起因する 下痢、骨髄移植などに伴う対宿主移植片反応に起因する下痢、糖尿病に起因する下痢、腹腔 神経叢遮断に起因する下痢、全身性硬化症に起因する下痢、好酸球増加症に起因する下痢な どの治療薬、(8)ダンピング症候群、過敏性大腸炎、クローン病、炎症性腸疾患などの治 療薬、(9)腫瘍または癌(例、甲状腺癌、大腸癌、乳癌、前立腺癌、小細胞肺癌、非小細 胞肺癌、膵臓癌、胃癌、胆管癌、肝臓癌、膀胱癌、卵巣癌、メラノーマ、骨肉腫、軟骨肉腫 10 、悪性褐色細胞腫、神経芽細胞腫、脳腫瘍、胸腺腫、腎臓癌など)、白血病(例、好塩基性 白血球の白血病・慢性リンパ性白血病、慢性骨髄性白血病、ホジキン病、非ホジキン性リン パ腫など)などの治療薬;該治療薬は、単独または他の制癌剤(例、タモキシフエン、LH RHアゴニスト、LHRHアンタゴニスト、インターフェロン $-\alpha$ 、 β および γ 、インター ロイキン-2など)と併用して用いることができる、(10)肥大性心筋症、動脈硬化症、 15 心弁膜症、心筋梗塞(特に、経皮経管冠動脈形成術後の心解梗塞)、再血管形成の予防・治 (11) 食道静脈癌出血、肝硬変、末梢血管疾患の治療薬、(12) 免疫系に作用す る生理活性物質(例、サブスタンスP、タヒキニン、サイトカインなど)の分泌の調節作用 に基づき、例えば、全身性または局所性の炎症に伴う疾患(例、多発性動脈炎、リュウマチ 性関節炎、乾せん、日焼け、湿疹、アレルギー(例、喘息、アトピー性皮膚炎、アレルギー 性鼻炎など) など) の治療薬、(13) 神経調節因子の産生・分泌に影響を及ぼすことから 20 、例えば、痴呆症(例、アルツハイマー病、アルツハイマー型老年期痴呆、血管性・多発性 痴呆など)、精神分裂症、てんかん、うつ病、一般不安障害、睡眠障害、多発性硬化症など の治療薬、(14)眼疾患(例、緑内障など)などの治療薬、(15)急性バクテリア髄膜 炎、急性ウイルス脳炎、成人呼吸促迫症候群、バクテリア肺炎、重症全身性真菌感染症、結 25 核、脊髄損傷、骨折、肝不全、肺炎、アルコール性肝炎、A型肝炎、B型肝炎、C型肝炎、 AIDS感染症、ヒトパピローマウイルス感染症、インフルエンザ感染症、癌転移、多発性

骨髄腫、骨軟化症、骨粗しょう症、骨ベーチェット症、腎炎、腎不全、敗血症、敗血症ショック、高カルシウム血症、高コレステロール血症、高グリセリド血症、高脂血症、全身性エリテマトーサス、一過性脳虚血発作、アルコール性肝炎などの予防・治療薬として有用であり、(16)臓器移植、火傷、創傷、脱毛症などの治癒などにも用いられ、(17)慢性あるいは急性疼痛(例、術後疼痛、炎症性疼痛、歯痛、骨疾患(例、関節炎、リウマチ、骨粗鬆症など)にともなう疼痛)の抑制・緩和など、鎮痛剤等をスクリーニングする場合、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物に糖負荷処置を行ない、糖負荷処置前または処置後に試験化合物を投与し、該動物の血糖値および体重変化などを経時的に測定する。

5

15

該スクリーニング方法において、試験動物に試験化合物を投与した場合、該試験動物の血 10 糖値が約10%以上、好ましくは約30%以上、より好ましくは約50%以上低下した場合 、該試験化合物を上記の疾患に対して治療・予防効果を有する化合物として選択することが できる。

該スクリーニング方法を用いて得られる化合物は、上記した試験化合物から選ばれた化合物であり、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の欠損や損傷などによって引き起こされる疾患に対して治療・予防効果を有するので、該疾患に対する安全で低毒性な治療・予防剤などの医薬として使用することができる。さらに、上記スクリーニングで得られた化合物から誘導される化合物も同様に用いることができる。

該スクリーニング方法で得られた化合物は塩を形成していてもよく、該化合物の塩としては、生理学的に許容される酸(例、無機酸、有機酸など)や塩基(例、アルカリ金属など)などとの塩が用いられ、とりわけ生理学的に許容される酸付加塩が好ましい。この様な塩としては、例えば、無機酸(例えば、塩酸、リン酸、臭化水素酸、硫酸など)との塩、あるいは有機酸(例えば、酢酸、ギ酸、プロピオン酸、フマル酸、マレイン酸、コハク酸、酒石酸、クエン酸、リンゴ酸、蓚酸、安息香酸、メタンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸など)との塩などが用いられる。

25 該スクリーニング方法で得られた化合物またはその塩を含有する医薬は、前記した本発明 のポリペプチドを含有する医薬と同様にして製造することができる。 このようにして得られる製剤は、安全で低毒性であるので、例えば、ヒトまたは哺乳動物 (例えば、ラット、マウス、モルモット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ウマ、ネコ、イヌ 、サルなど) に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、対象疾患、投与対象、投与ルートなどにより差異はあるが、例えば、該化合物を経口投与する場合、一般的に成人(体重60kgとして)においては、一日につき該化合物を約0.1~100mg、好ましくは約1.0~50mg、より好ましくは約1.0~20mg投与する。非経口的に投与する場合は、該化合物の1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、該化合物を注射剤の形で通常成人(60kgとして)に投与する場合、一日につき該化合物を約0.01~30mg程度、好ましくは約0.1~20mg程度、より好ましくは約0.1~10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

(8b) 本発明のDNAに対するプロモーターの活性を促進または阻害する化合物をスクリーニング方法

15 本発明は、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物に、試験化合物を投与し、レポーター 遺伝子の発現を検出することを特徴とする本発明のDNAに対するプロモーターの活性を促 進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。

上記スクリーニング方法において、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物としては、前記した本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物の中でも、本発明のDNAがレポーター遺伝子を導入することにより不活性化され、該レポーター遺伝子が本発明のDNAに対するプロモーターの制御下で発現しうるものが用いられる。

試験化合物としては、前記と同様のものがあげられる。

5

10

20

25

レポーター遺伝子としては、前記と同様のものが用いられ、βーガラクトシダーゼ遺伝子 (1 a c Z) 、可溶性アルカリフォスファターゼ遺伝子またはルシフェラーゼ遺伝子などが 好適である。

本発明のDNAをレポーター遺伝子で置換された本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物

では、レポーター遺伝子が本発明のDNAに対するプロモーターの支配下に存在するので、 レポーター遺伝子がコードする物質の発現をトレースすることにより、プロモーターの活性 を検出することができる。

例えば、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質をコードするDNA領域 の一部を大腸菌由来のβ-ガラクトシダーゼ遺伝子(1 a c Z)で置換している場合、本来 5 、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の発現する組織で、本発明のポリ ペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の代わりに β -ガラクトシダーゼが発現する。従 って、例えば、5 ープロモー4 ークロロー3 ーインドリルーβ ーガラクトピラノシド (Xgal) のような β -ガラクトシダーゼの基質となる試薬を用いて染色することにより、簡 10 便に本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の動物生体内における発現状態 を観察することができる。具体的には、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋 白質欠損マウスまたはその組織切片をグルタルアルデヒドなどで固定し、リン酸緩衝生理食 塩液(PBS)で洗浄後、X-galを含む染色液で、室温または37℃付近で、約30分 ないし1時間反応させた後、組織標本を1mM EDTA/PBS溶液で洗浄することによ って、βーガラクトシダーゼ反応を停止させ、呈色を観察すればよい。また、常法に従い、 15 lacZをコードするmRNAを検出してもよい。

上記スクリーニング方法を用いて得られる化合物またはその塩は、上記した試験化合物から選ばれた化合物であり、本発明のDNAに対するプロモーター活性を促進または阻害する化合物である。

該スクリーニング方法で得られた化合物は塩を形成していてもよく、該化合物の塩としては、生理学的に許容される酸(例、無機酸など)や塩基(例、有機酸など)などとの塩が用いられ、とりわけ生理学的に許容される酸付加塩が好ましい。この様な塩としては、例えば、無機酸(例えば、塩酸、リン酸、臭化水素酸、硫酸など)との塩、あるいは有機酸(例えば、酢酸、ギ酸、プロピオン酸、フマル酸、マレイン酸、コハク酸、酒石酸、クエン酸、リンゴ酸、蓚酸、安息香酸、メタンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸など)との塩などが用いられる。

本発明のDNAに対するプロモーター活性を促進または阻害する化合物またはその塩は、 本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質の発現を促進または阻害し、該ポリ ペプチドまたはレセプター蛋白質の機能を促進または阻害することができるので、例えば、 高血圧、自己免疫疾患、心不全、白内障、緑内障、急性バクテリア髄膜炎、急性心筋梗塞、 急性膵炎、急性ウイルス脳炎、成人呼吸促迫症候群、アルコール性肝炎、アルツハイマー病 ,喘息,動脈硬化,アトピー性皮膚炎,バクテリア肺炎,膀胱がん,骨折,乳がん,過食症 ,多食症,火傷治癒,子宮頸部がん,慢性リンパ性白血病,慢性骨髄性白血病,慢性膵炎, 肝硬変、大腸がん(結腸/直腸がん)、クローン病、痴呆、糖尿病性合併症、糖尿病性腎症 , 糖尿病性神経障害, 糖尿病性網膜症, 胃炎, ヘリコバクター・ピロリ感染症, 肝不全, A 型肝炎、B型肝炎、C型肝炎、肝炎、単純ヘルペスウイルス感染症、水痘帯状疱疹ウイルス 10 感染症、ホジキン病、エイズ感染症、ヒトパピローマウイルス感染症、高カルシウム血症、 高コレステロール血症,高グリセリド血症,高脂血症,感染症,インフルエンザ感染症,イ ンシュリン依存性糖尿病(Ⅰ型),侵襲性ブドウ状球菌感染症,悪性黒色腫,がん転移,多 発性骨髄腫、アレルギー性鼻炎、腎炎、非ホジキン性リンパ腫、インシュリン非依存性糖尿 病([[型), 非小細胞肺がん, 臓器移植, 骨関節炎, 骨軟化症, 骨減少症, 骨粗鬆症, 卵巣 15 がん、骨ペーチェット病、消化性潰瘍、末梢血管疾患、前立腺がん、逆流性食道炎、腎不全 ,リウマチ関節炎,精神分裂症,敗血症,敗血症ショック,重症全身性真菌感染症,小細胞 肺がん、脊髄損傷、胃がん、全身性エリテマトーサス、一過性脳虚血発作、結核、心弁膜症 ,血管性/多発梗塞痴呆,創傷治癒,不眠症,関節炎、下垂体ホルモン分泌不全、瀕尿、尿 毒症、または神経変成疾患等の疾病に対する安全で低毒性な治療・予防剤などの医薬として 20 有用である。

また、本発明のDNAに対するプロモーター活性を促進または阻害する化合物またはその 塩は、MACULAR EDEMA CYSTOID(嚢胞状黄斑浮腫)に対する安全で低毒性な治療・予防剤など の医薬として有用である。

25 さらに、本発明のDNAに対するプロモーター活性を促進または阻害する化合物またはその 塩は、(1) 先端巨大症、TSH産生腫瘍、非分泌性(非機能性)下垂体腫瘍、異所性AC

TH(アドレノコルチコトロピン)産生腫瘍、髄様甲状腺癌、VIP産生腫瘍、グルカゴン 産生腫瘍、ガストリン産生腫瘍、インスリノーマ、カルチノイドなどの腫瘍の治療薬、 (2)インスリン依存性または非依存性糖尿病、あるいはこれら糖尿病に関連した種々の疾患、 すなわち糖尿病合併症(例、糖尿病性網膜症、糖尿病性腎症、糖尿病性神経障害、ドーン症 候群、起立性低血圧症など)の治療薬、(3)高インスリン血症の改善または食欲の抑制な 5 どによる肥満、過食症などの治療薬、(4)急性膵炎、慢性膵炎、膵臓・腸フィステル、出 血性潰瘍、消化性潰瘍、胃炎、胃酸過多症、逆流性食道炎などの治療薬、(5) ヘリコバク ター・ピロリ菌感染に伴う様々な症状の改善剤(例、ガストリン分泌昂進の抑制剤など)、 (6) 内視鏡胆道膵管造影に伴うアミラーゼの分泌抑制剤、さらには膵臓外科手術の予後治 療薬、(7)小腸の吸収能低下、分泌昂進または消化管の運動能異常に起因する下痢(例、 10 Short bowel症候群など)、癌化学療法などの薬物に起因する下痢、先天性小腸 萎縮に起因する下痢、VIP産生腫瘍などの神経内分泌腫瘍に起因する下痢、AIDSに起 因する下痢、骨髄移植などに伴う対宿主移植片反応に起因する下痢、糖尿病に起因する下痢 、腹腔神経叢遮断に起因する下痢、全身性硬化症に起因する下痢、好酸球増加症に起因する 下痢などの治療薬、(8)ダンピング症候群、過敏性大腸炎、クローン病、炎症性腸疾患な どの治療薬、(9)腫瘍または癌(例、甲状腺癌、大腸癌、乳癌、前立腺癌、小細胞肺癌、 非小細胞肺癌、膵臓癌、胃癌、胆管癌、肝臓癌、膀胱癌、卵巣癌、メラノーマ、骨肉腫、軟 骨肉腫、悪性褐色細胞腫、神経芽細胞腫、脳腫瘍、胸腺腫、腎臓癌など)、白血病(例、好 塩基性白血球の白血病・慢性リンパ性白血病、慢性骨髄性白血病、ホジキン病、非ホジキン 性リンパ腫など)などの治療薬;該治療薬は、単独または他の制癌剤(例、タモキシフエン 、LHRHアゴニスト、LHRHアンタゴニスト、インターフェロンーlpha、etaおよび γ 、イ ンターロイキン-2など)と併用して用いることができる、(10)肥大性心筋症、動脈硬 化症、心弁膜症、心筋梗塞(特に、経皮経管冠動脈形成術後の心解梗塞)、再血管形成の予 防・治療薬、(11)食道静脈癌出血、肝硬変、末梢血管疾患の治療薬、(12)免疫系に 作用する生理活性物質(例、サプスタンスP、タヒキニン、サイトカインなど)の分泌の調 節作用に基づき、例えば、全身性または局所性の炎症に伴う疾患(例、多発性動脈炎、リュ

15

20

25

ウマチ性関節炎、乾せん、日焼け、湿疹、アレルギー(例、喘息、アトピー性皮膚炎、アレ ルギー性鼻炎など)など)の治療薬、(13)神経調節因子の産生・分泌に影響を及ぼすこ とから、例えば、痴呆症(例、アルツハイマー病、アルツハイマー型老年期痴呆、血管性・ 多発性痴呆など)、精神分裂症、てんかん、うつ病、一般不安障害、睡眠障害、多発性硬化 症などの治療薬、(14)眼疾患(例、緑内障など)などの治療薬、(15)急性バクテリ ア髄膜炎、急性ウイルス脳炎、成人呼吸促迫症候群、バクテリア肺炎、重症全身性真菌感染 症、結核、脊髄損傷、骨折、肝不全、肺炎、アルコール性肝炎、A型肝炎、B型肝炎、C型 肝炎、AIDS感染症、ヒトパピローマウイルス感染症、インフルエンザ感染症、癌転移、 多発性骨髄腫、骨軟化症、骨粗しょう症、骨ベーチェット症、腎炎、腎不全、敗血症、敗血 症ショック、高カルシウム血症、高コレステロール血症、高グリセリド血症、高脂血症、全 身性エリテマトーサス、一過性脳虚血発作、アルコール性肝炎などの予防・治療薬として有 用であり、(16)臓器移植、火傷、創傷、脱毛症などの治癒などにも用いられ、(17) 慢性あるいは急性疼痛(例、術後疼痛、炎症性疼痛、歯痛、骨疾患(例、関節炎、リウマチ 、骨粗鬆症など)にともなう疼痛)の抑制・緩和など、鎮痛剤等の疾病に対する安全で低毒 性な治療・予防剤などの医薬として有用である。 さらに、上記スクリーニングで得られた 化合物から誘導される化合物も同様に用いることができる。

10

15

25

該スクリーニング方法で得られた化合物またはその塩を含有する医薬は、前記した本発明 のポリペプチドまたはその塩を含有する医薬と同様にして製造することができる。

このようにして得られる製剤は、安全で低毒性であるので、例えば、ヒトまたは哺乳動物 20 (例えば、ラット、マウス、モルモット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ウマ、ネコ、イヌ、サルなど) に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、対象疾患、投与対象、投与ルートなどにより差異はあるが、例えば、本発明のDNAに対するプロモーター活性を促進する化合物を経口投与する場合、一般的に成人(体重60kgとして)においては、一日につき該化合物を約 $0.1\sim100$ mg、好ましくは約 $1.0\sim50$ mg、より好ましくは約 $1.0\sim20$ mg投与する。非経口的に投与する場合は、該化合物の1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異

なるが、例えば、本発明のDNAに対するプロモーター活性を促進する化合物を注射剤の形で通常成人(60 kgとして)に投与する場合、一日につき該化合物を約 $0.01\sim30 \text{ m}$ g程度、好ましくは約 $0.1\sim20 \text{ mg}$ 程度、より好ましくは約 $0.1\sim10 \text{ mg}$ 程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60 kg当たりに換算した量を投与することができる。

5

10

20

25

一方、例えば、本発明のDNAに対するプロモーター活性を阻害する化合物を経口投与する場合、一般的に成人(体重60kgとして)においては、一日につき該化合物を約0.1~100mg、好ましくは約1.0~50mg、より好ましくは約1.0~20mg投与する。非経口的に投与する場合は、該化合物の1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、本発明のDNAに対するプロモーター活性を阻害する化合物を注射剤の形で通常成人(60kgとして)に投与する場合、一日につき該化合物を約0.01~30mg程度、好ましくは約0.1~20mg程度、より好ましくは約0.1~10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

15 このように、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物は、本発明のDNAに対するプロモーターの活性を促進または阻害する化合物またはその塩をスクリーニングする上で極めて有用であり、本発明のDNA発現不全に起因する各種疾患の原因究明または予防・治療薬の開発に大きく貢献することができる。

また、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質のプロモーター領域を含有するDNAを使って、その下流に種々のタンパクをコードする遺伝子を連結し、これを動物の卵細胞に注入していわゆるトランスジェニック動物(遺伝子移入動物)を作成すれば、特異的にそのポリペプチドまたは蛋白質を合成させ、その生体での作用を検討することも可能となる。さらに上記プロモーター部分に適当なレポータ遺伝子を結合させ、これが発現するような細胞株を樹立すれば、本発明のポリペプチドまたは本発明のレセプター蛋白質そのものの体内での産生能力を特異的に促進もしくは抑制する作用を持つ低分子化合物の探索系として使用できる。

15

20

25

(9) 発明のポリペプチドに対する受容体の同定

本発明のポリペプチドに対する受容体は次のようにして同定することができる。生理活性ペプチドの受容体の多くは7回膜貫通型受容体であり、現在リガンドが未知の多くのオーファン受容体が報告されている。従って、これらのオーファン受容体を CHO 細胞や HEK293 細胞など適当な細胞に発現させてそれらに本発明のポリペプチドを加えて、特異的なシグナル伝達を誘導するような細胞刺激活性を有するかどうかを調べることにより特異的な受容体を同定することができる。またゲノムあるいは cDNA ライブラリーを適当な動物細胞に導入してそれにラジオアイソトープを標識した本発明のポリペプチドを加えてその結合を調べることにより、受容体をコードする遺伝子を単離することができる。

10 さらに本発明は、生理活性ペプチドをコードする遺伝子はしばしばペプチドの配列モチーフが繰り返されるという特徴を利用して、未知の生理活性ペプチドまたはそのアミドもしくはそのエステルまたはそれらの塩を同定する方法、および該方法によって得られた生理活性ペプチドまたはそのアミドもしくはそのエステルまたはそれらの塩なども提供する。

生理活性ペプチドの有する配列モチーフとして、具体的には、例えばRF amide、RS amide、またはRL amide 構造を有する本発明のポリペプチドの特徴的な配列である RFG(R/K)配列または RSG(R/K)配列または RLG(R/K)配列または該アミノ酸配列をコードする塩基配列などがあげられる。このような短いアミノ酸配列をコードしうる DNA 配列は生理活性ペプチドの DNA 配列以外でも偶然的にかなりの頻度で出現してくるが、このような配列が繰り返していることを特徴とする配列を探すことによりより高い確率で生理活性ペプチドをコードする DNA を見出すことができる。

より具体的には、RFG(R/K)配列または RSG(R/K)配列または RLG(K/R)配列または該アミノ酸配列を含有する配列およびそれををコードする塩基配列を含有する配列をプローブとしてデータベースの検索をすることにより目的とする遺伝子を取得することができる。該プローブとしては、例えば、ペプチドの配列として RFG(K/R)、RSG(K/R)、RLG(K/R)に対応する DNAの配列として、

RFGK: 5'-(C/A)G(A/C/G/T)TT(T/C)GG(A/C/G/T)AA(A/G)-3'(配列番号:20)

RFGR: 5'-(C/A)G(A/C/G/T)TT(T/C)GG(A/C/G/T)(A/C)G(A/C/G/T)-3'(配列番号: 2 1)

RSGK: 5'-(C/A)G(A/C/G/T)(A/T)(C/G)(A/C/G/T)GG(A/C/G/T)AA(A/G)-3'(配列番号: 2 2)

RSGR: 5'-(C/A)G(A/C/G/T)(A/T)(C/G)(A/C/G/T)GG(A/C/G/T)(A/C)G(A/C/G/T)-3'(配列番号:23)

5 RLGK: 5'-(C/A)G(A/C/G/T)(T/C)T(A/C/T/G)GG(A/C/G/T)AA(A/G)-3'(配列番号:24)

RLGR: 5'-(C/A)G(A/C/G/T) (T/C)T(A/C/T/G)GG(A/C/G/T)(A/C)G(A/C/G/T)-3'(配列番号: 2 5) などがあげられる。

さらに、該配列モチーフを用いて cDNA あるいはゲノムライブラリーをスクリーニングすることにより目的とする遺伝子を取得することもできる。またジーントラッパーのように上記プローブを使って目的の遺伝子の mRNA を精製し、その mRNA から cDNA を取得することもできる。さらに他の配列モチーフ(繰り返して遺伝子にコードされているアミノ酸配列または該アミノ酸配列をコードする塩基配列など)を用いてRF amide、RS amide またはRL amide 構造以外の生理活性ペプチドの同定にも使うことができる。

さらにRF amide、RS amide またはRL amide 構造を有するペプチドはペプチドの C 末端 側にRF amide、RS amide またはRL amide 構造の共通構造を有しているので、RF amide、RS amide またはRL amide 構造を含む抗体を使って、未知のRF amide、RS amide またはRL amide 構造を有するペプチドを探索することが可能である。また、RF amide、RS amide またはRL amide 構造を有するペプチドの受容体の多くは7回膜貫通型受容体である。従って、抗RF amide 抗体、抗RS amide 抗体または抗RL amide 抗体を使って濃縮あるいは分画した動物組織抽出物をリガンドが決定していないオーファン受容体発現細胞に加えて、そのシグナル伝達を調べることにより、オーファン受容体のリガンドを決定することができる。RF amide、RS amide またはRL amide 構造を有するペプチド以外にも共通配列を有するペプチドは数多く存在するので、この方法はRF amide、RS amide またはRL amide 構造を有するペプチド以外のペプチドにも使うことができる。

25 (10)本発明のレセプター蛋白質に対するリガンド(アゴニスト)の決定 本発明のレセプター蛋白質は、本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンド (アゴニスト) を探索し、または決定するための試薬として有用である。

すなわち、本発明は、本発明のレセプター蛋白質と、試験化合物とを接触させることを特 徴とする本発明のレセプター蛋白質に対するリガンドの決定方法を提供する。

試験化合物としては、公知のリガンド(例えば、アンギオテンシン、ボンベシン、カナビ ノイド、コレシストキニン、グルタミン、セロトニン、メラトニン、ニューロペプチドY、 5 オピオイド、プリン、バソプレッシン、オキシトシン、PACAP、セクレチン、グルカゴ ン、カルシトニン、アドレノメジュリン、ソマトスタチン、GHRH、CRF、ACTH、 GRP、PTH、VIP(バソアクティブ インテスティナル アンド リレイテッド ポ リペプチド)、ソマトスタチン、ドーパミン、モチリン、アミリン、ブラジキニン、CGR P (カルシトニンジーンリレーティッドペプチド)、ロイコトリエン、パンクレアスタチン 10 、プロスタグランジン、トロンボキサン、アデノシン、アドレナリン、 α および β ーケモカ イン (chemokine) (例えば、IL-8、GRO α 、GRO β 、GRO γ 、NAP-2、EN A-78, PF4, IP10, GCP-2, MCP-1, HC14, MCP-3, I-30 9、 $MIP1\alpha$ 、 $MIP-1\beta$ 、RANTESなど)、エンドセリン、エンテロガストリン 、ヒスタミン、ニューロテンシン、TRH、パンクレアティックポリペプタイドまたはガラ 15 ニンなど)の他に、例えば、ヒトまたは哺乳動物(例えば、マウス、ラット、ブタ、ウシ、 ヒツジ、サルなど)の組織抽出物、細胞培養上清などが用いられる。例えば、該組織抽出物 、細胞培養上清などを本発明のレセプター蛋白質に添加し、細胞刺激活性などを測定しなが ら分画し、最終的に単一のリガンドを得ることができる。

20 具体的には、本発明のリガンド決定方法は、本発明の本発明のレセプター蛋白質を用いるか、または組換え型レセプター蛋白質の発現系を構築し、該発現系を用いたレセプター結合アッセイ系を用いることによって、本発明のレセプター蛋白質に結合して細胞刺激活性(例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca²⁺遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fos活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性)を有する化合物(例えば、ペプチド、蛋白質、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物など)または

その塩を決定する方法である。

本発明のリガンド決定方法においては、本発明のレセプター蛋白質と試験化合物とを接触させた場合の、例えば、該本発明のレセプター蛋白質に対する試験化合物の結合量や、細胞刺激活性などを測定することを特徴とする。

5 より具体的には、本発明は、

15

20

- ①標識した試験化合物を、本発明のレセプター蛋白質に接触させた場合における、標識した 試験化合物の該蛋白質に対する結合量を測定することを特徴とする本発明のレセプター蛋白 質に対するリガンドの決定方法、
- ②標識した試験化合物を、本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞または該細胞の膜画分に接触させた場合における、標識した試験化合物の該細胞または該膜画分に対する結合量を測定することを特徴とする本発明のレセプター蛋白質に対するリガンドの決定方法、
 - ③標識した試験化合物を、本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現したレセプター蛋白質に接触させた場合における、標識した試験化合物の該レセプター蛋白質に対する結合量を測定しすることを特徴とする本発明のレセプター蛋白質に対するリガンドの決定方法、
- ⑤試験化合物を、本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現したレセプター蛋白質に接触させた場合における、レセプター蛋白質を介する細胞刺激活性(例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca²⁺遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する

活性または抑制する活性など)を測定することを特徴とする本発明のレセプター蛋白質に対 するリガンドの決定方法を提供する。

特に、上記①~③の試験を行ない、試験化合物が本発明のレセプター蛋白質に結合することを確認した後に、上記④~⑤の試験を行なうことが好ましい。

5 まず、リガンド決定方法に用いるレセプター蛋白質としては、上記した本発明のレセプタ ー蛋白質を含有するものであれば何れのものであってもよいが、動物細胞を用いて大量発現 させたレセプター蛋白質が適している。

10

15

20

本発明のレセプター蛋白質を製造するには、前述の発現方法が用いられるが、該レセプター蛋白質をコードするDNAを哺乳動物細胞や昆虫細胞で発現することにより行なうことが好ましい。目的とする蛋白質部分をコードするDNA断片には、通常、相補DNAが用いられるが、必ずしもこれに制約されるものではない。例えば、遺伝子断片や合成DNAを用いてもよい。本発明のレセプター蛋白質をコードするDNA断片を宿主動物細胞に導入し、それらを効率よく発現させるためには、該DNA断片を昆虫を宿主とするバキュロウイルスに属する核多角体病ウイルス(nuclear polyhedrosis virus; NPV)のポリヘドリンプロモーター、SV40由来のプロモーター、レトロウイルスのプロモーター、メタロチオネインプロモーター、ヒトヒートショックプロモーター、サイトメガロウイルスプロモーター、SR αプロモーターなどの下流に組み込むのが好ましい。発現したレセプターの量と質の検査はそれ自体公知の方法で行うことができる。例えば、文献(Nambi, P. ら、ザ・ジャーナル・オブ・バイオロジカル・ケミストリー(J. Biol. Chem.)、267 巻、19555~19559 頁、1992年)に記載の方法に従って行うことができる。

したがって、本発明のリガンド決定方法において、本発明のレセプター蛋白質を含有する ものとしては、それ自体公知の方法に従って精製したレセプター蛋白質であってもよいし、 該レセプター蛋白質を含有する細胞またはその細胞膜画分を用いてもよい。

本発明のリガンド決定方法において、本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞を用いる場合、該細胞をグルタルアルデヒド、ホルマリンなどで固定化してもよい。固定化方法はそれ自体公知の方法に従って行なうことができる。

本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞としては、本発明のレセプター蛋白質を発現した宿主細胞をいうが、該宿主細胞としては、大腸菌、枯草菌、酵母、昆虫細胞、動物細胞などが用いられる。

細胞膜画分としては、細胞を破砕した後、それ自体公知の方法で得られる細胞膜が多く含まれる画分のことをいう。細胞の破砕方法としては、Potter—Elvehjem型ホモジナイザーで細胞を押し潰す方法、ワーリングブレンダーやポリトロン(Kinematica 社製)による破砕、超音波による破砕、フレンチプレスなどで加圧しながら細胞を細いノズルから噴出させることによる破砕などが挙げられる。細胞膜の分画には、分画遠心分離法や密度勾配遠心分離法などの遠心力による分画法が主として用いられる。例えば、細胞破砕液を低速(500rpm~3000rpm)で短時間(通常、約1分~10分)遠心し、上清をさらに高速(15000rpm~3000rpm)で通常30分~2時間遠心し、得られる沈澱を膜画分とする。該膜画分中には、発現したレセプター蛋白質と細胞由来のリン脂質や膜蛋白質などの膜成分が多く含まれる。

5

10

該レセプター蛋白質を含有する細胞やその膜画分中のレセプター蛋白質の量は、1 細胞当 たり $10^3 \sim 10^8$ 分子であるのが好ましく、 $10^5 \sim 10^7$ 分子であるのが好適である。なお、発現量が多いほど膜画分当たりのリガンド結合活性(比活性)が高くなり、高感度なスクリーニング系の構築が可能になるばかりでなく、同一ロットで大量の試料を測定できるようになる。

本発明のレセプター蛋白質に対するリガンドを決定する上記の①~③の方法を実施するた 20 めには、適当なレセプター蛋白質画分と、標識した試験化合物が必要である。

レセプター蛋白質画分としては、天然型のレセプター蛋白質画分か、またはそれと同等の 活性を有する組換え型レセプター画分などが望ましい。ここで、同等の活性とは、同等のリ ガンド結合活性、シグナル情報伝達作用などを示す。

標識した試験化合物としては、〔³H〕、〔¹²⁵ I〕、〔¹⁴C〕、〔³⁵S〕などで標識した アンギオテンシン、ボンベシン、カナビノイド、コレシストキニン、グルタミン、セロトニ ン、メラトニン、ニューロペプチドY、オピオイド、プリン、バソプレッシン、オキシトシ ン、PACAP、セクレチン、グルカゴン、カルシトニン、アドレノメジュリン、ソマトスタチン、GHRH、CRF、ACTH、GRP、PTH、VIP(バソアクティブ インテスティナル アンド リイテッド ポリペプチド)、ソマトスタチン、ドーパミン、モチリン、アミリン、ブラジキニン、CGRP(カルシトニンジーンリレーティッドペプチド)、

5 ロイコトリエン、パンクレアスタチン、プロスタグランジン、トロンボキサン、アデノシン、アドレナリン、 α および β ーケモカイン(chemokine)(例えば、IL-8、 $GRO\alpha$ 、 $GRO\beta$ 、 $GRO\gamma$ 、NAP-2、ENA-78、PF4、IP10、GCP-2、MCP-1、HC14、MCP-3、I-309、 $MIP1\alpha$ 、 $MIP-1\beta$ 、RANTESなど)、エンドセリン、エンテロガストリン、ヒスタミン、ニューロテンシン、<math>TRH、パンクレアティックポリペプタイドまたはガラニンなどが好適である。

具体的には、本発明のレセプター蛋白質に対するリガンドの決定方法を行なうには、まず 本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞または細胞の膜画分を、決定方法に適したバッフ ァーに懸濁することによりレセプター標品を調製する。バッファーには、pH4~10 (望 ましくはpH6~8)のリン酸バッファー、トリスー塩酸バッファーなどのリガンドとレセ プター蛋白質との結合を阻害しないバッファーであればいずれでもよい。また、非特異的結 合を低減させる目的で、CHAPS、Tween-80TM(花王-アトラス社)、ジギトニ ン、デオキシコレートなどの界面活性剤やウシ血清アルブミンやゼラチンなどの各種蛋白質 をバッファーに加えることもできる。さらに、プロテアーゼによるリセプターやリガンドの 分解を抑える目的でPMSF、ロイペプチン、E-64(ペプチド研究所製)、ペプスタチ ンなどのプロテアーゼ阻害剤を添加することもできる。 0.01ml~10m | の該レセプ ター溶液に、一定量(5000cpm~50000cpm)の[3H]、[125]]、[14 C〕、〔³⁵S〕などで標識した試験化合物を共存させる。非特異的結合量(NSB)を知る ために大過剰の未標識の試験化合物を加えた反応チューブも用意する。反応は約0℃から5 ,0℃、望ましくは約4℃から37℃で、約20分から24時間、望ましくは約30分から3 時間行なう。反応後、ガラス繊維濾紙等で濾過し、適量の同バッファーで洗浄した後、ガラ ス繊維適紙に残存する放射活性を液体シンチレーションカウンターあるいはィーカウンター

15

20

25

で計測する。全結合量(B)から非特異的結合量(NSB)を引いたカウント(B-NSB)が0cpmを越える試験化合物を本発明のレセプター蛋白質に対するリガンド(アゴニスト)として選択することができる。

本発明のレセプター蛋白質に対するリガンドを決定する上記の④~⑤の方法を実施するた 5 めには、該レセプター蛋白質を介する細胞刺激活性(例えば、アラキドン酸遊離、アセチル コリン遊離、細胞内Ca²⁺遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトール リン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c‐fosの活性化、pHの低下 などを促進する活性または抑制する活性など)を公知の方法または市販の測定用キットを用 いて測定することができる。具体的には、まず、レセプター蛋白質を含有する細胞をマルチ 10 ウェルプレート等に培養する。リガンド決定を行なうにあたっては前もって新鮮な培地ある いは細胞に毒性を示さない適当なバッファーに交換し、試験化合物などを添加して一定時間 インキュベートした後、細胞を抽出あるいは上清液を回収して、生成した産物をそれぞれの 方法に従って定量する。細胞刺激活性の指標とする物質(例えば、アラキドン酸など)の生 成が、細胞が含有する分解酵素によって検定困難な場合は、該分解酵素に対する阻害剤を添 15 加してアッセイを行なってもよい。また、 c AMP産生抑制などの活性については、フォル スコリンなどで細胞の基礎的産生量を増大させておいた細胞に対する産生抑制作用として検 出することができる。

本発明のレセプター蛋白質に結合するリガンド決定用キットは、本発明のレセプター蛋白質、本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞、または本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞の膜画分などを含有するものである。

本発明のリガンド決定用キットの例としては、次のものが挙げられる。

1. リガンド決定用試薬

20

①測定用緩衝液および洗浄用緩衝液

Hanks' Balanced Salt Solution (ギブコ社製) に、0.05%のウシ血清アルブミン (シ 25 グマ社製) を加えたもの。

孔径0.45μmのフィルターで濾過滅菌し、4℃で保存するか、あるいは用時調製しても

RF、ACTH、GRP、PTH、VIP(バソアクティブ インテスティナル アンドリレイテッド ポリペプチド)、ソマトスタチン、ドーパミン、モチリン、アミリン、ブラジキニン、CGRP(カルシトニンジーンリレーティッドペプチド)、ロイコトリエン、パンクレアスタチン、プロスタグランジン、トロンボキサン、アデノシン、アドレナリン、 α および β -ケモカイン(chemokine)(例えば、IL-8、GRO α 、GRO β 、GRO γ 、NAP-2、ENA-78、PF4、IP10、GCP-2、MCP-1、HC14、MCP-3、I-309、MIP1 α 、MIP-1 β 、RANTESなど)、エンドセリン、エンテロガストリン、ヒスタミン、ニューロテンシン、TRH、パンクレアティックポリペプタイド、ガラニンなどが用いられる。

本明細書および図面において、塩基やアミノ酸などを略号で表示する場合、IUPAC-IUB Commission on Biochemical Nomenclature による略号あるいは当該分野における慣用略号に基づくものであり、その例を下記する。またアミノ酸に関し光学異性体があり得る場合は、特に明示しなければし体を示すものとする。

DNA: デオキシリボ核酸

15 c DNA : 相補的デオキシリボ核酸

A: アデニン

T:チミン

G:グアニン

C:シトシン

20 I : イノシン

5

R: アデニン(A) またはグアニン(G)

Y : チミン (T) またはシトシン (C)

M : アデニン (A) またはシトシン (C)

K : グアニン (G) またはチミン (T)

25 S : グアニン (G) またはシトシン (C)

W : アデニン (A) またはチミン (T)

良い。

②G蛋白質共役型レセプター蛋白質標品

本発明のレセプター蛋白質を発現させたCHO細胞を、12穴プレートに 5×10^5 個/穴で継代し、37℃、 $5\%CO_2$ 、95%airで2日間培養したもの。

5 ③標識試験化合物

市販の〔 3 H〕、〔 125 I〕、〔 14 C〕、〔 35 S〕などで標識した化合物、または適当な方法で標識化したもの

水溶液の状態のものを4℃あるいは-20℃にて保存し、用時に測定用緩衝液にて $1\mu M$ に希釈する。水に難溶性を示す試験化合物については、ジメチルホルムアミド、DMSO、

10 メタノール等に溶解する。

④非標識試験化合物

標識化合物と同じものを100~1000倍濃い濃度に調製する。

2. 測定法

20

- 25

- ①12穴組織培養用プレートにて培養した本発明のレセプター蛋白質発現CHO細胞を、測 25 定用緩衝液1mlで2回洗浄した後、490μlの測定用緩衝液を各穴に加える。
 - ②標識試験化合物を $5~\mu$ 1 加え、室温にて 1 時間反応させる。非特異的結合量を知るためには非標識試験化合物を $5~\mu$ 1 加えておく。
 - ③反応液を除去し、1mlの洗浄用緩衝液で3回洗浄する。細胞に結合した標識試験化合物を0.2N NaOH-1%SDSで溶解し、4mlの液体シンチレーターA (和光純薬製)と混合する。
 - ④液体シンチレーションカウンター(ベックマン社製)を用いて放射活性を測定する。

本発明のレセプター蛋白質に結合することができるリガンドとしては、例えば、脳、下垂体、膵臓などに特異的に存在する物質などが挙げられ、具体的には、アンギオテンシン、ボンベシン、カナビノイド、コレシストキニン、グルタミン、セロトニン、メラトニン、ニューロペプチドY、オピオイド、プリン、バソプレッシン、オキシトシン、PACAP、セクレチン、グルカゴン、カルシトニン、アドレノメジュリン、ソマトスタチン、GHRH、C

Ala

: アラニン

Val

: バリン

Leu

: ロイシン

Ιle

: イソロイシン

5 Ser

:セリン

Thr

: スレオニン

Cys

:システイン

Met

: メチオニン

Glu

:グルタミン酸

10 Asp

: アスパラギン酸

Lys

: リジン

Arg

: アルギニン

His

: ヒスチジン

Ph.e

:フェニルアラニン

15 Tyr

: チロシン

Trp

: トリプトファン

Pro

: プロリン

Asn

: アスパラギン

Gln

:グルタミン

20 pGlu

: ピログルタミン酸

本願明細書の配列表の配列番号は、以下の配列を示す。

〔配列番号:1〕

後述の実施例1で得られた本発明のポリペプチドのアミノ酸配列 (ヒト型) を示す。

[配列番号:2]

25 配列番号:1 で表わされるアミノ酸配列を有する本発明のポリペプチドをコードするDN

Aの塩基配列を示す。

B: グアニン(G)、グアニン(G) またはチミン(T)

D: アデニン(A)、グアニン(G) またはチミン(T)

V: アデニン(A)、グアニン(G) またはシトシン(C)

N: アデニン(A)、グアニン(G)、シトシン(C)もしくは

5 チミン (T) または不明もしくは他の塩基

RNA :リボ核酸

mRNA :メッセンジャーリボ核酸

dATP: デオキシアデノシン三リン酸

dTTP: デオキシチミジン三リン酸

10 dGTP: デオキシグアノシン三リン酸

dCTP:デオキシシチジン三リン酸

ATP: アデノシン三リン酸

EDTA:エチレンジアミン四酢酸

SDS:ドデシル硫酸ナトリウム

15 BHA: ベンズヒドリルアミン

pMBHA: p-メチルベンズヒドリルアミン

Tos:pートルエンスルフォニル

Bz1:ベンジル

Bom: ベンジルオキシメチル

20 Boc: tーブチルオキシカルボニル

DCM: ジクロロメタン

HOBt:1-ヒドロキシベンズトリアゾール

DCC: N、N'-ジシクロヘキシルカルボジイミド

TFA:トリフルオロ酢酸

25 DIEA: ジイソプロピルエチルアミン

Gly:グリシン

〔配列番号:3〕

後述の実施例1で用いられるプライマーF5の塩基配列を示す。

[配列番号:4]

後述の実施例1で用いられるプライマーF6の塩基配列を示す。

5 〔配列番号:5〕

後述の実施例1で用いられるプライマーF1の塩基配列を示す。

[配列番号:6]

後述の実施例1で用いられるプライマーR5の塩基配列を示す。

[配列番号:7]

10 後述の実施例3で用いられるプライマーhR1の塩基配列を示す。

[配列番号:8]

後述の実施例3で得られた本発明のポリペプチドのアミノ酸配列(ヒト型)を示す。

[配列番号:9]

配列番号:8で表わされるアミノ酸配列を有する本発明のポリペプチドをコードするDN

15 Aの塩基配列を示す。

[配列番号:10]

後述の実施例4で用いられるプライマーbF6の塩基配列を示す。

〔配列番号:11]

後述の実施例4で用いられるプライマーbF7の塩基配列を示す。

20 〔配列番号:12〕

後述の実施例4で用いられるプライマーbR6の塩基配列を示す。

[配列番号:13]

後述の実施例4で用いられるプライマーbR7の塩基配列を示す。

[配列番号:14]

25 後述の実施例4で得られた本発明のポリペプチドのアミノ酸配列(ウシ型)を示す。

[配列番号:15]

配列番号: 14で表わされるアミノ酸配列を有する本発明のポリペプチドをコードするD NAの塩基配列を示す。

〔配列番号:16〕

後述の実施例5で用いられるプライマー r L P R 1 の塩基配列を示す。

5 〔配列番号:17〕

後述の実施例5で用いられるプライマー r L P F 1 の塩基配列を示す。

〔配列番号:18〕

後述の実施例5で得られた本発明のポリペプチドのアミノ酸配列(ラット型)を示す (リクローニング前)。

10 〔配列番号:19〕

配列番号:18で表わされるアミノ酸配列を有する本発明のポリペプチドをコードするDNAの塩基配列を示す。

[配列番号:20]

RFGK配列をコードする塩基配列を示す。

15 〔配列番号:21〕

RFGR配列をコードする塩基配列を示す。

[配列番号:22]

RSGK配列をコードする塩基配列を示す。

[配列番号:23]

20 RSGR配列をコードする塩基配列を示す。

[配列番号:24]

RLGK配列をコードする塩基配列を示す。

[配列番号:25]

RLGR配列をコードする塩基配列を示す。

25 〔配列番号:26〕

後述の実施例6で用いられるプライマーFF2 の塩基配列を示す。

〔配列番号:27〕

後述の実施例6で用いられるプライマーrR4の塩基配列を示す。

[配列番号:28]

後述の実施例6で用いられるプライマーmF1の塩基配列を示す。

5 〔配列番号:29〕

P

後述の実施例6で用いられるプライマーmF3の塩基配列を示す。

〔配列番号:30〕

後述の実施例6で用いられるプライマーmR1の塩基配列を示す。

〔配列番号:31〕

10 後述の実施例6で用いられるプライマーmoF の塩基配列を示す。

[配列番号:32]

後述の実施例6で用いられるプライマーmoR の塩基配列を示す。

[配列番号:33]

後述の実施例6で得られた本発明のポリペプチドのアミノ酸配列(マウス型)を示す。

15 〔配列番号:34〕

配列番号:33で表わされるアミノ酸配列を有する本発明のポリペプチドをコードするDNAの塩基配列を示す。

〔配列番号:35〕

後述の実施例7で得られたラット脳幹周辺部由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質 r 20 OT7T022LをコードするcDNAをクローニングするために使用したプライマー1の 塩基配列を示す。

〔配列番号:36〕

後述の実施例7で得られたラット脳幹周辺部由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質 r OT7T022LをコードするcDNAをクローニングするために使用したプライマー2の 塩基配列を示す。

[配列番号:37]

25

PCT/JP99/06283 116

後述の実施例7で得られたラット脳幹周辺部由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質r OT7T022Lのアミノ酸配列を示す。

[配列番号:38]

後述の実施例7で得られたラット脳幹周辺部由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質 r OT7T022LをコードするcDNAの塩基配列を示す。

[配列番号:39]

後述の実施例7(3)で得られたペプチドのアミノ酸配列を示す。

[配列番号:40]

後述の実施例7 (4) で得られたペプチドのアミノ酸配列を示す。

10 〔配列番号:41〕

後述の実施例7(5)で得られたペプチドのアミノ酸配列を示す。

[配列番号:42]

配列番号:1 で表わされるアミノ酸配列の第81番目(Met)〜第92番目(Phe)のアミ ノ酸配列を含有するペプチドをコードする塩基配列を示す。

15 [配列番号:43]

> 配列番号:1で表わされるアミノ酸配列の第101番目(Ser) \sim 112番目(Ser)のア ミノ酸配列を含有するペプチドをコードする塩基配列を示す。

[配列番号:44]

配列番号:1で表わされるアミノ酸配列の第124番目(Val)~131番目(Phe)のア 20 ミノ酸配列を含有するペプチドをコードする塩基配列を示す。

[配列番号:45]

配列番号:1 で表わされるアミノ酸配列の第1番目(Met)〜第92番目(Phe)のアミノ 酸配列を含有するペプチドをコードする塩基配列を示す。

[配列番号:46]

25 配列番号: 1で表わされるアミノ酸配列の、第1番目 (Met) ~ 112 番目 (Ser) のアミ ノ酸配列を含有するペプチドをコードする塩基配列を示す。

[配列番号:47]

配列番号:1で表わされるアミノ酸配列の、第1番目(Met) \sim 131番目(Phe)のアミノ酸配列を含有するペプチドをコードする塩基配列を示す。

[配列番号:48]

5 実施例5で用いられたプライマーratF2の塩基配列を示す。

〔配列番号:49〕

実施例5で用いられたプライマーratRの塩基配列を示す。

〔配列番号:50〕

後述の実施例5で得られた本発明のポリペプチドのアミノ酸配列(ラット型)を示す(リ 10 クローニング後)。

〔配列番号:51〕

配列番号: 50で表わされるアミノ酸配列を有する本発明のポリペプチドをコードするDN Aの塩基配列を示す。

[配列番号:52]

15 実施例9で用いられたプライマーbFF の塩基配列を示す。

[配列番号:53]

実施例9で用いられたプライマーbFR の塩基配列を示す。

[配列番号:54]

実施例11で得られたh 0T7T022 で表されるタンパク質(ポリペプチド)をコードするア
20 ミノ酸配列を示す。

[配列番号:55]

配列番号:54で表されるアミノ酸配列を有するh 0T7T022で表されるタンパク質(ポリペプチド)をコードするDNAの塩基配列を示す。

〔配列番号:56〕

25 配列番号: 5 4で表されるアミノ酸配列を有する h 0T7T022 で表されるタンパク質 (ポリペプチド)をコードするDNAの塩基配列を示す。

[配列番号:57]

実施例11で用いられたプライマー1の塩基配列を示す。

[配列番号:58]

5

10

15

20

25

実施例11で用いられたプライマー2の塩基配列を示す。

後述の実施例2で得られた形質転換体 Escherichia coli JM109/p hRF1 は、1999年4月14日から通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所(NIBH)に寄託番号FE RM BP-6702として、財団法人発酵研究所(IFO)に1999年3月5日から寄託番号 IFO 16265 として寄託されている。

後述の実施例7で得られた形質転換体エシェリヒア コリ (Escherichia coli) DH10B / pAK-rOT022Lは、1998年11月2日から通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所 (NIBH) に寄託番号FERM BP-6558として、1998年10月16日から財団法人・発酵研究所 (IFO) に寄託番号IFO 16211として寄託されている。

後述の実施例9で得られた形質転換体 Escherichia coli JM109/pbRF2 は、1999年8月2日から通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所 (NIBH) に寄託番号FERM BP-6811として、財団法人発酵研究所 (IFO)に1999年6月18日から寄託番号 IFO 16288として寄託されている。

後述の実施例8で得られた形質転換体 Escherichia coli JM109/phRF2 は、1999年8月2日から通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所(NIBH)に寄託番号FERMBP-6812として、財団法人発酵研究所(IFO)に1999年6月18日から寄託番号 IFO 16289として寄託されている。

後述の実施例6で得られた形質転換体 Escherichia coli JM109/pmLP4 は、1999年8月2日から通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所 (NIBH) に寄託番号FERM BP-6813として、財団法人発酵研究所 (IFO)に1999年6月18日から寄託番号 IFO 16290として寄託されている。

後述の実施例5で得られた形質転換体 Escherichia coli JM109/prLPL6 は、1999年8

月2日から通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所(NIBH)に寄託番号FERM BP-6814として、財団法人発酵研究所(IFO)に1999年6月18日から寄託番号 IFO 16291として寄託されている。

後述の実施例11で得られた形質転換体 Escherichia coli DH5 α / pCR2. 1-h0T022T は、1999年11月8日から通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所(NIBH)に 寄託番号FERM BP-6930として、財団法人発酵研究所(IFO)に1999年10月27日から寄託番号IF016330として寄託されている。

後述の実施例11で得られた形質転換体 Escherichia coli DH5 α / pCR2. 1-h0T022G は、1999年11月8日から通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所(NIBH)に 寄託番号FERM BP-6931として、財団法人発酵研究所(IFO)に1999年10月27日から寄託番号IF016331として寄託されている。

実施例

5

以下に、実施例を挙げて本発明をさらに具体的に説明するが、本発明はそれに限定される ものではない。なお、大腸菌を用いての遺伝子操作法は、モレキュラー・クローニング(Molecular cloning)に記載されている方法に従った。

実施例 1 ヒト胎児脳 poly(A) ⁺RNA画分からの c DNAの合成とRT-PCR法による 生理活性ペプチド c DNAの増幅

20 クローンテック社より購入したヒト胎児脳poly(A) $^+$ RNA画分 1 μ gにプライマーとして 0 Oligo d 1 プライマー (Gibco BRL社) を加え、モロニイマウス白血病ウイルスの逆転写 酵素 (Gibco BRL社) により、添付パッファーを用いて c DNAを合成した。反応後の産 物はフェノール:クロロホルム (1:1) で抽出し、エタノール沈殿を行った後、 1 0 1 0 のTEに溶解した。調製した c DNA 1 1 を鋳型として、次の 1 2 つのプライマー (F 5 および F 6) を用いて、PCRによる増幅を行った。

F 5:5'-GGGCTGCACATAGAGACTTAATTTTAG-3' (配列番号:3)

F 6:5'-CTAGACCACCTCTATATAACTGCCCAT-3' (配列番号:4)

反応液の組成は、合成DNAプライマー(F 5 およびF 6)各 2 0 pM、0. 2 5 mM dNTPs、Ex Taq DNA polymerase 0. 5μ 1および酵素に付属のバッファー 5μ 1で、総反応溶液量は 50μ 1とした。増幅のためのサイクルはサーマルサイクラー(パーキン・エルマー)を用い 98%・10秒、63%・20秒、72%・40秒のサイクルを 40回繰り返した。

さらにそのPCR産物の 1μ 1を鋳型として次の2つのプライマー(F1およびR5)を用いて、nested PCRによる増幅を行った。

F 1:5'-GCACATAGAGACTTAATTTTAGATTTAGAC-3'(配列番号:5)

10 R 5:5'-CATGCACTTTGACTGGTTTCCAGGTAT-3'(配列番号:6)

15

反応液の組成は、合成DNAプライマー(F1およびR5)各20pM、0.25mM dNTPs、Ex Taq DNA polymerase 0.5 μ 1および酵素に付属のバッファー 5 μ 1で、総反応溶液量は50 μ 1とした。増幅のためのサイクルはサーマルサイクラー(パーキン・エルマー社)を用い98℃・10秒、60℃・20秒、72℃・40秒のサイクルを40回繰り返した。増幅産物の確認は1.2%アガロース電気泳動およびエチジウムプロミド染色によって行った。

実施例2 PCR産物のプラスミドベクターへのサブクローニングおよび挿入cDNA部分の塩基配列の解読による新規生理活性ペプチド候補クローンの選択

20 実施例1で行ったPCR後の反応産物は1.2%のアガロースゲルを用いて分離し、目的とする大きさのDNA断片の増幅を確認した後、Quigen PCR purification kit (Quiagen)を用いてDNAを回収した。TAクローニングキット(インビトロゲン社)の処方に従い、回収したDNAをプラスミドベクターpCR™2.1 ヘサブクローニングした。これを大腸菌JM109 competent cell (宝酒造) に導入して形質転換したのち、cDNA挿入断片を持つクローンをアンピシリン、IPTGおよびX-galを含むLB寒天培地中で選択し、白色を呈するクローンのみを滅菌した爪楊枝を用いて分離し、形質転換体エシェリヒア コ

リ (Escherichia coli) JM109/phRF1を得た。

個々のクローンをアンピシリンを含むLB培地で一晩培養し、自動プラスミド抽出装置(クラボウ)を用いてプラスミドDNAを調製した。調製したDNAの一部を用いてEcoRIによる切断を行い、挿入されているcDNA断片の大きさを確認した。残りのDNAの一部をさらにRNase処理、フェノール・クロロホルム抽出し、エタノール沈殿によって濃縮した。塩基配列の決定のための反応はDyeDeoxy Terminator Cycle Sequencing Kit (ABI社)を用いて行い、蛍光式自動シーケンサーを用いて解読した。得られた塩基配列の情報は、DNASIS(日立システムエンジニアリング社)を用いて行った。決定した塩基配列を図1に示した。

10 決定した塩基配列を図1をもとにホモロジー検索と配列の解析を行った結果、形質転換体 E. coli JM109/phRF1の保有するプラスミドに挿入されたcDNA断片は、新規生 理活性ペプチドをコードすることが分かった。

実施例3 ヒト胎児脳 cDNA からの生理活性ペプチド cDNA のスプライシングバリアントの取 15 得

実施例1で作製したヒト胎児脳cDNA 1 ml を鋳型として、次の二つのプライマー(F5、hR1)を用いてPCR による増幅を行った。

F5:5'-GGGCTGCACATAGAGACTTAATTTTAG-3' (配列番号: 3)

hRI:5'-CAGCTTTAGGGACAGGCTCCAGGTTTC-3'(配列番号:7)

反応液の組成は合成プライマー (F5 および hR1) 各 20 pM、0.25 mM dNTPs、Ex Taq DNA polymerase 0.5 ml および酵素に付属のバッファーで総反応液量は 50 ml とした。増幅のためのサイクルはサーマルサイクラー (パーキンエルマー) を用い、98℃・10 秒、65℃・20秒、72℃・20 秒のサイクルを 40 回くりかえした。増幅産物の確認は 1.2%アガロース電気泳動およびエチジウムブロミド染色によって行った。PCR 産物の増幅を確認した後、反応産物をQIA quick PCR purification Kit (Quiagen)を用いて精製し、配列決定を行った。塩基配列決定のための反応は BigDye Deoxy Terminatoe Cycle Sequence Kit (ABI)を用いて行

い、蛍光式自動 Sequencer (ABI377) を用いて解読した。得られた塩基配列の情報解析はDNASIS (日立システムエンジニアリング) を用いて行った。 その結果、実施例 2 で得られた cDNA と 3 末端側が異なる cDNA が得られた。したがって本実施例で得られた cDNA は、実施例 2 で得られた cDNA のスプライシングバリアントである事が分かった。 決定した塩基配列 (配列番号: 9) と予測されるアミノ酸の配列 (配列番号: 8) を図3に示す。

実施例4 ウシ視床下部 poly(A) 'RNA からの生理活性ペプチド cDNA の取得

ウシ視床下部 poly(A) 'RNA からのウシ型生理活性ペプチド cDNA の取得は Marathon cDNA Amplification Kit (Clontech) を用いて行った。Kit に添付のマニュアルにしたがって作製した牛視床下部 cDNA を鋳型として、次の4つのプライマー (bF6、bF7、bR6、bR7) を合成し、Kit 添付の AP1、AP2 の二種類のプライマーと組み合わせて PCR による増幅を行った。

bF6:5'-GCCTAGAGGAGATCTAGGCTGGGAGGA-3'(配列番号:10)

bF7:5'-GGGAGGAACATGGAAGAAGGAAGGAGC-3'(配列番号:11)

bR6:5'-GATGGTGAATGCATGGACTGCTGGAGC-3'(配列番号:12)

15 bR7:5'-TTCCTCCCAAATCTCAGTGGCAGGTTG-3'(配列番号:13)

5

10

20

25

5'側(N 末領域)の増幅のために、まず一回目の PCR 反応を合成プライマー (bR6 と AP1) を用いて行った。各プライマー 20pM と 0. 25mMdNTPs、Klen Taq DNA polymerase 0. 5ml および酵素に付属のバッファーで総反応液量は 25ml とした。増幅のためのサイクルはサーマルサイクラー (パーキンエルマー)を用い、98℃10秒、72℃2分のサイクルを 5回、続いて 98℃・10秒、70℃・2分のサイクルを 5回、98℃・10秒、68℃・2分30秒のサイクルを 25回くりかえした。次にその一回目の PCR 反応液を 10倍に希釈し、その 1 ml を鋳型にして (bR7と AP2)プライマーにて二回目の PCR を行った。各プライマー 20pM と 0. 25ml dNTPs、Klen Taq DNA polymerase 0. 5ml および酵素に付属のバッファーで総反応液量は 25ml とした。増幅のためのサイクルはサーマルサイクラー (パーキンエルマー)を用い、98℃・10秒、72℃・2分のサイクルを 5回、続いて 98℃・10秒、70℃・2分のサイクルを 5回、98℃・10秒、68℃・2分30秒のサイクルを 35回くりかえした。

3'側(C 末領域)の増幅のために、まず一回目の PCR 反応を合成プライマー(bF6 と AP1) を用いて行った。各プライマー 20pM と 0.25mM dNTPs、Klen Taq polymerase 0.5ml および 酵素に付属のバッファーで総反応液量は 25ml とした。増幅のためのサイクルはサーマルサ イクラー (パーキンエルマー) を用い、98℃・10 秒、72℃・2分のサイクルを5回、続いて 98℃・10 秒、70℃・2 分のサイクルを 5 回、98℃・10 秒、68℃・2 分 30 秒のサイクルを 25 5 回くりかえした。次にその一回目の PCR 反応液を 10 倍に希釈し、その 1 ml を鋳型にして (bF7とAP2) プライマーにて二回目の PCR を行った。各プライマー 20pM と 0, 25mMdNTPs、Klen Taq DNA polymerase 0.5ml および酵素に付属のバッファーで総反応液量は25ml とした。増 幅のためのサイクルはサーマルサイクラー (パーキンエルマー) を用い、98℃・10 秒、72 ℃・2分のサイクルを5回、続いて98℃・10秒、70℃・2分のサイクルを5回、98℃・10 10 秒、68℃・2分30秒のサイクルを35回くりかえした。5'側、3'側それぞれの増幅産物の確認 は 1.2%アガロース電気泳動およびエチジウムプロミド染色によって行った。PCR 産物の増幅 を確認した後、反応産物をQIA quick PCR purification Kit (Quiagen) を用いて精製し、 配列決定を行った。塩基配列決定のための反応はBig Dye Deoxy Terminator Cycle Sequence 15 Kit (ABI) を用いて行い、蛍光式自動 Sequencer (ABI377) を用いて解読した。

得られた塩基配列の情報解析はDNASIS(日立システムエンジニアリング)を用いて行った。決定した塩基配列(配列番号:15)と予測されるアミノ酸の配列(配列番号:14)を図4に示す。

20 実施例5 ラット脳 poly(A) RNA からの生理活性ペプチド cDNA の取得

ラット脳 poly(A) RNA からのラット型生理活性ペプチド cDNA の取得は Marathon cDNA Amplification Kit (Clontech) を用いて行った。Kit に添付のマニュアルにしたがって作製したラット脳 cDNA を鋳型として、次の2つのプライマー

rLPR1:5'-CCCTGGGGCTTCTTCTGTCTTCTATGT-3'(配列番号:16)

25 rLPF1: 5'-AGCGATTCATTTTATTGACTTTAGCA-3'(配列番号: 17)
を合成し、Kit 添付の API, AP2 の二種類のプライマーと組み合わせて PCR による増幅を行っ

た。

10

15

20

5'側 (N 末領域) の増幅のために、まず一回目の PCR 反応を rLPR1 と AP1 のプライマーセットを用いて行った。各プライマー 200pM と各 0. ImMdNTP、Klen Taq DNA polymerase 0. 25ml および酵素に付属のバッファーで総反応液量は 25ml とした。増幅のためのサイクルはサーマルサイクラー (パーキンエルマー) を用い、98℃・10 秒、72℃・2分のサイクルを 5 回、続いて 98℃・10 秒、70℃・2分のサイクルを 5 回、98℃・10 秒、68℃・2分 30 秒のサイクルを 25 回くりかえした。次にその一回目の PCR 反応液を鋳型にして一回目のプライマーセット、同様の反応液組成にて二回目の PCR を行った。増幅のためのサイクルは、98℃・10 秒、72℃・2分のサイクルを 5 回、続いて 98℃・10 秒、70℃・2 分のサイクルを 5 回、98℃・10 秒、(68℃・2分 3 0 秒) のサイクルを 38 回くりかえした。

3側(C 末領域)の増幅のために、まず一回目の PCR 反応を rLPF1 と AP1 のプライマーセットを用いて行った。反応液組成は 5'側(N 末領域)の増幅の場合と同様とした。増幅のためのサイクルは、98℃・10 秒、72℃・2分のサイクルを 5 回、続いて 98℃・10 秒、70℃・2分のサイクルを 5 回、98℃・10 秒、65℃・20 秒、72℃・2分のサイクルを 25 回くりかえした。次にその一回目の PCR 反応液を鋳型にして rLPF1 と AP2 プライマーにて二回目の PCR を行った。反応液組成は一回目の PCR と同様とした。増幅のためのサイクルはサーマルサイクラー(パーキンエルマー)を用い、98℃・10 秒、72℃・2分のサイクルを 5 回、続いて 98℃・10 秒、70℃・2分のサイクルを 5 回、続いて 98℃・10 秒、70℃・2分のサイクルを 5 回、98℃・10 秒、65℃・20 秒、72℃・2分のサイクルを 38 回くりかえした。5'側、3'側それぞれの増幅産物の確認は 1.2%アガロース電気泳動およびエチジウムブロミド染色によって行った。PCR 産物バンドを QIA quick Gel Extraction Kit (Quiagen)を用いて精製し、配列決定を行った。塩基配列決定は実施例 3 と同様の方法で行った。決定した塩基配列(配列番号:19)と予測されるアミノ酸の配列(配列番号:18)を図 5 に示す。さらにこの配列をもとに、開始コドンと終止コドンの周辺に 2本のプライマー

25 ratF2: 5'-AATGGAAATTATTTCATCAAAGCGATTCAT-3'(配列番号:48)
ratR: 5'-CACCTATACTGACAGGAATGATGGCTCTCC-3'(配列番号:49)

10 実施例 6 マウス脳 poly(A) *RNA からの Marathon PCR 法によるマウス型生理活性ペプチド cDNA の取得と配列確認

マウス脳 poly(A) 'RNA からマウス型生理活性ペプチド cDNA を取得するため、まずマウス脳 poly(A) 'RNA 1 µgを oligo d(T) primer 2.5 pmol(宝酒造)、0.5 mM dNTPs, 10 mM DTT 存在下で、SuperScript II RNase H- 逆転写酵素 (GIBCO BRL) により、42℃、1時間の反応で c DNA を合成した。これを鋳型として、プライマー

FF2: 5'-GACTTAATTTTAGATTTAGACAAAATGGAA-3'(配列番号: 26)

rR4: 5'-TTCTCCCAAACCTTTGGGGCAGGTT-3'(配列番号:27)

5

15

20

25

および、KlenTaq DNA polymerase (Clontech)を用いて、98^{\odot} 10 秒、56^{\odot} 20 秒、72^{\odot} 25 秒のサイクルを 39 回くりかえす P C R 反応を行った。さらに同じプライマーセットを用いて 98^{\odot} 10 秒、60 \odot 20 秒、72^{\odot} 25 秒のサイクルを 2 5 回くりかえす P C R 反応を行い、増副産物を 2%アガロース電気泳動およびエチジウムプロミド染色によって検出して、そのバンドを QIA quick Gel Extraction Kit (Quiagen)を用いて精製、実施例 3 と同様の方法で塩基配列を決定した。得られたマウス型生理活性ペプチド c DNA 断片の 5'および 3'側の配列を取得するため、実施例 5 と同様に、Marathon cDNA Amplification Kit (Clontech)を用いてマウス脳 poly (A) 'RNA 1 μ g から c DNA を合成し、鋳型とした。次の 3 つのプライマ

m F1: 5'-ACAGCAAAGAAGGTGACGGAAAATACTC-3'(配列番号: 28)

m F3: 5'-ATAGATGAGAAAAGAAGCCCCCGCAGCAC-3'(配列番号: 29)

m R1: 5'-GTGCTGCGGGGCTTCTTTTCTCATCTAT-3'(配列番号:30)

を合成し、kit 付属のAPI プライマーと組み合わせて PCR を行った。

5'側、3'側それぞれの増幅産物の確認は 1.2%アガロース電気泳動およびエチジウムブロミド染色によって行った。PCR 産物のバンドを QIA quick Gel Extraction Kit (Quiagen) を用いて精製し、配列決定を行った。塩基配列決定は実施例3と同様の方法で行った。

さらに得られた配列をもとに2つのプライマー

20 moF: 5'-TTTAGACTTAGACGAAATGGA-3'(配列番号: 3 1)

moR: 5'-GCTCCGTAGCCTCTTGAAGTC-3'(配列番号: 32)

を合成し、先に示した、マウス脳 poly(A) *RNA より SuperScriptII RNase H- 逆転写酵素で合成した c DNA を鋳型として PCR を行い、マウス型生理活性ペプチド全長 cDNA を含む断片を増幅した。反応は KlenTaq DNA polymerase (Clontech) を用いて、98℃ 10 秒、56℃ 20 秒、72℃ 15 秒のサイクルを 35 回くりかえした。約600bpの増副産物を 2%アガロース電気泳動およびエチジウムブロミド染色によって検出し、そのバンドを QIA quick Gel

PCT/JP99/06283 WO 00/29441

Extraction Kit (Quiagen) を用いて精製、クローニングベクター pCR2.1-TOPO (TOPO TA cloning kit 、Invitrogen) ヘサブクローニング、大腸菌 JM109 へ導入し、形質転換体 E. coli JM109/pmLP4 を得た。実施例3と同様の方法で塩基配列を解析し、決定した塩基配列(配列 番号:34)と予測されるアミノ酸配列(配列番号:33)を図7に示す。

5

10

15

20

実施例7

(1) ラット脳幹周辺部のG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードする c DNAのクロー ニングと塩基配列の決定

ラット脳幹周辺部 c DNAを鋳型とし、2個のプライマー、プライマー1 (配列番号:3 5) およびプライマー2(配列番号:36) を用いてPCR反応を行った。該反応における 反応液の組成は上記cDNAの10分の1量を鋳型として使用し、Advantage c DNA Polymerase Mix (CLONTECH社) 1/50量、プライマー1 (配列番号:35) およびプライマー2 (配列番号:36) を 各0. 2μM、 dNTPs $200 \mu M$ 、および酵素に添付のバッファーを加え、 50μ 1の液量とした。PCR反応は 、① 94℃・2分の後、② 94℃・30秒、72℃・2分のサイクルを3回、③ 94℃・ のサイクルを30回繰り返し、⑤ 最後に68℃・8分の伸長反応を行った。該PCR反応後 の反応産物をTAクローニングキット(Invitrogen社)の処方に従いプラスミドベ クターpCR2.1(Invitrogen社)へサブクローニングした。これを大腸菌DH 5αに導入し、cDNAをもつクローンをアンピシリンを含むLB寒天培地中で選択した後 、個々のクローンの配列を解析した結果、新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードす るcDNA配列(配列番号:38)を得た。このcDNAより導き出されるアミノ酸配列(配列番号:37)を含有する新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をrOT7T022Lと 命名した。

本発明のラット脳幹周辺部由来のG蛋白質共役型レセプター蛋白質rOT7T022Lを 25 コードする c DNA (配列番号:38) がサブクローニングされたプラスミドpAK-rO T022Lを、自体公知の方法に従い大腸菌(Escherichia coli)DH10Bに導入して、 形質転換体:大腸菌(Escherichia coli)DH10B/pAK-rOT022Lを得た。

- (2) G蛋白質共役型レセプター蛋白質 r O T 7 T 0 2 2 L 発現 C H O 細胞の樹立
- 直径10 cm の組織培養用シャーレに1×10 6個のCHOdhfr 一細胞を播種し、2 4時間培養した。(1)で得られたrOT7T022L発現ベクターpAK-rOT022Lを20μg用い、リポソーム法による遺伝子導入キット(ジーントランスファー、ニッポンジーン社)を用いて、DNA・リポソームの複合体を形成させた。培地を新鮮なものに交換し、これにDNA・リポソームの複合体を添加して一晩インキュベートした。培地を新鮮なものと交換してさらに1日間培養した後、形質転換体選択用の培地に交換して2日間培養した。さらに、トリプシン-EDTA処理によってシャーレ内の細胞を回収し、細胞密度が希薄な状態にて再培養を行うことによって、形質転換体の割合の増加を図った。これにより、rOT7T022Lを安定に高発現する細胞株CHO-rOT7T022Lのクローンを得た。
- (3) Met-Pro-His-Ser-Phe-Ala-Asn-Leu-Pro-Leu-Arg-Phe-NH₂ (配列番号:39) の合成 市販pーメチルBHA樹脂 (アプライド バイオシテムズ、現パーキンエルマー社製) 0.5 m mole 分をペプチド合成機 (アプライド バイオシテムズ社製430A) の反応器に入れ、DCMで膨潤させた後、最初のアミノ酸 Boc-Phe を HOBt/DCC 法で活性化しpーメチルBH A樹脂に導入した。 樹脂を 50%TFA/DCMで処理し、Boc 基を除去してアミノ基を遊離させ、DIEAで中和した。 このアミノ基に次のアミノ酸 Boc-Arg(Tos)を HOBt/DCC 法で縮20 合した。 未反応アミノ基の有無をニンヒドリンテストで調べ反応完了を確認後同様に、Boc-Leu、Boc-Pro、Boc-Leu、Boc-Asn、Boc-Ala、Boc-Phe、Boc-Ser(Bzl)、Boc-His(Bom)、Boc-Pro、Boc-Met を順次縮合した。 全配列アミノ酸が導入され樹脂を 50%TFA/D CMで処理し樹脂上の Boc 基を除去後、樹脂を乾燥し Met-Pro-His(Bom)-Ser(Bzl)-Phe-Ala-Asn-Leu-Pro-Leu-Arg(Tos)-Phe-pMBHA-resin 0.73g を得た。
- 25 この樹脂 0.25g を p − クレゾール 5.1g、弗化水素 15ml と共にテフロン製弗化水素反応装置中で 0 ℃・6 0 分間反応させた。 弗化水素を減圧留去し、残留物にジエチルエーテル

100ml を加え撹拌後、グラスフィルター上に濾取、乾燥した。 これを 50%酢酸水溶液 50ml 中に懸濁、攪拌し、ペプチドを抽出した後樹脂と分離し減圧下に約5 ml までに濃縮した後、セファデックス G-25 (2 x 9 0 c m) のカラムに付し 50%酢酸水で展開し主要画分を集め凍結乾燥した。次にこの粗精製ペプチドを5%チオグリコール酸/50%酢酸 1.5ml に溶解し、50℃ 12時間保持し Met 酸化体ペプチドを還元した後、LiChroprep (商品名) RP-18 (ME R C K 社製)を充填した逆相系カラムにつけ 0.1% T F A 水と 0.1% T F A 含有 33%アセトニトリル水溶液を用いたグラジエント溶出での精製をくり返し、アセトニトリル濃度 2 7%前後に溶出される部分を集め凍結乾燥し、白色粉末 2 6 mg を得た。

質量分析による (M+H) * 1428.7 (理論値 1428.8)

10 HPLC溶出時間 18.0分

カラム条件

5

15

20

カラム: Wakosil (商品名) 5C18 (4.6x100mm)

溶離液: A液(0.1% TFA含有5%アセトニトリル水)

B液 (0.1% TFA含有55%アセトニトリル水) を用い

A液からB液へ直線型濃度勾配溶出(25分)

流速: 1.0 ml/分

(4) Val-Pro-Asn-Leu-Pro-Gln-Arg-Phe-NH, (配列番号:40)の合成

上述の実施例7(3)と同様にして、Boc-Phe, Boc-Arg(Tos), Boc-Gln, Boc-Pro, Boc-Leu, Boc-Asn, Boc-Pro, Boc-Val を順次縮合し、Boc-Val-Pro-Asn-Leu-Pro-Gln-Arg(Tos)-Phe-pMBHA-resin 0.43g を得た。 この樹脂 0.22g を同様に弗化水素処理、カラムクロマト精製し白色粉末の目的物 46mg を得た。

質量分析による (M+H) + 969.5 (理論値 969.6)

HPLC溶出時間 11.8分

カラム条件

25 カラム: Wakosil (商品名) 5C18 (4.6x100mm)

溶離液: A液 (0.1% TFA含有5%アセトニトリル水)

B液 (0.1% TFA含有55%アセトニトリル水) を用い A液からB液へ直線型濃度勾配溶出 (25分)

流速: 1.0 m1/分

- (5) Ser-Ala-Gly-Ala-Thr-Ala-Asn-Leu-Pro-Arg-Ser-NH2(配列番号:41)の合成
- 上述の実施例7 (3) と同様にして、Boc-Ser(Bzl), Boc-Arg(Tos), Boc-Leu, Boc-Pro, Boc-Leu, Boc-Asn, Boc-Ala, Boc-Thr(Bzl), Boc-Ala, Boc-Gly, Boc-Ala, Boc-Ser(Bzl)を順次縮合し、Boc-Ser(Bzl)-Ala-Gly-Ala-Thr(Bzl)-Ala-Asn-Leu-Pro-Leu-Arg(Tos)-Ser(Bzl)-pMBHA-resin 0.62gを得た。この樹脂 0.23gを同様に弗化水素処理、カラムクロマト精製し白色粉末の目的物 71mg を得た。
- 10 質量分析による (M+H) + 1156.4 (理論値 1156.6) HPLC溶出時間 11.8分 カラム条件

カラム: Wakosil (商品名) 5C18 (4.6x100mm)

溶離液: A液 (0.1% TFA含有5%アセトニトリル水)

15 B液 (0.1% TFA含有55%アセトニトリル水) を用い A液からB液へ直線型濃度勾配溶出 (25分)

流速: 1.0 ml/分

20

(6) rOT7TO22 L (配列番号:37) とペプチドMPHSFANLPLRFamide (配列番号:39) およびペプチドVPNLPQRFamide (配列番号:40) のサイトセンサーによる反応実験

上述の実施例7 (2) で得られた rOT7TO22 L 受容体発現CHO細胞を、2.7× 10⁵cells/capsule の密度でサイトセンサー用カプセルに播種し、一晩培養した後にサイトセンサーのワークステーションに装着した。サイトセンサーの流路にセットしたアッセイ用の培地 (0.1%のウシ血清アルブミンを含有する low buffered RPMI1640 medium) を、ポンプON (80 秒間) ポンプOFF (40 秒間) のサイクルで細胞に供給し、各サイクルごとにポンプ停止8秒後から 30 秒間の細胞外pHの変化率を acidification rate として算出した。

acidification rate の経時変化をモニターし、安定した値を示すようになったところで流路 の切り換えによって細胞に各ペプチドを7分2秒間暴露した。各ウェルの Acidification Rate の値をペプチドを暴露する直前の3サイクルの値を100%として標準化し、細胞の反応の比較を行なったところ、r0T7T022 L発現CHO細胞はペプチドMPHSFANLPLRF amide (配列番号: 39) およびペプチドVPNLPQRFamide (配列番号: 40) に対して強く用量依存的な反応を示す事が明らかになった(図8)。

5

実施例8 ヒト新規生理活性ペプチド候補スプライシングバリアント cDNA を保持する形質 転換体の作成

- 10 上記実施例3で行ったPCR後の反応産物は1.2%のアガロースゲルを用いて分離し、 目的とする大きさのDNA断片の増幅を確認した後、Quigen PCR purification kit (Quiagen)を用いてDNAを回収した。TAクローニングキット(インビトロゲン社)の処方 に従い、回収したDNAをプラスミドベクターpCR™2.1へサブクローニングした。これ を大腸菌 JM109 competent cell (宝酒造) に導入して形質転換したのち、cDNA挿入 断片を持つクローンをアンピシリン、IPTGおよびX-galを含むLB寒天培地中で選 15 択し、白色を呈するクローンのみを滅菌した爪楊枝を用いて分離した。個々のクローンをア ンピシリンを含むLB培地で一晩培養し、自動プラスミド抽出装置(クラボウ)を用いてプ ラスミドDNAを調製した。調製したDNAの一部を用いてEcoRIによる切断を行い、 挿入されているcDNA断片の大きさを確認した。残りのDNAの一部をさらにRNase 20 処理、フェノール・クロロホルム抽出し、エタノール沈殿によって濃縮した。塩基配列の決 定のための反応は DyeDeoxy Terminator Cycle Sequencing Kit (ABI社) を用いて行い、 蛍光式自動シーケンサーを用いて解読し、形質転換体エシェリヒア コリ Œscherichia coli) JM109/phRF2を得た。
- 25 実施例 9 ウシ新規生理活性ペプチド cDNA を保持する形質転換体の作成 実施例 4 で作製したウシ視床下部 cDNA 1 ml を鋳型として、次の二つのプライマー (bFF

、bFR)を用いて PCR による増幅を行った。

25

bFF:5'-TTCTAGATTTTGGACAAAATGGAAATT-3' (配列番号:52)

bFR:5'-CGTCTTTAGGGACAGGCTCCAGATTTC-3'(配列番号:53)

反応液の組成は合成プライマー (bFF および bFR) 各 20 pM、0.25 mM dNTPs、Ex Tag DNA 5 polymerase 0.5 ml および酵素に付属のバッファーで総反応液量は 50 ml とした。増幅のた めのサイクルはサーマルサイクラー (パーキンエルマー) を用い、98℃・10 秒、65℃・20 秒、72℃・20 秒のサイクルを 40 回くりかえした。増幅産物の確認は 1. 2%アガロース電気泳 動およびエチジウムブロミド染色によって行った。実施例 3 で行ったPCR後の反応産物は 1. 2%のアガロースゲルを用いて分離し、目的とする大きさのDNA断片の増幅を確認し た後、Quigen PCR purification kit (Quiagen) を用いてDNAを回収した。TAクロー 10 ニングキット(インビトロゲン社)の処方に従い、回収したDNAをプラスミドベクターp CR[™]2.1へサブクローニングした。これを大腸菌JM109 competent cell (宝酒造) に 導入して形質転換したのち、 c DNA挿入断片を持つクローンをアンピシリン、 I PTGお よびX-galを含むLB寒天培地中で選択し、白色を呈するクローンのみを滅菌した爪楊 枝を用いて分離した。個々のクローンをアンピシリンを含むLB培地で一晩培養し、自動プ 15 ラスミド抽出装置(クラボウ)を用いてプラスミドDNAを調製した。調製したDNAを用 いてEcoRIによる切断を行い、挿入されているcDNA断片の大きさを確認した。さら に調製したDNAをRNase処理、フェノール・クロロホルム抽出し、エタノール沈殿に よって濃縮した。塩基配列の決定のための反応は DyeDeoxy Terminator Cycle Sequencing Kit 20 (ABI社)を用いて行い、蛍光式自動シーケンサーを用いて解読し、形質転換体エシェリ ヒア コリ (Escherichia coli) JM109/pbRF2を得た。

実施例10 ペプチドMPHSFANLPLRFamide (配列番号:39) およびペプチドVPNLPQRFamide (配列番号:40) の r0T7T022 L (配列番号:37) 発現CHO細胞に対するc AMP産生抑制活性

実施例7 (3) および (4) で合成したペプチド MPHSFANLPLRFamide (配列番号:39)

、VPNLPQRFamide(配列番号: 40) が rOT7T022L 受容体に対して特異的に反応することが 実施例7(6)のサイトセンサーによる実験で確認できた。次に上述したペプチドの r0T7T022L 発現 CHO 細胞に対する cAMP 産生抑制活性の測定を行った。

実施例7(2)で得られた rOT7TO22L 発現 CHO 細胞を 1.0 x 10⁵ cells/well の濃度で 24well 5 プレートに巻き、37度で2日間培養した。ハンクスバッファー (HBSS) に 0.05% BSA と 0.2mM IBMX を加えたバッファーで細胞を洗浄したのち、同じバッファーで30分間37度で放置した 。30 分後細胞を上記のバッファーに Forskolin 10⁻⁶ M を加えたアッセイバッファーと同時 にさまざまな濃度の上述したペプチドを添加し、37度30分間インキュベーションをした。 30 分後各 well の細胞内の cAMP 濃度を cAMP EIA Kit (アマシャム社) の方法にしたがっ 10 て測定した。その結果、図9に示すようにペプチド MPHSFANLPLRFamide(配列番号:39) 、VPNLPQRFamide(配列番号: 40) は rOT7T022L 受容体発現 CHO 細胞に対して cAMP 産成抑 制効果を示し、その IC50値はそれぞれ 0.5nM、0.7nM と非常に低濃度で強い効果を示した。

実施例11 ヒト視床下部のG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするcDNAのクロー 15 ニングと塩基配列の決定

ヒト視床下部 cDNA (CLONTECH 社) を鋳型とし、2 個のプライマー、

25

プライマー1:5'- GTCGACATGG AGGGGGAGCC CTCCCAGCCT C -3'(配列番号:57) およびプラ イマー2:5'- ACTAGTTCAG ATATCCCAGG CTGGAATGG -3'(配列番号:58)を用いてPCR反応 を行った。該反応における反応液の組成は上記 cDNA を 10 分の1量を鋳型として使用し、

20 Advantage-HF Polymerase Mix (CLONTECH 社)1/50 量、プライマー1(配列番号:57)お よびプライマー2(配列番号:58)を各0.2 μ M、dNTPs 200 μ M、Dimethyl Sulfoxide 4% ,および酵素に添付のバッファーを加え、25 μ 1 の液量とした。 P C R 反応は、① 94℃·2 分の後、②94℃・20 秒、72℃・1分 30 秒のサイクルを 3 回、③94℃・20 秒、67℃・1分 30 秒のサイクルを 3 回、④ 94℃・20 秒、62℃・20 秒、72℃・68℃・1 分 30 秒のサイクルを 38 回繰り返し、最後に 68℃・7 分の伸長反応を行った。該PCR反応後の反応産物をTAクロ ーニングキット (Invitrogen 社) の処方に従いプラスミドベクターpCR2.1 (Invitrogen 社)

へサブクローニングした。これを大腸菌 DH5 α に導入し、cDNA を持つクローンをアンピシリンを含む LB 寒天培地中で選択した。個々のクローンの配列を解析した結果、新規 G 蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードする cDNA 配列 (配列番号:55および56)を得た。これら2種類の配列は、第597 残基で一塩基異なるが、導き出されるアミノ酸配列は同一(配列番号:57)であり、このアミノ酸配列を含有する新規 G 蛋白質共役型レセプター蛋白質をhOT7T022 と命名した。また2種類の形質転換体を大腸菌(Escherichia coli) DH5 α / pCR2. 1-hOT022T (配列番号:55で表される c DNAを含有する)、ならびに(Escherichia coli) DH5 α / pCR2. 1-hOT022G (配列番号:56で表される c DNAを含有する)と命名した

10

15

産業上の利用可能性

本発明のポリペプチド、レセプター蛋白質などは、例えば、神経細胞刺激活性などを有するため、神経疾患治療薬などとして使用することができる。また、本発明のポリペプチドまたはレセプター蛋白質は、本発明のポリペプチドまたはレセプター蛋白質の活性を促進もしくは阻害する化合物またはその塩のスクリーニングのための試薬として有用であり、スクリーニングによって得られる化合物は神経疾患の予防・治療剤として期待される。さらに、本発明のポリペプチドまたはレセプター蛋白質に対する抗体は、本発明のポリペプチドまたはレセプター蛋白質を特異的に認識することができるので、被検液中の本発明のポリペプチドまたはレセプター蛋白質の定量などに使用することができる。

請求の範囲

- 1. 配列番号:1で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有することを特徴とするポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩。
- 5 2. 実質的に同一のアミノ酸配列が配列番号:8、配列番号:14、配列番号:18、配列番号:33または配列番号:50で表されるアミノ酸配列である請求項1記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩。
 - 3. 請求項1記載のポリペプチドの部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩。
- 10 4. 配列番号:1の第81番目 (Met) ないし第92番目 (Phe) のアミノ酸残基を含有してなる請求項3記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩
 - 5. 配列番号:1の第101番目(Ser)ないし第112番目(Ser)のアミノ酸残基を含有してなる請求項3記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩。
 - 6. 配列番号:1の第124番目(Val)ないし第131番目(Phe)のアミノ酸残基を含有してなる請求項3記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩。
 - 7. 請求項1記載のポリペプチドの部分ペプチドのアミドまたはその塩。

- 20 8. 請求項1記載のポリペプチドをコードする塩基配列を有するDNAを含有するDNA
 - 9. 配列番号: 2、配列番号: 9、配列番号: 15、配列番号: 19、配列番号: 34または配列番号: 51で表される塩基配列を有する請求項8記載のDNA。
 - 10. 請求項3記載の部分ペプチドをコードするDNAを含有するDNA。
- 25 11. 配列番号:2で表される塩基配列の第241番目ないし第276番目の塩基を含有 してなる請求項10記載のDNA。

- 12. 配列番号: 2で表される塩基配列の第301番目ないし第336番目の塩基を含有してなる請求項10記載のDNA。
- 13. 配列番号:2で表される塩基配列の第370番目ないし第393番目の塩基を含有してなる請求項10記載のDNA。
- 5 14. 請求項8または請求項10記載のDNAを含有する組換えベクター。
 - 15. 請求項14記載の組換えベクターで形質転換された形質転換体。

10

- 16. 請求項15記載の形質転換体を培養し、請求項1記載のポリペプチドまたは請求項3記載の部分ペプチドを生成・蓄積せしめることを特徴とする請求項1記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、または請求項3記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の製造法。
- 17. 請求項1記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその 塩、または請求項3記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはそ の塩に対する抗体。
- 18. 請求項8もしくは請求項10記載のDNAまたは請求項17記載の抗体を含有してな 15 る診断薬。
 - 19. 請求項8または請求項10記載のDNAに相補的または実質的に相補的な塩基配列を有し、該DNAの発現を抑制し得る作用を有するアンチセンスDNA。
 - 20. 請求項1記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその 塩、または請求項3記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはそ の塩を含有してなる剤。
 - 21. 請求項1記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその 塩、または請求項3記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはそ の塩を含有してなる医薬。
- 22. 請求項1記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、または請求項3記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩を用いることを特徴とする請求項1記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそ

のエステルまたはその塩、または請求項3記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくは そのエステルまたはその塩の活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニン グ方法。

- 23. 請求項1記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその 塩、または請求項3記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはそ の塩、および配列番号:37で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有する蛋白質またはその塩、またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしく はそのエステルまたはその塩を用いることを特徴とする請求項22記載のスクリーニング方法。
- 10 24. 請求項1記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその 塩、または請求項3記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはそ の塩を含有してなる請求項1記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステル またはその塩、または請求項3記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステ ルまたはその塩の活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング用キット
 15 。
 - 25. 請求項1記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、または請求項3記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、および配列番号:37で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するする蛋白質またはその塩、またはその部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩を含有してなる請求項24記載のスクリーニング用キット

20

- 26. 請求項22記載のスクリーニング方法または請求項24記載のスクリーニング用キットを用いて得られる請求項1記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、請求項3記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の活性を促進または阻害する化合物またはその塩。
- 27. 請求項22記載のスクリーニング方法または請求項24記載のスクリーニング用キ

- ットを用いて得られる請求項1記載のポリペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩、または請求項3記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の活性を促進または阻害する化合物またはその塩を含有してなる医薬。
- 28. 配列番号:37で表わされるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有することを特徴とする蛋白質またはその塩。
- 29. 配列番号:37で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列が配列番号:54で表されるアミノ酸配列である請求項28記載の蛋白質またはその塩。
- 30. 請求項28記載の蛋白質の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩。
- 31. 請求項28記載の蛋白質または請求項30記載の部分ペプチドをコードする塩基配列を有するDNAを含有するDNA。
 - 32. 配列番号:38、配列番号:55または配列番号:56で表される塩基配列を有する請求項31記載のDNA。
 - 33. 請求項31記載のDNAを含有する組換えベクター。
- 15 34. 請求項33記載の組換えベクターで形質転換させた形質転換体。
 - 35. 請求項34記載の形質転換体を培養し、請求項28記載の蛋白質または請求項30記載の部分ペプチドを生成・蓄積せしめることを特徴とする請求項28記載の蛋白質またはその塩、または請求項30記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩の製造法。
- 20 36. 請求項28記載の蛋白質またはその塩、または請求項30記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩に対する抗体。
 - 37. 請求項31記載のDNAまたは請求項36記載の抗体を含有してなる診断薬。
 - 38. 請求項28記載の蛋白質またはその塩、または請求項30記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩を用いることにより得られる請求項28
- 25 記載の蛋白質またはその塩に対するリガンド。

5

39. 請求項28記載の蛋白質またはその塩、または請求項30記載の部分ペプチドもし

くはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩を用いることを特徴とする請求項28記載の蛋白質またはその塩に対するリガンドの決定方法。

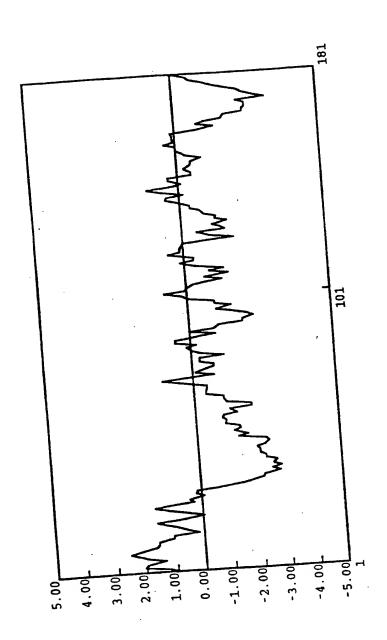
- 40. 請求項28記載の蛋白質またはその塩、または請求項30記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩を用いることを特徴とするリガンドと請求項28記載の蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法。
- 41. 請求項28記載の蛋白質またはその塩、または請求項30記載の部分ペプチドもしくはそのアミドもしくはそのエステルまたはその塩を含有することを特徴とするリガンドと請求項28記載の蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング用キット。

- 42. 請求項40記載のスクリーニング方法または請求項41記載のスクリーニング用キットを用いて得られる、リガンドと請求項28記載の蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩。
- 43. 請求項40記載のスクリーニング方法または請求項41記載のスクリーニング用キットを用いて得られる、リガンドと請求項28記載の蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩を含有してなる医薬。
 - 44. 請求項36記載の抗体を用いることを特徴とする請求項28記載の蛋白質またはその塩の定量方法。

18 27 36 ATG GAA ATT ATT TCA TCA AAA CTA TTC ATT TTA TTG ACT TTA GCC ACT TCA AGC Met Glu Ile Ile Ser Ser Lys Leu Phe Ile Leu Leu Thr Leu Ala Thr Ser Ser 72 81 90 TTG TTA ACA TCA AAC ATT TTT TGT GCA GAT GAA TTA GTG ATG TCC AAT CTT CAC --- --- --- --- --- --- --- --- --- --- --- --- --- --- --- ---Leu Leu Thr Ser Asn Ile Phe Cys Ala Asp Glu Leu Val Met Ser Asn Leu His 126 135 144 AGC AAA GAA AAT TAT GAC AAA TAT TCT GAG CCT AGA GGA TAC CCA AAA GGG GAA Ser Lys Glu Asn Tyr Asp Lys Tyr Ser Glu Pro Arg Gly Tyr Pro Lys Gly Glu. 180 189 198 AGA AGC CTC AAT TTT GAG GAA TTA AAA GAT TGG GGA CCA AAA AAT GTT ATT AAG *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** Arg Ser Leu Asn Phe Glu Glu Leu Lys Asp Trp Gly Pro Lys Asn Val Ile Lys 234 243 252 ATG AGT ACA CCT GCA GTC AAT AAA ATG CCA CAC TCC TTC GCC AAC TTG CCA TTG --- --- --- --- --- --- --- --- --- --- ---Met Ser Thr Pro Ala Val Asn Lys Met Pro His Ser Phe Ala Asn Leu Pro Leu 288 297 306 315 AGA TTT GGG AGG AAC GTT CAA GAA GAA AGA AGT GCT GGA GCA ACA GCC AAC CTG Arg Phe Gly Arg Asn Val Gln Glu Glu Arg Ser Ala Gly Ala Thr Ala Asn Leu 342 351 360 CCT CTG AGA TCT GGA AGA AAT ATG GAG GTG AGC CTC GTG AGA CGT GTT CCT AAC --- --- --- --- --- --- --- --- --- --- --- --- --- --- --- ---Pro Leu Arg Ser Gly Arg Asn Met Glu Val Ser Leu Val Arg Arg Val Pro Asn 396 405 414 423 CTG CCC CAA AGG TTT GGG AGA ACA ACA ACA GCC AAA AGT GTC TGC AGG ATG CTG --- --- --- --- --- --- --- --- --- --- --- --- --- --- --- ---Leu Pro Gln Arg Phe Gly Arg Thr Thr Thr Ala Lys Ser Val Cys Arg Met Leu 450 459 468 AGT GAT TTG TGT CAA GGA TCC ATG CAT TCA CCA TGT GCC AAT GAC TTA TTT TAC Ser Asp Leu Cys Gln Gly Ser Met His Ser Pro Cys Ala Asn Asp Leu Phe Tyr 504 513 522 531 TCC ATG ACC TGC CAG CAC CAA GAA ATC CAG AAT CCC GAT CAA AAA CAG TCA AGG Ser Met Thr Cys Gln His Gln Glu Ile Gln Asn Pro Asp Gln Lys Gln Ser Arg

TAA 3'

...



			9)		18			27			36			45	;		54
5′	ATG	GAA	ATT	ATT	TCA			CTA			TTA			TTA			TCA	AGC
	Met	Glu	Ile	Ile	Ser	Ser	Lys	Leu	Phe	Ile	Leu	Leu	Thr	Leu	Ala	Thr	Ser	Ser
			63			72			81			90			99			108
	TTG	TTA	ACA	TCA	AAC	ATT	TTT	TGT	GCA	GAT	GAA	TTA	GTG	ATG	TCC	AAT	CTT	CAC
	Leu	Leu	Thr	Ser	Asn	Ile	Phe	Cys	Ala	Asp	Glu	Leu	Val	Met	Ser	Asn	Leu	His
			117			126			135			144			153			162
	AGC	AAA	GAA	AAT	TAT	GAC	AAA	TAT	TCT	GAG	CCT	AGA	GGA	TAC	CCA	AAA	GGG	GAA
	Ser	Lvs	Glu	Asn	Tvr	Asp	Lvs	ጥላተ	Ser	Glu	Pro		Glv	~~~	Pro	Tare	Gly	Glu
		-3	171		-,-		_,_	-7-			110		GLY	171		-	GIY	
	AGA	AGC		AAT	TTT	180 GAG	GAA	TTA	189 AAA		TGG	198 GGA	CCA	AAA	207 AAT	GTT	ATT	216 AAG
	Arg	Ser	Leu	Asn	Phe	Glu	Glu	Leu	Lys	Asp	Trp	Gly	Pro	Lys	Asn	Val	Ile	Lys
			225			234			243			252			261			270
	AIG	AGT	ACA	CCT	GCA	GIC	AAT	AAA	ATG	CCA	CAC	TCC	TTC	GCC	AAC	TTG	CCA	TTG
	Met	Ser	Thr	Pro	Ala	Val	Asn	Lys	Met	Pro	His	Ser	Phe	Ala	Asn	Leu	Pro	Leui
			279			288			297			306			315			324
	AGA	TTT	GGG	AGG	AAC	GTT	CAA	GAA	GAA	AGA	AGT	GCT	GGA	GCA	ACA	GCC	AAC	
	Arg	Phe	Glv	Ara	Asn	Val	Gln	Glu	Glu	Ara	Ser	 Δla	Gly	 Ala		 Ala	Acn	T (2)
	5			9	1111		· · · · ·	014		9	Ser		GLY	A.a			ro	
	CCT	CTG	333 AGA	TCT	GGA	342 AGA	AAT	ATG	351 GAG	GTG	AGC	360 CTC	GTG	AGA	369 CGT	GTT	CCT	378 AAC
	Pro	Leu	Arg	Ser	Gly	Arg	Asn	Met	Glu	Val	Ser	Leu	Val	Arg	Arg	Val	Pro	Asn
	~~~	CCC	387	200	~~~	396	202	101	405			414			423			432
			CAA	AGG			AGA	ACA	ACA	ACA		AAA	AGT.	GIC	1GC	AGG	AIG	CIG
	Leu	Pro	Gln	Arg	Phe	Gly	Arg	Thr	Thr	Thr	Ala	Lys	Ser	Val	Cys	Arg	Met	Leu
			441			450			459			468			477	•		486
	AGT	GAT	TTG	TGT	CAA	GGA	TCC	ATG	CAT	TCA	CCA	TGT	GCC	AAT	GAC	TTA	TTT	TAC
	Ser	Asp	Leu	Cvs	Gln	Glv	Ser	Met	His	Ser	Pro	Cvs	 11a	Asn	ASD	Leu	Phe	~~~ Tv~
				-10	<b></b>					<b>J</b> C1	110	_	nια	ro.	_	Leu		
	TCC	ATG	495 ACC	TGC	CAG	504 CAC	CAA	GAA	513 ATC	CAG	ልልጥ	522	СУТ	<b>C</b> AD	531 222	CAG	ጥጉል	540 AGG
	Ser	Met	Thr	Cys	Gln	His	Gln	Glu	Ile	Gln	Asn	Pro	Asp	Gln	Lys	Gln	Ser	Arg
			549			558			567			576			585			
	AGA	CTG	CTA	TTC	AAG	AAA	ATA	GAT	GAT	GCA	GAA	TTG	AAA	CAA	GAA	AAA	TAA	3'
	Arg	Leu	Leu	Phe	Lys	 Lys	Ile	Asp	Asp	Ala	Glu	Leu	 Lys	 Gln	Glu	Lys	***	•
					-	-		_	_				_			_		

									•									
	ATG		. 9		<b></b>	18	***	CCN	27	ىلىن ت	מידים	36 TTG	ATG	TTA	45 GCC	ACT	TCA	54 AGC
5'																		
	Met	Glu	Ile	Ile	Ser	Leu	Lys	Arg	Phe	Ile	Leu	Leu	Met	Leu	Ala	unr	Ser	ser
			63			72			81			90			99	2200	~~~	108
						ATC												
	 Leu	Leu	Thr	Ser	Asn	Ile	Phe	Cys	Thr	Asp	Glu	Ser	Arg	Met	Pro	Asn	Ļeu	Tyr
						126			135			144			153			162
	AGC	AAA	AAG	AAT	TAT	GAC	AAA	TAT	TCC	GAG	CCT	AGA	GGA	GAT	CTA	GGC	TGG	GAG
						 Asp												
	Ser	гуs	цуз	Poli	-7-		-2 -	-4-				198			207			216
	አአአ	GAA	171 AGA	AGT	CTT	180 ACT	TTT	GAA	189 GAA	GTA	AAA	GAT	TGG	GCT		AAA	TTA	
						Thr												
	Lys	Glu	Arg	Ser	Leu	Thr	Pne				כעם					-		270
			225	000	CUIN	234 GTC	220	444	243 ATG	CCA	CCT	252 TCT	GCA	GCC	261 AAC	CTG	CCA	_
	Met	Asn	Lys	Pro	Val	Val	Asn	Lys	Met	Pro	Pro	Ser	ALA	AIG		2004		
			279			288	<i></i>	<b>633</b>	297	200	NGC	306	AGG	GCG	315 ATG	GCC	CAC	324 CTG
						ATG												
	Arg	Phe	Gly	Arg	Asn	Met	Glu	Glu	Glu	Arg	Ser	Thr	Arg	Ala	Met	Ala	nis	Leu
			333	·		342			351			360	m-c	202	369	CITY	CCA	378 AAT
						AAA												
	Pro	Leu	Arg	Leu	Gly	Lys	Asn	Arg	Glu	Asp	Ser	Leu	Ser	Arg	Trp	Val	Pro	Asn
			387			396			405			414			423		3.00	432
	CTG	CCC	CAG	AGG	TTT	GGA	AGA	ACA	ACA	ACA	GCC	AAA 	AGC	ATT	ACC	AAG	ACC	
	Leu	Pro	Gln	Arg	Phe	Gly	Arg	Thr	Thr	Thr	Ala	Lys	Ser	Ile	Thr	Lys	Thr	Leu
						450			459			468			477	•		486
	AGT	' AA'	TIC	CTC	CAG	CAG	TCC	ATG	CAT	TCA	. CCA	TCI	ACC	AAT	GGG	CTA	CIC	TAC
																		Tyr
	561	. rwi							513			522			531			540
i	יוער	י איזע	495 GCC	5 TGC	CAC	504 CCC	CAA	GAA	OTA /	CAC	raa :		GGI	CAA			CTA	AGG
																		Arg
	Ser	. Met	: Ala	a Cys	تلكى :	1 PIC	, GII						_					
			549	9		558 AAA	אַרייזיאַ גייזיאַ	7 CD.	567 CAT	7 r GC7	\ GAZ	576 YTY	O G AAA	CAP	585 GAZ	AAA	TA	3'
	Arg	g Ar	g Gly	y Phe	e Glr	ı Lys	s Ile	e Asy	o Asi	Ala	a Glu	ı Lev	ı Lys	s GLT	ı GII	י דיאֿב	•	

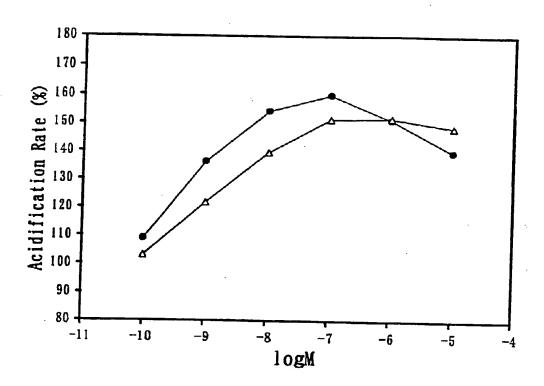
9 18 27 36 45 5' ATG GAA ATT ATT TCA TCA AAG CGA TTC ATT TTA TTG ACT TTA GCA A	54 ACT TCA ACC
Met Glu Ile Ile Ser Ser Lys Arg Phe Ile Leu Leu Thr Leu Ala T	
63 72 81 90 99 TTC TTA ACT TCA AAC ACC CTT TGT TCA GAT GAA TTA ATG ATG CCC C	. 108
Phe Leu Thr Ser Asn Thr Leu Cys Ser Asp Glu Leu Met Met Pro H	
117 126 135 144 153	162
AGC AAA GAA GGT TAT GGA AAA TAT TAC CAG CTG AGA GGA ATC CCA A	AAA GGG GTA
Ser Lys Glu Gly Tyr Gly Lys Tyr Tyr Gln Leu Arg Gly Ile Pro L	Lys Gly Val
171 180 189 198 207 AAG GAA AGA AGT GTC ACT TIT CAA GAA CTC AAA GAT TGG GGG GCA A	216
Lys Glu Arg Ser Val Thr Phe Gln Glu Leu Lys Asp Trp Gly Ala L	ys Lys Asp
225 234 243 252 261 ATT AAG ATG AGT CCA GCC CCT GCC AAC AAA. GTG CCC CAC TCA GCA G	270 CC AAC CTT
Ile Lys Met Ser Pro Ala Pro Ala Asn Lys Val Pro His Ser Ala A	
222	
279 288 297 306 315 CCC CTG AGG TTT GGG AGG AAC ATA GAA GAC AGA AGA AGC CCC AGG G	324 CACGGGCC
Pro Leu Arg Phe Gly Arg Asn Ile Glu Asp Arg Arg Ser Pro Arg A	
222	
AAC ATG GAG GCA GGG ACC ATG AGC CAT TIT CCC AGC CTG CCC CAA AC	378 GG TIT GGG
Asn Met Glu Ala Gly Thr Met Ser His Phe Pro Ser Leu Pro Gln As	rg Phe Gly
387 396 405 414 423	432
AGA ACA ACA GCC AGA CGC ATC ACC AAG ACA CTG GCT GGT TTG CCC CA	AG AAA TCC
Arg Thr Thr Ala Arg Arg Ile Thr Lys Thr Leu Ala Gly Leu Pro Gl	ln Lys Ser
441 450 459 468 477	486
CTG CAC TCC CTG GCC TCC AGT GAA TCG CTC TAT GCC ATG ACC CGC CA	AG CAT CAA
Leu His Ser Leu Ala Ser Ser Glu Ser Leu Tyr Ala Met Thr Arg Gl	ln His Gln
495 504 513 522 531	540
GAA ATT CAG AGT CCT GGT CAA GAG CAA CCT AGG AAA CGG GTG TTC AC	CG GAA ACA
Glu Ile Gln Ser Pro Gly Gln Glu Gln Pro Arg Lys Arg Val Phe Th	ar Glu Thr
549 558 567 576 585	594
GAT GAT GCA GAA AGG AAA CAA GAA AAA ATA GGA AAC CTC CAG CCA GT	C CTT CAA
Asp Asp Ala Glu Arg Lys Gln Glu Lys Ile Gly Asn Leu Gln Pro Va	al Leu Gln
603 612	
GGG GCT ATG AAG CTG TGA 3'	
Gly Ala Met Lys Leu ***	

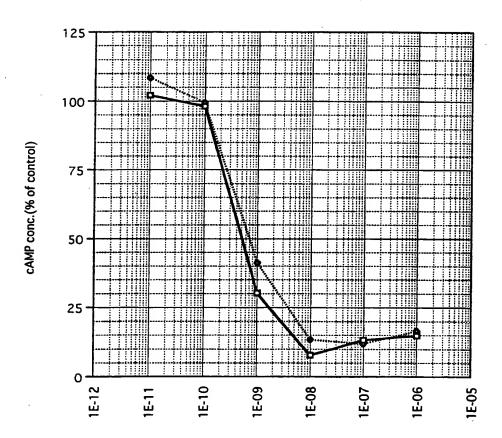
## THIC DACE DI ANK /ICPTO)

	図	6		
50	100	150	200	250
	100	150	200	250
	100	150	200	250
10 20 30 40 50 1 MEIISSKLFI LLTLATSSLL TSNIFCADEL VMSNLHSKEN YDKYSEPRG- 1 MEIISSKRFI LLTLATSSFL TSNIFCIDES RMPNLMSKKN YDKYSEPRGD 1 MEIISSKRFI LLTLATSSFL TSNITCSDEL MMFFFFISKEG MGKYVQLRGI	60 100 51YPKG-ER SINFEELKDW GPKNVIKWSI FANNKWPHSF ANLPLRFGRN 51 LGWEKER SLIFFEENKDW APK-IKWIK EWNKWFESA ANLPLRFGRN 51PKGVKER SVIFFELKDW GAKKOIKWSP APANKWPHSA ANLPLRFGRN	110 101 VOEERSAGAIT ANLPLRSTAN MENSILMRAVP NLPORFGRITT TAKSVCRMLS 101 MERERSTRAM AFFLPLRICKN REDSLISKWYP NLPORFGRITT TAKSTITKTLS 101 IEDRRSFRAR ANM	151 DICESSMHSP CANDIEVSMT COHOELONPD DECERTATER KIDDAELKOE 151 NILOOSMHSP STATLIVSMA COPDELONPG OKNIRRRED KIDDAELKOE 151 GIPOKSTHSF ASSESLYAMI ROHOELOSPG GEDPRENET ETDDAERKOE	201 K*
hLPLRF. aa	hl.pl.RF . aa	hlplrf.aa	hl.Pl.RF. aa	hLPLRF. aa
bLPLRF. aa	bl.pl.RF . aa	blplrf.aa	bl.Pl.RF. aa	bLPLRF. aa
rLPLRF. aa	rl.pl.RF . aa	rlplrf.aa	rl.Pl.RF. aa	rLPLRF. aa

## THIS PAGE PI ANK (USPTO)

1	TTTAGACTTAGACGAAATGGAAATTATTTCATTAAAACGATTCATTTTATTGACTGTG	28
1	MetGluIleIleSerLeuLysArgPheIleLeuLeuThrVal	14
59	GCAACTTCAAGCTTCTTAACATCAAACACCTTCTGTACAGATGAGTTCATGATGCCTCAT	118
15	AlaThrSerSerPheLeuThrSerAsnThrPheCysThrAspGluPheMetMetProHis	34
119	TTTCACAGCAAAGAAGGTGACGGAAAATACTCCCAGCTGAGAGGAATCCCAAAAGGGGAA	178
35	PheHisSerLysGluGlyAspGlyLysTyrSerGlnLeuArgGlyIleProLysGlyGlu	54
	AAGGAAAGAAGTGTCAGTTTTCAAGAACTAAAAGATTGGGGGGCAAAGAATGTTATTAAG	238
55	LysGluArgSerValSerPheGlnGluLeuLysAspTrpGlyAlaLysAsnValIleLys	74
	ATGAGTCCAGCCCTGCCAACAAGTGCCCCACTCAGCAGCCAACCTGCCCCTGAGATTT	298
75	MetSerProAlaProAlaAsnLysValProHisSerAlaAlaAsnLeuProLeuArgPhe	94
299	GGAAGGACCATAGATGAGAAAAGAAGCCCCGCAGCACGGGTCAACATGGAGGCAGGGACC	358
95	GlyArgThrIleAspGluLysArgSerProAlaAlaArgValAsnMetGluAlaGlyThr	114
359	AGGAGCCATTTCCCCAGCCTGCCCCAAAGGTTTGGGAGAACAACAGCCAGAAGCCCCAAG	418
115	ArgSerHisPheProSerLeuProGlnArgPheGlyArgThrThrAlaArgSerProLys	134
419	ACACCCGCTGATTTGCCACAGAAACCCCTGCACTCACTGGGCTCCAGCGAGTTGCTCTAC	478
135	ThrProAlaAspLeuProGlnLysProLeuHisSerLeuGlySerSerGluLeuLeuTyr	154
	GTCATGATCTGCCAGCACCAAGAAATTCAGAGTCCTGGTGGAAAGCGAACGAGGAGAGGA	538
155	ValMetIleCysGlnHisGlnGluIleGlnSerProGlyGlyLysArgThrArgArgGly	174
539	GCGTTTGTGGAAACAGATGATGCAGAAAGGAAACCAGAAAAATAGGAAACCTCGAGCCCG	,598
175	AlaPheValGluThrAspAspAlaGluArgLysProGluLys***	188
599	ACTTCAAGAGGCTACGGAGC	618
188		188





Conc.(M)

#### SEQUENCE LISTING

<110> Takeda Chemical Industries, Ltd.

<120> Novel Protein and its DNA

<130> 2568WOOP

<150> JP 10-323759

<151> 1998-11-13

<150> JP 11-060030

<151> 1999-03-08

<150> JP 11-106812

<151> 1999-04-14

<150> JP 11-166672

<151> 1999-06-14

<150> JP 11-221640

<151> 1999-08-04

<150> JP 11-259818

(151) 1999-09-14

<160> 58

<210> 1

<211> 180

<212> PRT <213> Human <400> 1 Met Glu Ile Ile Ser Ser Lys Leu Phe Ile Leu Leu Thr Leu Ala Thr Ser Ser Leu Leu Thr Ser Asn Ile Phe Cys Ala Asp Glu Leu Val Met Ser Asn Leu His Ser Lys Glu Asn Tyr Asp Lys Tyr Ser Glu Pro Arg Gly Tyr Pro Lys Gly Glu Arg Ser Leu Asn Phe Glu Glu Leu Lys Asp Trp Gly Pro Lys Asn Val IIe Lys Met Ser Thr Pro Ala Val Asn Lys Met Pro His Ser Phe Ala Asn Leu Pro Leu Arg Phe Gly Arg Asn Val Gln Glu Glu Arg Ser Ala Gly Ala Thr Ala Asn Leu Pro Leu Arg Ser Gly Arg Asn Met Glu Val Ser Leu Val Arg Arg Val Pro Asn Leu Pro Gln Arg Phe Gly Arg Thr Thr Ala Lys Ser Val Cys Arg Met Leu Ser Asp Leu Cys Gln Gly Ser Met His Ser Pro Cys Ala Asn Asp Leu Phe Tyr Ser Met Thr Cys Gln His Gln Glu Ile Gln Asn Pro Asp Gln 

Lys Gln Ser Arg

# THIS PAGE RI ANK (USPTO)

<213> Artificial Sequence

<220>

<210> 2 <211> 540 <212> DNA <213> Human **<400>** 2 ATGGAAATTA TTTCATCAAA ACTATTCATT TTATTGACTT TAGCCACTTC AAGCTTGTTA 60 ACATCAAACA TTTTTTGTGC AGATGAATTA GTGATGTCCA ATCTTCACAG CAAAGAAAAT 120 TATGACAAAT ATTCTGAGCC TAGAGGATAC CCAAAAGGGG AAAGAAGCCT CAATTTTGAG 180 GAATTAAAAG ATTGGGGACC AAAAAATGTT ATTAAGATGA GTACACCTGC AGTCAATAAA 240 ATGCCACACT CCTTCGCCAA CTTGCCATTG AGATTTGGGA GGAACGTTCA AGAAGAAAGA 300 AGTGCTGGAG CAACAGCCAA CCTGCCTCTG AGATCTGGA AGAAATATGGA GGTGAGCCTC 360 GTGAGACGTG TTCCTAACCT GCCCCAAAGG TTTGGGAGAA CAACAACAGC CAAAAGTGTC 420 TGCAGGATGC TGAGTGATTT GTGTCAAGGA TCCATGCATT CACCATGTGC CAATGACTTA 480 TTTTACTCCA TGACCTGCCA GCACCAAGAA ATCCAGAATC CCGATCAAAA ACAGTCAAGG 540 <210> 3 <211> 27 <212> DNA <213> Artificial Sequence <220> **<223> <400>** 3 GGGCTGCACA TAGAGACTTA ATTTTAG 27 <210> 4 <211> 27 <212> DNA

<223>	
<400> 4	
CTAGACCACC TCTATATAAC TGCCCAT	27
<210> 5	
<211> 30	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223>	
< <b>400&gt;</b> 5	
GCACATAGAG ACTTAATTTT AGATTTAGAC	30
<210> 6	
⟨211⟩ 27	
<212> DNA	•
<213> Artificial Sequence	
⟨220⟩	
⟨223⟩	
<400> 6	
CATGCACTTT GACTGGTTTC CAGGTAT	27
<210> 7	
<211> 27	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
⟨220⟩	
⟨223⟩	
<b>&lt;400&gt;</b> 7	
CAGCTTTAGG GACAGGCTCC AGGTTTC	27

<210> 8 <211> 196 <212> PRT <213> Human <400> 8 Met Glu Ile Ile Ser Ser Lys Leu Phe Ile Leu Leu Thr Leu Ala Thr Ser Ser Leu Leu Thr Ser Asn Ile Phe Cys Ala Asp Glu Leu Val Met Ser Asn Leu His Ser Lys Glu Asn Tyr Asp Lys Tyr Ser Glu Pro Arg Gly Tyr Pro Lys Gly Glu Arg Ser Leu Asn Phe Glu Glu Leu Lys Asp Trp Gly Pro Lys Asn Val Ile Lys Met Ser Thr Pro Ala Val Asn Lys 80. Met Pro His Ser Phe Ala Asn Leu Pro Leu Arg Phe Gly Arg Asn Val Gln Glu Glu Arg Ser Ala Gly Ala Thr Ala Asn Leu Pro Leu Arg Ser Gly Arg Asn Met Glu Val Ser Leu Val Arg Arg Val Pro Asn Leu Pro Gln Arg Phe Gly Arg Thr Thr Ala Lys Ser Val Cys Arg Met Leu Ser Asp Leu Cys Gln Gly Ser Met His Ser Pro Cys Ala Asn Asp Leu Phe Tyr Ser Met Thr Cys Gln His Gln Glu Ile Gln Asn Pro Asp Gln

Lys Gln Ser Arg Arg Leu Leu Phe Lys Lys Ile Asp Asp Ala Glu Leu

180

185

190

Lys Gln Glu Lys

195

<210> 9

<211> 588

<212> DNA

<213> Human

<400> 9

<210> 10

ATGGAAATTA TTTCATCAAA ACTATTCATT TTATTGACTT TAGCCACTTC AAGCTTGTTA 60

ACATCAAACA TTTTTTGTGC AGATGAATTA GTGATGTCCA ATCTTCACAG CAAAGAAAAT 120

TATGACAAAT ATTCTGAGCC TAGAGGATAC CCAAAAGGGG AAAGAAGCCT CAATTTTGAG 180

GAATTAAAAG ATTGGGGACC AAAAAATGTT ATTAAGATGA GTACACCTGC AGTCAATAAA 240

ATGCCACACT CCTTCGCCAA CTTGCCATTG AGATTTGGGA GGAACGTTCA AGAAGAAAGA 300

AGTGCTGGAG CAACAGCCAA CCTGCCTCTG AGATCTGGAA GAAATATGGA GGTGAGCCTC 360

GTGAGACGTG TTCCTAACCT GCCCCAAAGG TTTGGGAGAA CAACAACAGC CAAAAGTGTC 420

TGCAGGATGC TGAGTGATTT GTGTCAAGGA TCCATGCATT CACCATGTGC CAATGACTTA 480

TTTTACTCCA TGACCTGCCA GCACCAAGAA ATCCAGAATC CCGATCAAAA ACAGTCAAGG 540

AGACTGCTAT TCAAGAAAAT AGATGATGCA GAATTGAAAC AAGAAAAA 588

7/32

PCT/JP99/06283

WO 00/29441

<213> Artificial Sequence

<220> <223> **<400> 13** TTCCTCCCAA ATCTCAGTGG CAGGTTG 27 <210> 14 <211> 196 <212> PRT <213> Bovine <400> 14 Met Glu Ile Ile Ser Leu Lys Arg Phe Ile Leu Leu Met Leu Ala Thr 1 5 10 15 Ser Ser Leu Leu Thr Ser Asn Ile Phe Cys Thr Asp Glu Ser Arg Met 20 25 30 Pro Asn Leu Tyr Ser Lys Lys Asn Tyr Asp Lys Tyr Ser Glu Pro Arg 35 40 45 Gly Asp Leu Gly Trp Glu Lys Glu Arg Ser Leu Thr Phe Glu Glu Val 50 55 60 Lys Asp Trp Ala Pro Lys Ile Lys Met Asn Lys Pro Val Val Asn Lys 65 70 75 80 Met Pro Pro Ser Ala Ala Asn Leu Pro Leu Arg Phe Gly Arg Asn Met 85 90 Glu Glu Glu Arg Ser Thr Arg Ala Met Ala His Leu Pro Leu Arg Leu 100 105 Gly Lys Asn Arg Glu Asp Ser Leu Ser Arg Trp Val Pro Asn Leu Pro

120

135

Gln Arg Phe Gly Arg Thr Thr Ala Lys Ser Ile Thr Lys Thr Leu

125

140

115

130

Ser Asn Leu Leu Gln Gln Ser Met His Ser Pro Ser Thr Asn Gly Leu 145 150 155 160 Leu Tyr Ser Met Ala Cys Gln Pro Gln Glu Ile Gln Asn Pro Gly Gln 165 170 Lys Asn Leu Arg Arg Gly Phe Gln Lys Ile Asp Asp Ala Glu Leu 180 185 190 Lys Gln Glu Lys 195 <210> 15 <211> 588 <212> DNA <213> Bovine **<400>** 15

**<210>** 15

<211> 588

<212> DNA

<213> Bovine

<400> 15

ATGGAAATTA TTTCATTAAA ACGATTCATT TTATTGATGT TAGCCACTTC AAGCTTGTTA 60

ACATCAAACA TCTTCTGCAC AGACGAATCA AGGATGCCCA ATCTTTACAG CAAAAAGAAT 120

TATGACAAAT ATTCCGAGCC TAGAGGAGAT CTAGGCTGGG AGAAAGAAAG AAGTCTTACT 180

TTTGAAGAAG TAAAAGATTG GGCTCCAAAA ATTAAGATGA ATAAACCTGT AGTCAACAAA 240

ATGCCACCTT CTGCAGCCAA CCTGCCACTG AGATTTGGGA GGAACATGGA AGAAGAAAGG 300

AGCACTAGGG CGATGGCCCA CCTGCCTCTG AGACTCGGAA AAAATAGAGA	GGACAGCCTC	360
TCCAGATGGG TCCCAAATCT GCCCCAGAGG TTTGGAAGAA CAACAACAGC	CAAAAGCATT	420
ACCAAGACCC TGAGTAATTT GCTCCAGCAG TCCATGCATT CACCATCTAC	CAATGGGCTA	480
CTCTACTCCA TGGCCTGCCA GCCCCAAGAA ATCCAGAATC CTGGTCAAAA	GAACCTAAGG	540
AGACGGGGAT TCCAGAAAAT AGATGATGCA GAATTGAAAC AAGAAAAA		588
<210> 16		
<211> 27		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
⟨223⟩		
<400> 16		
CCCTGGGGCT TCTTCTGTCT TCTATGT	27	
<210> 17		
<211> 26		
<212> DNA		•
<213> Artificial Sequence		
<220>		
⟨223⟩		
<400> 17		
AGCGATTCAT TTTATTGACT TTAGCA	26	
⟨210⟩ 18		
<211> 203		
<212> PRT		

<213> Rat

<400> 18

Met Glu Ile Ile Ser Ser Lys Arg Phe Ile Leu Leu Thr Leu Ala Thr

1 5 10 15

Ser Ser Phe Leu Thr Ser Asn Thr Leu Cys Ser Asp Glu Leu Met Met

20 25 30

Pro His Phe His Ser Lys Glu Gly Tyr Gly Lys Tyr Tyr Gln Leu Arg

35 40 45

Gly Ile Pro Lys Gly Val Lys Glu Arg Ser Val Thr Phe Gln Glu Leu

50 55 60

Lys Asp Trp Gly Ala Lys Lys Asp Ile Lys Met Ser Pro Ala Pro Ala

65 70 75 80

Asn Lys Val Pro His Ser Ala Ala Asn Leu Pro Leu Arg Phe Gly Arg

85 90 95

Asn Ile Glu Asp Arg Arg Ser Pro Arg Ala Arg Ala Asn Met Glu Ala

100 105 110

Gly Thr Met Ser His Phe Pro Ser Leu Pro Gln Arg Phe Gly Arg Thr

115 120 125

Thr Ala Arg Arg Ile Thr Lys Thr Leu Ala Gly Leu Pro Gln Lys Ser

130 135 140

Leu His Ser Leu Ala Ser Ser Glu Ser Leu Tyr Ala Met Thr Arg Gln

145 150 155 160

His Gln Glu Ile Gln Ser Pro Gly Gln Glu Gln Pro Arg Lys Arg Val

165 170 175

Phe Thr Glu Thr Asp Asp Ala Glu Arg Lys Gln Glu Lys Ile Gly Asn

180 185 190

#### Leu Gln Pro Val Leu Gln Gly Ala Met Lys Leu

195 200

<210> 19

<211> 609

<212> DNA

<213> Rat

<400> 19

ATGGAAATTA TTTCATCAAA GCGATTCATT TTATTGACTT TAGCAACTTC AAGCTTCTTA 60
ACTTCAAACA CCCTTTGTTC AGATGAATTA ATGATGCCCC ATTTTCACAG CAAAGAAGGT 120
TATGGAAAAT ATTACCAGCT GAGAGGAATC CCAAAAGGGG TAAAGGAAAG AAGTGTCACT 180
TTTCAAGAAC TCAAAGATTG GGGGGCAAAG AAAGATATTA AGATGAGTCC AGCCCCTGCC 240
AACAAAGTGC CCCACTCAGC AGCCAACCTT CCCCTGAGGT TTGGGAGGAA CATAGAAGAC 300
AGAAGAAGCC CCAGGGCACG GGCCAACATG GAGGCAGGGA CCATGAGCCA TTTTCCCAGC 360
CTGCCCCAAA GGTTTGGGAG AACAACAGCC AGACGCATCA CCAAGACACT GGCTGGTTTG 420
CCCCAGAAAT CCCTGCACTC CCTGGCCTCC AGTGAATCGC TCTATGCCAT GACCCGCCAG 480
CATCAAGAAA TTCAGAGTCC TGGTCAAGAG CAACCTAGGA AACGGGTGTT CACGGAAACA 540
GATGATGCAG AAAGGAAACA AGAAAAAATA GGAAACCTCC AGCCAGTCCT TCAAGGGGCT 600
ATGAAGCTG

<210> 20

<211> 12

<212> DNA

<213 Artificial Sequence

<220>

<223>

**<400> 20** 

	10, 02		
MGNTTYGGNA AR		12	
<210> 21			
<211> 12			
<212> DNA			
<213> Artificial	Sequence		
<220>			
<223>			
<400> 21			
MGNTTYGGNM GN		12	
<210> 22			
<211> 12			
<212> DNA			
<213> Artificial			
<220>		- - - A	
<223>		***	
<b>&lt;400&gt;</b> 22			
MGNWSNGGNA AR		12	
<210> 23			
<211> 12			
<212> DNA			
<213> Artificial	Sequence		
<220>			
<223>			
<b>&lt;400&gt;</b> 23			
MGNWSNGGNM GN		12	
<210> 24			
<211> 12			

13/32

PCT/JP99/06283

WO 00/29441

<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223>	
<b>&lt;400&gt;</b> 24	
MGNYTNGGNA AR	12
<b>&lt;210&gt; 25</b>	
<211> 12	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<b>&lt;220&gt;</b>	
<223>	
<400> 25	
MGNYTNGGNM GN	12
<210> 26	
<211> 30	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
⟨223⟩	
<b>&lt;400&gt;</b> 26	
GACTTAATTT TAGATTTAGA CAAAATGGAA	30
<21 <b>0&gt;</b> 27	
<211> 25	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	

<220>

<223>

<400> 27

TTCTCCCAAA CCTTTGGGGC AGGTT

25

<210> 28

<211> 28

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223>

**<400> 28** 

ACAGCAAAGA AGGTGACGGA AAATACTC

28

<210> 29

<211> 28

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223>

**<400> 29** 

ATAGATGAGA AAAGAAGCCC CGCAGCAC

28

<210> 30

<211> 28

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223>	
<400> 30	
GTGCTGCGGG GCTTCTTTTC TCATCTAT	28
<210> 31	
<211> 21	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	,
<220>	
<223>	
<400> 31	
TTTAGACTTA GACGAAATGG A	21
<210> 32	
<211> 21	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
⟨223⟩	
<400> 32	
GCTCCGTAGC CTCTTGAAGT C	21
<210> 33	
⟨211⟩ 188	

<212> PRT

**<400> 33** 

<213> Mouse

Met	Glu	He	Ile	Ser	Leu	Lys	Arg	Phe	Ile	Leu	Leu	Thr	Val	Ala	Thr
1				5					10					15	
Ser	Ser	Phe	Leu	Thr	Ser	Asn	Thr	Phe	Cys	Thr	Asp	Glu	Phe	Met	Met
			20					25					30		
Pro	His	Phe	His	Ser	Lys	Glu	Gly	Asp	Gly	Lys	Tyr	Ser	Gln	Leu	Arg
		35					40					45			
Gly	He	Pro	Lys	Gly	Glu	Lys	Glu	Arg	Ser	Val	Ser	Phe	Gln	Glu	Leu
	50					<b>5</b> 5					60				
Lys	Asp	Trp	Gly	Ala	Lys	Asn	Val	Ile	Lys	Met	Ser	Pro	Ala	Pro	Ala
65					70					75					80
Asn	Lys	Val	Pro	His	Ser	Ala	Ala	Asn	Leu	Pro	Leu	Arg	Phe	Gly	Arg
			,	85					90					95	
Thr	Ile	Asp	Glu	Lys	Arg	Ser	Pro	Ala	Ala	Arg	Val	Asn	Met	Glu	Ala
			100					105			,		110		
Gly	Thr	Arg	Ser	His	Phe	Pro	Ser	Leu	Pro	Gln	Arg	Phe	Gly	Arg	Thr
		115					120					125			
Thr	Ala	Arg	Ser	Pro	Lys	Thr	Pro	Ala	Asp	Leu	Pro	Gln	Lys	Pro	Leu
	130					135					140				
His	Ser	Leu	Gly	Ser	Ser	Glu	Leu	Leu	Tyr	Val	Met	Ile	Cys	GIn	His
145					150					155	,*				160
Gln	Glu	Ile	Gln	Ser	Pro	Gly	Gly	Lys	Arg	Thr	Arg	Arg	Gly	Ala	Phe
				165					170					175	
Val	Glu	Thr	Asp	Asp	Ala	Glu	Arg	Lys	Pro	Glu	Lys				
			180					185							
<210	(210) 34														

<211> 564

<212> DNA	
<213> Mouse	
<400> 34	
ATGGAAATTA TTTCATTAAA ACGATTCATT TTATTGACTG TGGCAACTTC AAGCTTCTTA	60
ACATCAAACA CCTTCTGTAC AGATGAGTTC ATGATGCCTC ATTTTCACAG CAAAGAAGGT	120
GACGGAAAAT ACTCCCAGCT GAGAGGAATC CCAAAAGGGG AAAAGGAAAG AAGTGTCAGT	180
TTTCAAGAAC TAAAAGATTG GGGGGCAAAG AATGTTATTA AGATGAGTCC AGCCCCTGCC	240
AACAAAGTGC CCCACTCAGC AGCCAACCTG CCCCTGAGAT TTGGAAGGAC CATAGATGAG	300
AAAAGAAGCC CCGCAGCACG GGTCAACATG GAGGCAGGGA CCAGGAGCCA TTTCCCCAGC	360
CTGCCCCAAA GGTTTGGGAG AACAACAGCC AGAAGCCCCCA AGACACCCGC TGATTTGCCA	420
CAGAAACCCC TGCACTCACT GGGCTCCAGC GAGTTGCTCT ACGTCATGAT CTGCCAGCAC	480
CAAGAAATTC AGAGTCCTGG TGGAAAGCGA ACGAGGAGAG GAGCGTTTGT GGAAACAGAT	540
GATGCAGAAA GGAAACCAGA AAAA	564
<210> 35	
<211> 27	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<b>&lt;220&gt;</b>	
⟨223⟩	
<b>&lt;400&gt;</b> 35	
AGTCGACAGT ATGGAGGCGG AGCCCTC 27	
<210> 36	
⟨211⟩ 29	
<212> DNA	

<213> Artificial Sequence

<220>

<223>

**<400>** 36

#### GACTAGTTCA AATGTTCCAG GCCGGGATG

29

<210> 37

<211> 432

<212> PRT

<213> Rat

<400> 37

Met Glu Ala Glu Pro Ser Gln Pro Pro Asn Gly Ser Trp Pro Leu Gly

5 10 Gln Asn Gly Ser Asp Val Glu Thr Ser Met Ala Thr Ser Leu Thr Phe 25 Ser Ser Tyr Tyr Gln His Ser Ser Pro Val Ala Ala Met Phe Ile Ala Ala Tyr Val Leu Ile Phe Leu Leu Cys Met Val Gly Asn Thr Leu Val 55 Cys Phe Ile Val Leu Lys Asn Arg His Met Arg Thr Val Thr Asn Met 65 75 Phe Ile Leu Asn Leu Ala Val Ser Asp Leu Leu Val Gly Ile Phe Cys 90 Met Pro Thr Thr Leu Val Asp Asn Leu Ile Thr Gly Trp Pro Phe Asp 100 Asn Ala Thr Cys Lys Met Ser Gly Leu Val Gln Gly Met Ser Val Ser 120 Ala Ser Val Phe Thr Leu Val Ala Ile Ala Val Glu Arg Phe Arg Cys 135 Ile Val His Pro Phe Arg Glu Lys Leu Thr Leu Arg Lys Ala Leu Phe 145 150 155 160 Thr Ile Ala Val Ile Trp Ala Leu Ala Leu Leu Ile Met Cys Pro Ser 165 170 Ala Val Thr Leu Thr Val Thr Arg Glu Glu His His Phe Met Leu Asp 185 Ala Arg Asn Arg Ser Tyr Pro Leu Tyr Ser Cys Trp Glu Ala Trp Pro

		195					200					205			
Glu	Lys	Gly	Met	Arg	Lys	Val	Tyr	Thr	Ala	Val	Leu	Phe	Ala	His	Πle
	210					215					220				
Туг	Leu	Val	Pro	Leu	Ala	Leu	Ile	Val	Val	Met	Tyr	Val	Arg	He	Ala
225					230					235					240
Arg	Lys	Leu	Cys	Gln	Ala	Pro	Gly	Pro	Ala	Arg	Asp	Thr	Glu	Glu	Ala
				245					250					255	
Val	Ala	Glu	Gly	Gly	Arg	Thr	Ser	Arg	Arg	Arg	Ala	Arg	Val	Val	His
			260					265					270		
Met	Leu	Val	Met	Val	Ala	Leu	Phe	Phe	Thr	Leu	Ser	Trp	Leu	Pro	Leu
		275					280					285			
Trp	Val	Leu	Leu	Leu	Leu	Ile	Asp	Tyr	Gly	Glu	Leu	Ser	Glu	Leu	Gln
	290					295					300				
Leu	His	Leu	Leu	Ser	Val	Tyr	Ala	Phe	Pro	Leu	Ala	His	Trp	Leu	Ala
305					310					315					320
Phe	Phe	His	Ser	Ser	Ala	Asn	Pro	Ile	He	Tyr	Gly	Tyr	Phe	Asn	Glu
				325					330					335	
Asn	Phe	Arg	Arg	Gly	Phe	Gln	Ala	Ala	Phe	Arg	Ala	Gln	Leu	Cys	Trp
			340					345					350		
Pro	Pro	Trp	Ala	Ala	His	Lys	Gln	Ala	Tyr	Ser	Glu	Arg	Pro	Asn	Arg
		355					360					365			
Leu		Arg	Arg	Arg	Val	Val	Val	Asp	Vai	Gln	Pro	Ser	Asp	Ser	Gly
	370					375					380				
	Pro	Ser	Glu	Ser		Pro	Ser	Ser	Gly	Val	Pro	Gly	Pro	Gly	Arg
385					390					395					400
Leu	Pro	Leu	Arg		Gly	Arg	Val	Ala	His	Gln	Asp	Gly	Pro	Gly	Glu
				405					410					415	
Gly	Pro	Gly		Asn	His	Met	Pro	Leu	Thr	He	Pro	Ala	Trp	Asn	Ile
			420					425					430		
<210	)> 3	8													
<21	1> 1:	299													

<212> DNA

<213> Rat

**<400>** 38

ATGGAGGCGG AGCCCTCCCA GCCTCCCAAC GGCAGCTGGC CCCTGGGTCA GAACGGGAGT GATGTGGAGA CCAGCATGGC AACCAGCCTC ACCTTCTCCT CCTACTACCA ACACTCCTCT 120 CCGGTGGCAG CCATGTTCAT CGCGGCCTAC GTGCTCATCT TCCTCCTCTG CATGGTGGGC 180

A/	ACACCCTGG	TCTGCTTCAT	TTGTGCTCAAC	AACCGGCACA	TGCGCACTG1	CACCAACATO	3 240
TI	TATCCTCA	ACCTGGCCG	CAGCGACCTO	CTGGTGGGCA	A TCTTCTGCAT	GCCCACAACC	300
CI	TGTGGACA	ACCTTATCA	TGGTTGGCCT	TTTGACAACG	CCACATGCAA	GATGAGCGGC	360
TT	GGTGCAGG	GCATGTCCGT	GTCTGCATCG	GTTTTCACAC	TGGTGGCCAT	CGCTGTGGAA	420
AG	GTTCCGCT	GCATCGTGCA	CCCTTTCCGC	GAGAAGCTGA	CCCTTCGGAA	GGCGCTGTTC	480
AC	CATCGCGG	TGATCTGGGC	CTCTGGCGCTG	CTCATCATGT	GTCCCTCGGC	GGTCACTCTG	540
AC	AGTCACCC	GAGAGGAGCA	TCACTTCATG	CTGGATGCTC	GTAACCGCTC	CTACCCGCTC	600
TA	CTCGTGCT	GGGAGGCCTG	GCCCGAGAAG	GGCATGCGCA	AGGTCTACAC	CGCGGTGCTC	660
TT	CGCGCACA	TCTACCTGGT	GCCGCTGGCG	CTCATCGTAG	TGATGTACGT	GCGCATCGCG	720
CG	CAAGCTAT	GCCAGGCCCC	CGGTCCTGCG	CGCGACACGG	AGGAGGCGGT	GGCCGAGGGT	780
GG	CCGCACTT	CGCGCCGTAG	GGCCCGCGTG	GTGCACATGC	TGGTCATGGT	GGCGCTCTTC	840
TT(	CACGTTGT	CCTGGCTGCC	ACTCTGGGTG	СТССТССТСС	TCATCGACTA	TGGGGAGCTG	900
AG	CGAGCTGC	AACTGCACCT	GCTGTCGGTC	TACGCCTTCC	CCTTGGCACA	CTGGCTGGCC	960
rt(	CTTCCACA	GCAGCGCCAA	CCCCATCATC	TACGGCTACT	TCAACGAGAA	CTTCCGCCGC	1020
GG(	CTTCCAGG	CTGCCTTCCG	TGCACAGCTC	TGCTGGCCTC	CCTGGGCCGC	CCACAAGCAA	1080
GCC	CTACTCGG	AGCGGCCCAA	CCGCCTCCTG	CGCAGGCGGG	TGGTGGTGGA	CGTGCAACCC	1140
\G(	CGACTCCG	GCCTGCCATC	AGAGTCTGGC	CCCAGCAGCG	GGGTCCCAGG	GCCTGGCCGG	1200
CTG	CCACTGC	GCAATGGGCG	TGTGGCCCAT	CAGGATGGCC	CGGGGGAAGG	GCCAGGCTGC	1260
AC	CACATGC	CCCTCACCAT	CCCGGCCTGG	AACATTTGA			1299

**<210> 39** 

<211> 12

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220>

 $\langle 223 \rangle$  the C-terminus of the polypeptide is amide (-CONH₂) form

<210> 42

<211> 36

<212> DNA

**<400> 42** 

<213> Human

```
<400> 39
 Met Pro His Ser Phe Ala Asn Leu Pro Leu Arg Phe
 1
 <210> 40
 <211> 8
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence
 <220>
\langle 223 \rangle the C-terminus of the polypeptide is amide (-CONH<sub>2</sub>) form
<400> 40
Val Pro Asn Leu Pro Gln Arg Phe
 1
<210> 41
<211> 11
<212> PRT
<213> Artificial Sequence
<220>
\langle 223 \rangle the C-terminus of the polypeptide is amide (-CONH<sub>2</sub>) form
<400> 41
Ser Ala Gly Ala Thr Ala Asn Leu Pro Arg Ser
 1
                   5
                                            10
```

ATGCCACACT CCTTCGCCAA CTTGCCATTG AGATTT	36
<210> 43	
<211> 36	
<212> DNA	
<213> Human	
<400> 43	
AGTGCTGGAG CAACAGCCAA CCTGCCTCTG AGATCT	36
⟨210⟩ 44	
<211> 24	
<212> DNA	
<213> Human	
<b>&lt;400&gt;</b> 44	
GTTCCTAACC TGCCCCAAAG GTTT	24
<210> 45	
<211> 276	
<212> DNA	
<213> Human	
<b>&lt;400&gt;</b> 45	
ATGGAAATTA TTTCATCAAA ACTATTCATT TTATTGACTT TAGCCACTTC AAGCTTGTTA	60
ACATCAAACA TTTTTTGTGC AGATGAATTA GTGATGTCCA ATCTTCACAG CAAAGAAAAT	120
TATGACAAAT ATTCTGAGCC TAGAGGATAC CCAAAAGGGG AAAGAAGCCT CAATTTTGAG	180
GAATTAAAAG ATTGGGGACC AAAAAATGTT ATTAAGATGA GTACACCTGC AGTCAATAAA	240
ATGCCACACT CCTTCGCCAA CTTGCCATTG AGATTT	276
<210> 46	
<211> 336	
<212> DNA	
(912) Human	

<400> 46	
ATGGAAATTA TTTCATCAAA ACTATTCATT TTATTGACTT TAGCCACTTC AAGCTTGTTA	60
ACATCAAACA TTTTTTGTGC AGATGAATTA GTGATGTCCA ATCTTCACAG CAAAGAAAAT	120
TATGACAAAT ATTCTGAGCC TAGAGGATAC CCAAAAGGGG AAAGAAGCCT CAATTTTGAG	180
GAATTAAAAG ATTGGGGACC AAAAAATGTT ATTAAGATGA GTACACCTGC AGTCAATAAA	240
ATGCCACACT CCTTCGCCAA CTTGCCATTG AGATTTGGGA GGAACGTTCA AGAAGAAAGA	300
AGTGCTGGAG CAACAGCCAA CCTGCCTCTG AGATCT	336
<210> 47	
<211> 393	
<212> DNA	
<213> Human	
<400> 47	
ATGGAAATTA TTTCATCAAA ACTATTCATT TTATTGACTT TAGCCACTTC AAGCTTGTTA	60
ACATCAAACA TTTTTTGTGC AGATGAATTA GTGATGTCCA ATCTTCACAG CAAAGAAAAT	120
TATGACAAAT ATTCTGAGCC TAGAGGATAC CCAAAAGGGG AAAGAAGCCT CAATTTTGAG	180
GAATTAAAAG ATTGGGGACC AAAAAATGTT ATTAAGATGA GTACACCTGC AGTCAATAAA	240
ATGCCACACT CCTTCGCCAA CTTGCCATTG AGATTTGGGA GGAACGTTCA AGAAGAAAGA	300
AGTGCTGGAG CAACAGCCAA CCTGCCTCTG AGATCTGGA AGAAATATGGA GGTGAGCCTC	360
GTGAGACGTG TTCCTAACCT GCCCCAAAGG TTT	393
⟨210⟩ 48	
(211) 27	
(212> DNA	
(213) Artificial Sequence	
(220>	
(223>	
'ADD\ A8	

65

27

26

80

CCO	CTGG	GGCT	TCT	гстс	TCT	TCTA	TGT								
<21	10> 4	19													
<21	1> 2	26													
<21	2> [	ONA								•					
<21	3> A	Artif	icia	ıl S	Seque	ence									
<22	<0>														
<22	3>														
<40	0> 4	9													
AGC	GATT	CAT	TTTA	TTGA	CT T	TAGC	CA								
<21	0> 5	0													
<21	1> 2	03													
<21	2> P	RT													
<21	3> R	a t												-	
<40	0> 5	0													
Met	Glu	He	Ile	Ser	Ser	Lys	Arg	Phe	Ile	Leu	Leu	Thr	Leu	Ala	Thr
1				5					10					15	
Ser	Ser	Phe	Leu	Thr	Ser	Asn	Thr	Leu	Cys	Ser	Asp	Glu	Leu	Met	Met
			20					25					30		
Pro	His	Phe	His	Ser	Lys	Glu	Gly	Tyr	Gly	Lys	Tyr	Tyr	Gln	Leu	Arg
		35					40					45			
Gly	Ile	Pro	Lys	Gly	Val	Lys	Glu	Arg	Ser	Val	Thr	Phe	Gln	Glu	Leu
	50		٠			55					60	•			

Lys Asp Trp Gly Ala Lys Lys Asp Ile Lys Met Ser Pro Ala Pro Ala

Asn Lys Val Pro His Ser Ala Ala Asn Leu Pro Leu Arg Phe Gly Arg

75

70

WO 00/29441 PCT/JP99/06283

Asn Ile Glu Asp Arg Arg Ser Pro Arg Ala Arg Ala Asn Met Glu Ala Gly Thr Met Ser His Phe Pro Ser Leu Pro Gln Arg Phe Gly Arg Thr Thr Ala Arg Arg Ile Thr Lys Thr Leu Ala Gly Leu Pro Gln Lys Ser Leu His Ser Leu Ala Ser Ser Glu Leu Leu Tyr Ala Met Thr Arg Gln His Gln Glu Ile Gln Ser Pro Gly Gln Glu Gln Pro Arg Lys Arg Val Phe Thr Glu Thr Asp Asp Ala Glu Arg Lys Gln Glu Lys Ile Gly Asn Leu Gln Pro Val Leu Gln Gly Ala Met Lys Leu <210> 51 <211> 609 <212> DNA <213> Rat

<400> 51

ATGGAAATTA TTTCATCAAA GCGATTCATT TTATTGACTT TAGCAACTTC AAGCTTCTTA 60
ACTTCAAACA CCCTTTGTTC AGATGAATTA ATGATGCCCC ATTTTCACAG CAAAGAAGGT 120
TATGGAAAAT ATTACCAGCT GAGAGGAATC CCAAAAGGGG TAAAGGAAAG AAGTGTCACT 180
TTTCAAGAAC TCAAAGATTG GGGGGCAAAG AAAGATATTA AGATGAGTCC AGCCCCTGCC 240
AACAAAGTGC CCCACTCAGC AGCCAACCTT CCCCTGAGGT TTGGGAGGAA CATAGAAGAC 300

<212> PRT

AGAAGA	AGCC CCAGG	GCACG	GGCCAACATG	GAGGCAGGGA	CCATGAGCCA	TTTTCCCAGC	360
CTGCCC	CCAAA GGTTT	GGGAG	AACAACAGCC	AGACGCATCA	CCAAGACACT	GGCTGGTTTG	420
CCCCAG	GAAAT CCCTG	CACTC	CCTGGCCTCC	AGTGAATTGC	TCTATGCCAT	GACCCGCCAG	480
CATCAA	GAAA TTCAG	AGTCC	TGGTCAAGAG	CAACCTAGGA	AACGGGTGTT	CACGGAAACA	540
GATGAT	GCAG AAAGG	AAACA	AGAAAAAATA	GGAAACCTCC	AGCCAGTCCT	TCAAGGGGCT	600
ATGAAG	CTG						609
<210>	52						
<b>&lt;211&gt;</b>	27						
<212>	DNA						
<213>	Artificial	Sequ	ience				
<220>							
<223>			<del>-</del> .				
<400>	52						
TTCTAG	ATTT TGGAC	AAAAT	GGAAATT	•	·		27
<210>	53						
<211>	27						
<212> 1	DNA						
<213> 1	Artificial	Sequ	ence				
<220>							
<223>							
<400> 5	53						
CGTCTTT	TAGG GACAGO	CTCC .	AGATTTC				27
<210> 5	54						
<211> 4	130						

<21	13> I	Humai	1												
<40	00> 5	54													
Met	Glu	ı Gly	/ Glu	ı Pro	Ser	Gln	Pro	Pro	Asr	ı Sei	r Sei	Tr	Pro	Le	u Ser
1				5					10					15	
Gln	Asn	Gly	Thr	Asn	Thr	Glu	Ala	Thr	Pro	Ala	Thr	Asr	ı Lei	Th	r Phe
			20					25					30		
Ser	Ser	Tyr	Tyr	Gln	His	Thr	Ser	Pro	Val	Ala	ı Ala	Met	Phe	· Ile	e Val
		35					40					45			
Ala	Tyr	Ala	Leu	Ile	Phe	Leu	Leu	Cys	Met	Val	Gly	Asn	Thr	Lei	ı Val
	50					55					60				
Cys	Phe	Ile	Val	Leu	Lys	Asn	Arg	His	Met	His	Thr	Val	Thr	Asn	Met
65					70					75					80
Phe	Ile	Leu	Asn	Leu	Ala	Val	Ser	Asp	Leu	Leu	Val	Gly	Ile	Phe	Cys
				85		•			90					95	
Met	Pro	Thr	Thr	Leu	Val	Asp	Asn	Leu	Ile	Thr	Gly	Trp	Pro	Phe	Asp
			100					105					110		
Asn	Ala	Thr	Cys	Lys	Met	Ser	Gly	Leu	Val	Gln	Gly	Met	Ser	Val	Ser
		115					120			-		125			
Ala	Ser	Val	Phe	Thr	Leu	Val	Ala	Ile	Ala	Val	Glu	Arg	Phe	Arg	Cys
	130	-				135					140				
Ile	Val	His	Pro	Phe	Arg	Glu	Lys	Leu	Thr	Leu	Arg	Lys	Ala	Leu	Val
145					150					155					160
Thr	Ile	Ala	Val	Ile	Trp	Ala	Leu	Ala	Leu	Leu	Ile	Met	Cys	Pro	Ser
				165					170					175	
Ala	Val	Thr	Leu	Thr	Val	Thr	Arg	Glu	Glu	His	His	Phe	Met	Val	Asp
			180					185					190		
Ala	Arg	Asn	Arg	Ser	Tyr	Pro	Leu	Tyr	Ser	Cys	Trp	Glu	Ala	Trp	Pro

		19	5				20	0				20	5		
Glu	ı Ly:	s Gl	y Me	t Arg	g Arg	, Va	l Ty	r Th	r Th	r Va	l Lei	ı Phe	e Sei	r His	s Ile
	210	)				21	5				220	)			
Tyr	Lei	ıAla	a Pro	Let	ı Ala	Lei	ı Ile	e Va	l Va	l Me	t Tyı	Ala	Are	, Ile	Ala
225	j				230					235	5				240
Arg	Lys	Lei	ı Cys	Gln	Ala	Pro	Gly	y Pro	Al:	a Pro	Gly	Gly	Glu	Glu	Ala
				245	i				25	0				255	
Ala	Asp	Pro	Arg	Ala	Ser	Arg	Arg	g Arg	g Ala	a Arg	y Val	Val	His	Met	Leu
			260	l				265	5				270		
Val	Met	Val	Ala	Leu	Phe	Phe	Thr	Leu	Se ₁	Trp	Leu	Pro	Leu	Trp	Ala
		275	i				280	)				285			
Leu	Leu	Leu	Leu	Ile	Asp	Туг	Gly	Gln	Leu	Ser	Ala	Pro	Gln	Leu	His
	290					295					300				
Leu	Val	Thr	Val	Tyr	Ala	Phe	Pro	Phe	Ala	His	Trp	Leu	Ala	Phe	Phe
305					310					315					320
Asn	Ser	Ser	Ala	Asn	Pro	He	He	Tyr	Gly	Tyr	Phe	Asn	Glu	Asn	Phe
				325					330					335	
Arg	Arg	Gly	Phe	Gln	Ala	Ala	Phe	Arg	Ala	Arg	Leu	Cys	Pro	Arg	Pro
			340					345					350		•
Ser	Gly		His	Lys	Glu	Ala	Tyr	Ser	Glu	Arg	Pro	Gly	Gly	Leu	Leu
	-	355					360					365			
His		Arg	Val	Phe			Val	Arg	Pro	Ser	Asp	Ser	Gly	Leu	Pro
	370					375					380				
	Glu	Ser	Gly			Ser	Gly	Ala	Pro	Arg	Pro	Gly	Arg	Leu	Pro
385					390					395					400
Leu	Arg	Asn			Val 1	Ala	His	His	Gly	Leu	Pro	Arg	Glu	Gly	Pro
				405					410					415	

Gly Cys Ser His Leu Pro Leu Thr Ile Pro Ala Trp Asp Ile
420 425 430

<210> 55

<211> 1290

<212> DNA

<213> Human

<400> 55

ATGGAGGGG AGCCCTCCCA GCCTCCCAAC AGCAGTTGGC CCCTAAGTCA GAATGGGACT 60 AACACTGAGG CCACCCCGGC TACAAACCTC ACCTTCTCCT CCTACTATCA GCACACCTCC 120 CCTGTGGCGG CCATGTTCAT TGTGGCCTAT GCGCTCATCT TCCTGCTCTG CATGGTGGGC AACACCCTGG TCTGTTTCAT CGTGCTCAAG AACCGGCACA TGCATACTGT CACCAACATG TTCATCCTCA ACCTGGCTGT CAGTGACCTG CTGGTGGGCA TCTTCTGCAT GCCCACCACC 300 CTTGTGGACA ACCTCATCAC TGGGTGGCCC TTCGACAATG CCACATGCAA GATGAGCGGC TTGGTGCAGG GCATGTCTGT GTCGGCTTCC GTTTTCACAC TGGTGGCCAT TGCTGTGGAA 420 AGGTTCCGCT GCATCGTGCA CCCTTTCCGC GAGAAGCTGA CCCTGCGGAA GGCGCTCGTC 480 ACCATCGCCG TCATCTGGGC CCTGGCGCTG CTCATCATGT GTCCCTCGGC CGTCACGCTG ACCGTCACCC GTGAGGAGCA CCACTTCATG GTGGACGCCC GCAACCGCTC CTACCCTCTC 600 TACTCCTGCT GGGAGGCCTG GCCCGAGAAG GGCATGCGCA GGGTCTACAC CACTGTGCTC TTCTCGCACA TCTACCTGGC GCCGCTGGCG CTCATCGTGG TCATGTACGC CCGCATCGCG 720 CGCAAGCTCT GCCAGGCCCC GGGCCCGGCC CCCGGGGGCG AGGAGGCTGC GGACCCGCGA 780 GCATCGCGGC GCAGAGCGCG CGTGGTGCAC ATGCTGGTCA TGGTGGCGCT GTTCTTCACG 840 CTGTCCTGGC TGCCGCTCTG GGCGCTGCTG CTGCTCATCG ACTACGGGCA GCTCAGCGCG 900 CCGCAGCTGC ACCTGGTCAC CGTCTACGCC TTCCCCTTCG CGCACTGGCT GGCCTTCTTC AACAGCAGCG CCAACCCCAT CATCTACGGC TACTTCAACG AGAACTTCCG CCGCGGCTTC 1020 CAGGCCGCCT TCCGCGCCCG CCTCTGCCCG CGCCCGTCGG GGAGCCACAA GGAGGCCTAC 1080 TCCGAGCGGC CCGGCGGGCT TCTGCACAGG CGGGTCTTCG TGGTGGTGCG GCCCAGCGAC 1140 TCCGGGCTGC CCTCTGAGTC GGGCCCTAGC AGTGGGGCCC CCAGGCCCGG CCGCCTCCCG 1200

CTGCGGAAT	G GGCGGGTGG	C TCACCACGG	C TTGCCCAGG	G AAGGGCCTG	G CTGCTCCCA	C 1260
ствсссстс	A CCATTCCAG	C CTGGGATAT	С			1290
<210> 56						
<211> 129	0					
<212> DNA						
<213> Hum	an					
<b>&lt;400&gt;</b> 56						
ATGGAGGGG	G AGCCCTCCC	A GCCTCCCAAC	AGCAGTTGG	C CCCTAAGTCA	A GAATGGGACT	Γ <b>60</b>
AACACTGAG	G CCACCCCGG	C TACAAACCTO	ACCTTCTCC	CCTACTATCA	GCACACCTC	120
CCTGTGGCGC	G CCATGTTCA	TGTGGCCTAT	GCGCTCATC	г тсствстстс	CATGGTGGG	180
AACACCCTGC	TCTGTTTCAT	CGTGCTCAAG	AACCGGCACA	A TGCATACTGT	CACCAACATG	240
TTCATCCTCA	ACCTGGCTG	CAGTGACCTG	CTGGTGGGCA	A TCTTCTGCAT	GCCCACCACC	300
CTTGTGGACA	ACCTCATCAC	TGGGTGGCCC	TTCGACAATC	CCACATGCAA	GATGAGCGGC	360
TTGGTGCAGG	GCATGTCTGT	GTCGGCTTCC	GTTTTCACAC	TGGTGGCCAT	TGCTGTGGAA	420
AGGTTCCGCT	GCATCGTGCA	CCCTTTCCGC	GAGAAGCTGA	CCCTGCGGAA	GGCGCTCGTC	480
ACCATCGCCG	TCATCTGGGC	CCTGGCGCTG	CTCATCATGT	GTCCCTCGGC	CGTCACGCTG	540
ACCGTCACCC	GTGAGGAGCA	CCACTTCATG	GTGGACGCCC	GCAACCGCTC	CTACCCGCTC	600
TACTCCTGCT	GGGAGGCCTG	GCCCGAGAAG	GGCATGCGCA	GGGTCTACAC	CACTGTGCTC	660
TTCTCGCACA	TCTACCTGGC	GCCGCTGGCG	CTCATCGTGG	TCATGTACGC	CCGCATCGCG	720
CGCAAGCTCT	GCCAGGCCCC	GGGCCCGGCC	CCCGGGGGCG	AGGAGGCTGC	GGACCCGCGA	780
				TGGTGGCGCT		840
				ACTACGGGCA		900
CCGCAGCTGC	ACCTGGTCAC	CGTCTACGCC	TTCCCCTTCG	CGCACTGGCT	GGCCTTCTTC	960
				AGAACTTCCG		
				GGAGCCACAA		
				TGGTGGTGCG		
TCCGGGCTGC	CCTCTGAGTC	GGGCCCTAGC	AGTGGGGCCC	CCAGGCCCGG	CCGCCTCCCG	1200

ACTAGTTCAG ATATCCCAGG CTGGAATGG

29

CTGCGGAATG GGCGGGTGGC TCACCACGGC TTGCCCAGGG AAGGGCCTGG CTGCTCCCAC	1260
CTGCCCCTCA CCATTCCAGC CTGGGATATC	1290
<b>&lt;210&gt;</b> 57	
<211> 31	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223>	
<400> 57	
GTCGACATGG AGGGGGAGCC CTCCCAGCCT C	31
<210> 58	
<211> 29	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
⟨220⟩	
<b>〈223〉</b>	
<b>&lt;400&gt;</b> 58	

# THIS PAGE RI ANK (USPTO)

### INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP99/06283

Int	CO7K 14/705, C12N 15/12, A61K 39/395, G01N 33/50,	CO7K 2/00, A61K 38/00									
	to International Patent Classification (IPC) or to both	national classification and IPC									
	OS SEARCHED										
Int	documentation searched (classification system followe .Cl ⁷ C07K 14/705, C12N 15/12, A61K 39/395, G01N 33/50,	C12P 21/02, C07K 16/28, C07K 2/00, A61K 38/00									
	tion searched other than minimum documentation to the										
Swis	Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used) SwissProt/PIR/GeneSeq, MEDLINE (STN), Genbank/EMBL/DDBJ/GeneSeq, WPI (DIALOG), BIOSIS (DIALOG)										
C. DOCU	MENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT										
Category*	Citation of document, with indication, where a		Relevant to claim No.								
X	JP, 9-238686, A (Takeda Chemic 16 September, 1997 (16.09.97)	cal Industries, Ltd.), (Family: none)	1-44								
х	WO, 97/24436, A2 (TAKEDA CHEM 10 July, 1997 (10.07.97) & AU, 9712084, A & JP, 10-1 & EP, 870020, A2	1-44									
х	Daniela Marazziti et al.," chromosomal localization of the an orphan G-protein-coupled per in brain and testis", Genomics p.315-324	mouse Gpr37 gene encoding ptide receptor expressed	1-44								
	documents are listed in the continuation of Box C.	See patent family annex.									
"A" documer consider "E" earlier d date "L" documer cited to special r documer means documer than the	categories of cited documents:  nt defining the general state of the art which is not red to be of particular relevance locument but published on or after the international filing  nt which may throw doubts on priority claim(s) or which is establish the publication date of another citation or other reason (as specified)  nt referring to an oral disclosure, use, exhibition or other int published prior to the international filing date but later priority date claimed  ctual completion of the international search ebruary, 2000 (17.02.00)	"T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone "Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art document member of the same patent family  Date of mailing of the international search report 29 February, 2000 (29.02.00)									
	ailing address of the ISA/	Authorized officer									
Facsimile No.		Telephone No.									

A. 発明の属する分野の分類(国際特許分類(IPC))

Int.Cl' C07K 14/705, C12N 15/12, C12P 21/02, C07K 16/28, A61K 39/395, G01N 33/50, C07K 2/00, A61K 38/00

### B. 調査を行った分野

調査を行った最小限資料(国際特許分類(IPC))

Int.Cl' C07K 14/705, C12N 15/12, C12P 21/02, C07K 16/28, A61K 39/395, G01N 33/50, C07K 2/00, A61K 38/00

最小限資料以外の資料で調査を行った分野に含まれるもの

国際調査で使用した電子データベース (データベースの名称、調査に使用した用語) SwissProt/PIR/GeneSeq, MEDLINE(STN), Genbank/EMBL/DDBJ/GeneSeq, WPI(DIALOG), BIOSIS(DIALOG)

C. 関連すると認められる文献

	J C BiC O J 4 C O 文 RA	
引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
X	JP,9-238686,A (武田薬品工業株式会社) 16.9月.1997 (16.09.97) ファミリーなし	1-44
X	WO, 97/24436, A2 (TAKEDA CHEM IND LTD) 10.7月.1997 (10.07.97) & AU, 9712084, A & JP, 10-146192, A & EP, 870020, A2	1 - 44
X	Daniela Marazziti et al., "Molecular cloning and chromosomal localization of the mouse Gpr37 gene encoding an orphan G-protein-coupled peptide receptor expressed in brain and testis", Genomics (1998), Vol.53, No.3, p.315-324	1-44

│ C欄の続きにも文献が列挙されている。

### * 引用文献のカテゴリー

- 「A」特に関連のある文献ではなく、一般的技術水準を示す もの
- 「E」国際出願日前の出願または特許であるが、国際出願日 以後に公表されたもの
- 「L」優先権主張に疑義を提起する文献又は他の文献の発行 日若しくは他の特別な理由を確立するために引用する 文献(理由を付す)
- 「O」口頭による開示、使用、展示等に言及する文献
- 「P」国際出願日前で、かつ優先権の主張の基礎となる出願

の日の後に公表された文献

- 「T」国際出願日又は優先日後に公表された文献であって て出願と矛盾するものではなく、発明の原理又は理 論の理解のために引用するもの
- 「X」特に関連のある文献であって、当該文献のみで発明 の新規性又は進歩性がないと考えられるもの
- 「Y」特に関連のある文献であって、当該文献と他の1以 上の文献との、当業者にとって自明である組合せに よって進歩性がないと考えられるもの
- 「&」同一パテントファミリー文献

 国際調査を完了した日
 17.02.00
 国際調査報告の発送日
 29.02.00

 国際調査機関の名称及びあて先日本国特許庁(ISA/JP)郵便番号100-8915東京都千代田区霞が関三丁目4番3号
 特許庁審査官(権限のある職員)小容 道明 印
 4B 9358

 電話番号 03-3581-1101 内線 3448